

pTagRFP-vinculin vector

Table of restriction sites

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AanI	TTA!TAA	2	4734; 4939
AarI	CACCTGCNNNN!	0	
AarI	!NNNNNNNNGCAGGTG	0	
AasI	GACNNNN!NNGTC	4	2929; 5022; 5978; 7767
AatI	AGG!CCT	4	3379; 4014; 4261; 5772
AatII	GACGT!C	4	125; 178; 261; 447
AbsI	CC!TCGAGG	0	
AccI	GT!MKAC	1	1199
AccII	CG!CG	18	60; 1410; 1516; 4600; 4839; 4875; 5251; 5271; 5295; 5326; 6017; 6318; 6756; 6840; 6903; 6972; 7245; 7826
AccIII	T!CCGGA	1	1324
Acc16I	TGC!GCA	1	6053
Acc36I	ACCTGCNNNN!	4	1763; 2816; 6219; 6669
Acc36I	!NNNNNNNNGCAGGT	2	2445; 5838
Acc65I	G!GTACC	2	4216; 4583
AccB1I	G!GYRCC	9	465; 673; 733; 3234; 4216; 4583; 5104; 5950; 5985
AccB7I	CCANNNN!NTGG	3	1218; 2237; 2590
AccBSI	CCG!CTC	2	5375; 6564
AccBSI	GAG!CGG	2	5211; 6618
AceIII	CAGCTCNNNNNNN!	6	1676; 2513; 3127; 4114; 4384; 4907
AceIII	!NNNNNNNNNNGAGCTG	3	552; 619; 3857
AciI	C!CGC	40	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 932; 1070; 1172; 1389; 1514; 1526; 3919; 3922; 4598; 5266; 5269; 5283; 5373; 5621; 5633; 5642; 5654; 5664; 5675; 5721; 5860; 5923; 6425; 6470; 6536; 6562; 6687; 6690; 6838; 6970; 7277; 7421; 7917
AciI	G!CGG	33	370; 403; 528; 767; 1079; 1121; 1537; 2895; 3331; 3337; 4224; 4506; 4594; 5211; 5238; 5326; 5436; 6017; 6081; 6182; 6185; 6465; 6520; 6618; 6756; 6903; 7043; 7286; 7531; 7652; 7671; 7798; 7826
AclI	AA!CGTT	0	
AclWI	GGATCNNNN!	14	1598; 2430; 3143; 3505; 3685; 3725; 3868; 5819; 6130; 6376; 6768; 7127; 7225; 7311
AclWI	!NNNNNGATCC	12	580; 1154; 2417; 2575; 2656; 3672; 3712; 3855; 6195; 6739; 7126; 7223
AcoI	Y!GGCCR	20	1277; 1386; 1523; 1538; 1904; 2435; 2777; 2789; 2834; 2849; 2960; 3320; 3614; 3875; 4283; 4595; 5857; 6031; 6422; 6449
AcsI	R!AATTY	7	1353; 1811; 3708; 4532; 4765; 4869; 4880
AcuI	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	7	1129; 2201; 2651; 4010; 4535; 6097; 6529
AcuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	3	1660; 3551; 7327
AcvI	CAC!GTG	0	
AcyI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 1196; 3235; 5951; 6653; 6732
AdeI	CACNNN!GTG	4	1269; 1461; 1956; 5067
AfaI	GT!AC	14	219; 244; 299; 332; 383; 540; 664; 814; 1066; 2864; 3345; 4218; 4585; 6257
AfeI	AGC!GCT	1	596
AfiI	CCNNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1434; 1557; 2237; 2264; 2590; 2832; 2951; 3687; 3903; 4338; 4593; 4963; 5289; 5681; 5932; 6476; 6757; 6789; 6921; 6956; 7006; 7038; 7391; 7670; 7836; 7854
AfiiI	C!TTAAG	0	
AfiiiI	A!CRYGT	2	4837; 7869
AgeI	A!CCGGT	2	600; 2430
AgsI	TTS!AA	14	696; 1146; 1381; 1579; 1602; 3292; 3511; 3940; 4526; 5362; 5406; 5416; 5829; 7405
AhdI	GACNNN!NNGTC	0	
AhII	A!CTAGT	0	
AjiI	CAC!GTC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AjiI	GAC!GTG	0	
Ajnl	!CCWGG	32	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1427; 1457; 1658; 1887; 1943; 2161; 2225; 2262; 3062; 3410; 3447; 3590; 3822; 3842; 3863; 4579; 5485; 5540; 5557; 6336; 6915; 7018; 7708; 7721; 7842
AjuI	GAANNNNNNNTTGGNNNNNNNNNN!	1	2214
AjuI	!NNNNNNCCAANNNNNNNTTC	0	
AjuI	CCAANNNNNNNTTCNNNNNNNNNN!	0	
AjuI	!NNNNNNNGAANNNNNNNTTGG	1	2182
AleI	CACNN!NNGTG	2	613; 2895
AlfI	GCANNNNNTGCGNNNNNNNNNN!	4	2558; 4189; 5525; 5597
AlfI	!NNNNNNNNNGGCANNNNNTGC	4	2524; 4155; 5491; 5563
AloI	GAACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	2	1020; 5033
AloI	!NNNNNNNGGANNNNNNTTC	2	3709; 4027
AloI	GGANNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	2	3741; 4059
AloI	!NNNNNNNGAACNNNNNTCC	2	988; 5001
AluI	AG!CT	49	566; 633; 660; 806; 1113; 1342; 1348; 1377; 1653; 1666; 1935; 2014; 2068; 2308; 2449; 2503; 2511; 2635; 2860; 3042; 3054; 3117; 3145; 3213; 3283; 3309; 3460; 3610; 3745; 3799; 3839; 3871; 3963; 4104; 4117; 4374; 4513; 4519; 4730; 4897; 5154; 5449; 5737; 6057; 6515; 7312; 7569; 7615; 7705
AluBI	AG!CT	49	566; 633; 660; 806; 1113; 1342; 1348; 1377; 1653; 1666; 1935; 2014; 2068; 2308; 2449; 2503; 2511; 2635; 2860; 3042; 3054; 3117; 3145; 3213; 3283; 3309; 3460; 3610; 3745; 3799; 3839; 3871; 3963; 4104; 4117; 4374; 4513; 4519; 4730; 4897; 5154; 5449; 5737; 6057; 6515; 7312; 7569; 7615; 7705
AlwI	GGATCNNNN!	14	1598; 2430; 3143; 3505; 3685; 3725; 3868; 5819; 6130; 6376; 6768; 7127; 7225; 7311
AlwI	!NNNNNGATCC	12	580; 1154; 2417; 2575; 2656; 3672; 3712; 3855; 6195; 6739; 7126; 7223
Alw21I	GWGCW!C	10	703; 1344; 1937; 1952; 2480; 3105; 4309; 6064; 6254; 7559
Alw26I	GTCTCN!	3	434; 3423; 4196
Alw26I	!NNNNNGAGAC	10	1240; 1564; 1840; 1917; 3472; 4492; 5375; 5793; 6812; 6940
Alw44I	G!TGCAC	3	699; 4305; 7555
AlwNI	CAGNNN!CTG	8	1286; 1699; 2469; 2808; 3636; 4546; 7052; 7460
Ama87I	C!YCGRG	5	1337; 1365; 1703; 2768; 3395
Aor13HI	T!CCGGA	1	1324
Aor51HI	AGC!GCT	1	596
ApaI	GGGCC!C	0	
ApaBI	GCANNNNN!TGC	4	2809; 5519; 5591; 7053
ApaLI	G!TGCAC	3	699; 4305; 7555
ApeKI	G!CWGC	33	818; 962; 1260; 1663; 1995; 2500; 2560; 2857; 2941; 3067; 3226; 3280; 3334; 3424; 3460; 3745; 4093; 4153; 4156; 4519; 4727; 5246; 5911; 6012; 6054; 6095; 6188; 6575; 7028; 7254; 7460; 7463; 7528
ApoI	R!AATTY	7	1353; 1811; 3708; 4532; 4765; 4869; 4880
ApyPI	ATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6466
ApyPI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGAT	3	6260; 6913; 7751
AquII	GCCGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	4438; 6350
AquII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCGGC	1	794
AquIII	GAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	1499; 4457; 5779
AquIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTC	1	3949
AquIV	GRGGAAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	2087; 3101
AquIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCYC	1	6521
ArsI	GACNNNNNTTYGNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNCRAANNNNNGTC	0	
ArsI	CRAANNNNNGTCNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNNGACNNNNNTTYG	0	
AscI	GG!CGGCC	0	
AseI	AT!TAAT	2	7; 2114
Asi256I	G!ATC	38	586; 984; 1134; 1160; 1334; 1416; 1449; 1591; 2295; 2389; 2423; 2553; 2581; 2662; 2731; 3010; 3136; 3498; 3678; 3718; 3861; 4609; 5789; 5793; 5812; 6123; 6201; 6282; 6291; 6369; 6745; 6761; 7120; 7132; 7210; 7218; 7229; 7304
AsiGI	A!CCGGT	2	600; 2430
AsiSI	GCGAT!CGC	0	
AspI	GACN!NNGTC	1	6069

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Asp700I	GAANN!NNTTC	2	3371; 3813
Asp718I	G!GTACC	2	4216; 4583
AspA2I	C!CTAGG	3	4009; 5773; 6788
AspEI	GACNNN!NNGTC	0	
AspLEI	GCG!C	27	597; 1412; 1518; 3237; 3249; 4166; 4562; 5217; 5225; 5251; 5273; 5282; 5295; 5326; 5945; 5953; 6017; 6054; 6320; 6580; 6756; 6842; 7245; 7354; 7528; 7628; 7695
AspS9I	G!GNCC	26	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1782; 1885; 2165; 2593; 2796; 2995; 3036; 3393; 3668; 3999; 4127; 4410; 4415; 5058; 6467; 6912; 6958; 7016; 7049
AssI	AGT!ACT	0	
AsuII	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
AsuC2I	CC!SGG	9	1193; 1558; 2827; 2950; 4062; 5955; 6115; 6728; 7492
AsuHPI	GGTGANNNNNNNN!	12	376; 1005; 1473; 1977; 2287; 2332; 3795; 4006; 4080; 4284; 7022; 7138
AsuHPI	!NNNNNNNTCACC	7	894; 1503; 1933; 2133; 2420; 5068; 6129
AsuNHI	G!CTAGC	1	591
AvaI	C!YCGRG	5	1337; 1365; 1703; 2768; 3395
AvaII	G!GWCC	9	1209; 1782; 2593; 3036; 3999; 4127; 4415; 6467; 6912
AviII	TGC!GCA	1	6053
AvrII	C!CTAGG	3	4009; 5773; 6788
AxyI	CC!TNAGG	5	878; 3092; 3902; 5431; 7063
BaeI	ACNNNNGTAYCNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNGRTACNNNNNGT	0	
BaeI	GRTACNNNNGTNNNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNNNACNNNNGTAYC	0	
BaeGI	GKGC!C	9	676; 703; 736; 1313; 4230; 4309; 5897; 5990; 7559
BalI	TGG!CCA	10	1279; 1906; 2437; 2779; 2791; 2836; 3616; 3877; 4285; 6033
BamHI	G!GATCC	4	2422; 3677; 3717; 3860
BanI	G!GYRCC	9	465; 673; 733; 3234; 4216; 4583; 5104; 5950; 5985
BanII	GRGCY!C	5	1344; 1937; 5142; 6316; 7026
BanIII	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
BarI	GAAGNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGTANNNNNNCTTC	0	
BarI	GTANNNNNNCTTCNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGAAGNNNNNTAC	0	
BasI	CCANNN!NTGG	3	1218; 2237; 2590
BauI	C!ACGAG	5	1264; 1471; 3098; 6669; 7696
BauI	C!TCGTG	2	1114; 6543
BbeI	GGCG!C	2	3238; 5954
Bbr7I	GAAGACNNNNNN!	3	925; 2750; 3399
Bbr7I	!NNNNNNNNNNNGTCTTC	0	
BbrPI	CAC!GTG	0	
BbsI	GAAGACNN!	3	920; 2745; 3394
BbsI	!NNNNNNNGTCTTC	0	
BbuI	GCATG!C	4	1395; 5521; 5593; 6356
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	14	830; 1272; 1675; 2512; 2869; 3238; 3292; 4165; 4739; 6024; 6066; 6587; 7040; 7540
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	949; 1982; 2547; 2928; 3054; 3321; 3411; 3447; 3732; 4080; 4506; 5233; 5898; 6082; 6175; 7241; 7447
Bbv12I	GWGCW!C	10	703; 1344; 1937; 1952; 2480; 3105; 4309; 6064; 6254; 7559
BbvCI	CC!TCAGC	0	
BbvCI	GC!TGAGG	1	1778
BccI	CCATCNNNN!	9	1011; 2293; 2953; 3214; 3778; 5081; 5645; 6171; 6673
BccI	!NNNNNGATGG	9	1714; 1896; 2985; 3774; 4083; 4173; 5049; 5829; 6257
BceAI	ACGGCNNNNNNNNNN!	12	831; 975; 1026; 1092; 1401; 1506; 2810; 3248; 3335; 3407; 6377; 6864
BceAI	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	4	1513; 5092; 5910; 7369
BceFI	ACGGCNNNNNNNNNN!	12	831; 975; 1026; 1092; 1401; 1506; 2810; 3248; 3335; 3407; 6377; 6864
BceFI	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	4	1514; 5093; 5911; 7370
BcgI	CGANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNNGCANNNNNNTCG	0	
BcgI	GCANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNNCGANNNNNNTGC	0	
BciVI	GTATCCNNNNNN!	3	5380; 6170; 7671

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BciVI	!NNNNNGGATAC	0	
BclI	T!GATCA	1	2388
BcnI	CC!SGG	9	1193; 1558; 2827; 2950; 4062; 5955; 6115; 6728; 7492
BcuI	A!CTAGT	0	
BdaI	TGANNNNNNNTCANNNNNNNNNNNN!	1	7804
BdaI	!NNNNNNNNNNNTGANNNNNNNTCA	1	7770
BfaI	C!TAG	13	592; 1298; 2092; 2252; 2374; 4010; 4606; 4800; 5218; 5774; 6789; 7123; 7376
BfiI	ACTGGGNNNNN!	2	1315; 5900
BfiI	!NNNNCCCAGT	2	289; 5652
BfmI	C!TRYAG	5	2800; 2809; 5286; 7413; 7604
BfoI	RGCGC!Y	6	598; 3238; 5218; 5226; 5954; 7629
BfrI	C!TTAAG	0	
BfuI	GTATCCNNNNNN!	3	5380; 6170; 7671
BfuI	!NNNNNGGATAC	0	
BfuAI	ACCTGCNNNN!	4	1763; 2816; 6219; 6669
BfuAI	!NNNNNNNNNGCAGGT	2	2445; 5838
BfuCI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
BglI	GCCNNNN!NGGC	9	90; 212; 283; 1088; 1534; 3003; 3055; 3328; 5726
BglII	A!GATCT	5	1333; 1448; 2294; 2730; 3009
BisI	GC!NGC	57	768; 819; 963; 1080; 1261; 1389; 1526; 1538; 1664; 1996; 2501; 2561; 2858; 2942; 3068; 3227; 3281; 3332; 3335; 3425; 3461; 3746; 3922; 4094; 4154; 4157; 4520; 4595; 4598; 4728; 5247; 5269; 5283; 5721; 5860; 5912; 5923; 6013; 6018; 6055; 6096; 6183; 6186; 6189; 6425; 6521; 6562; 6576; 6690; 7029; 7044; 7255; 7461; 7464; 7529; 7672; 7827
BlnI	C!CTAGG	3	4009; 5773; 6788
BlpI	GC!TNAGC	1	2450
BlsI	GCN!GC	57	769; 820; 964; 1081; 1262; 1390; 1527; 1539; 1665; 1997; 2502; 2562; 2859; 2943; 3069; 3228; 3282; 3333; 3336; 3426; 3462; 3747; 3923; 4095; 4155; 4158; 4521; 4596; 4599; 4729; 5248; 5270; 5284; 5722; 5861; 5913; 5924; 6014; 6019; 6056; 6097; 6184; 6187; 6190; 6426; 6522; 6563; 6577; 6691; 7030; 7045; 7256; 7462; 7465; 7530; 7673; 7828
BmcAI	AGT!ACT	0	
Bme18I	G!GWCC	9	1209; 1782; 2593; 3036; 3999; 4127; 4415; 6467; 6912
Bme1390I	CC!NGG	41	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1429; 1459; 1558; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 2827; 2950; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4062; 4581; 5487; 5542; 5559; 5955; 6115; 6338; 6728; 6917; 7020; 7492; 7710; 7723; 7844
BmeRI	GACNNN!NNGTC	0	
BmeT110I	C!YCGRG	5	1337; 1365; 1703; 2768; 3395
BmgBI	CAC!GTC	0	
BmgBI	GAC!GTG	0	
BmgT120I	GG!NCC	26	84; 277; 770; 1013; 1105; 1126; 1210; 1783; 1886; 2166; 2594; 2797; 2996; 3037; 3394; 3669; 4000; 4128; 4411; 4416; 5059; 6468; 6913; 6959; 7017; 7050
BmiI	GGN!NCC	30	467; 675; 735; 1126; 1433; 2242; 2424; 2996; 3236; 3445; 3679; 3719; 3862; 3908; 4001; 4218; 4585; 5106; 5127; 5139; 5330; 5491; 5563; 5952; 5987; 6835; 6914; 6959; 7802; 7841
BmrI	ACTGGGNNNNN!	2	1315; 5900
BmrI	!NNNNCCCAGT	2	289; 5652
BmrFI	CC!NGG	41	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1429; 1459; 1558; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 2827; 2950; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4062; 4581; 5487; 5542; 5559; 5955; 6115; 6338; 6728; 6917; 7020; 7492; 7710; 7723; 7844
BmsI	GCATCNNNNN!	11	857; 1433; 1742; 2979; 3118; 4767; 5530; 5602; 6250; 6314; 6589
BmsI	!NNNNNNNNNGATGC	19	357; 1010; 1049; 1178; 1661; 2148; 2259; 2547; 3140; 3234; 3552; 3623; 3780; 4445; 4533; 5909; 6164; 6380; 7772
BmtI	GCTAG!C	1	595
BmuI	ACTGGGNNNNN!	2	1315; 5900
BmuI	!NNNNCCCAGT	2	289; 5652
BoxI	GACNN!NNGTC	1	1252
BpiI	GAAGACNN!	3	920; 2745; 3394

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BpiI	!NNNNNGTCTTC	0	
BpII	GAGNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	2	5740; 6639
BpI	!NNNNNNNGAGNNNNNCTC	2	5708; 6607
BpmI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1450; 6791
BpmI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	3	937; 2744; 6734
Bpu10I	CC!TNAGC	1	4049
Bpu10I	GC!TNAGG	1	1778
Bpu14I	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	2450
BpuAI	GAAGACNN!	3	920; 2745; 3394
BpuAI	!NNNNNGTCTTC	0	
BpuEI	CTTGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	2890; 7245; 7784
BpuEI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCAAG	4	1168; 1328; 6327; 7486
BpuMI	CC!SGG	9	1193; 1558; 2827; 2950; 4062; 5955; 6115; 6728; 7492
BpvUI	CGAT!CG	1	1418
BsaI	GGTCTCN!	1	3423
BsaI	!NNNNNGAGACC	3	1240; 3472; 6940
Bsa29I	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
BsaAI	YAC!GTR	3	340; 5067; 6255
BsaBI	GATNN!NNATC	2	4613; 5810
BsaHI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 1196; 3235; 5951; 6653; 6732
BsaJI	C!CNNGG	43	360; 611; 707; 842; 843; 938; 1520; 2052; 2162; 2262; 2263; 2694; 2774; 2792; 2925; 2949; 3230; 3410; 3447; 3713; 3822; 3864; 3878; 4009; 4061; 4244; 4256; 4286; 4579; 5485; 5557; 5680; 5715; 5724; 5773; 6114; 6383; 6788; 6915; 6916; 7018; 7019; 7709
BsaMI	GAATGCN!	2	1644; 4702
BsaMI	G!CATTC	2	3371; 4795
BsaWI	W!CCGGW	9	600; 1324; 2430; 2595; 3674; 5982; 6826; 7516; 7663
BsaXI	ACNNNNNCTCCNNNNNNNNNN!	3	3216; 3252; 5031
BsaXI	!NNNNNNNGGAGNNNNNGT	0	
BsaXI	GGAGNNNNNGTNNNNNNNNNN!	0	
BsaXI	!NNNNNNNNNACNNNNNCTCC	3	3186; 3222; 5001
BsbI	CAACACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	1076
BsbI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGTTG	2	4952; 6859
Bsc4I	CCNNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1434; 1557; 2237; 2264; 2590; 2832; 2951; 3687; 3903; 4338; 4593; 4963; 5289; 5681; 5932; 6476; 6757; 6789; 6921; 6956; 7006; 7038; 7391; 7670; 7836; 7854
BscAI	GCATCNNNN!	11	856; 1432; 1741; 2978; 3117; 4766; 5529; 5601; 6249; 6313; 6588
BscAI	!NNNNNGATGC	19	360; 1013; 1052; 1181; 1664; 2151; 2262; 2550; 3143; 3237; 3555; 3626; 3783; 4448; 4536; 5912; 6167; 6383; 7775
Bse1I	ACTGGN!	6	1223; 1310; 2575; 5895; 6096; 7342
Bse1I	C!CAGT	10	295; 1396; 1999; 3492; 3653; 4587; 4980; 5658; 7454; 7467
Bse8I	GATNN!NNATC	2	4613; 5810
Bse21I	CC!TNAGG	5	878; 3092; 3902; 5431; 7063
Bse118I	R!CCGGY	8	600; 1434; 2430; 2847; 5168; 6270; 6451; 6734
BseAI	T!CCGGA	1	1324
BseBI	CC!WGG	32	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1429; 1459; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4581; 5487; 5542; 5559; 6338; 6917; 7020; 7710; 7723; 7844
BseCI	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
BseDI	C!CNNGG	43	360; 611; 707; 842; 843; 938; 1520; 2052; 2162; 2262; 2263; 2694; 2774; 2792; 2925; 2949; 3230; 3410; 3447; 3713; 3822; 3864; 3878; 4009; 4061; 4244; 4256; 4286; 4579; 5485; 5557; 5680; 5715; 5724; 5773; 6114; 6383; 6788; 6915; 6916; 7018; 7019; 7709
Bse3DI	GCAATGNN!	2	4146; 6184
Bse3DI	!CATTGC	2	2540; 4148
BseGI	GGATGNN!	12	2157; 2274; 2478; 2925; 3155; 3567; 3795; 4041; 5811; 6268; 6293; 6747
BseGI	!CATCC	8	703; 791; 848; 1003; 1424; 1733; 2945; 5637
BseJI	GATNN!NNATC	2	4613; 5810

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BseLI	CCNNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1434; 1557; 2237; 2264; 2590; 2832; 2951; 3687; 3903; 4338; 4593; 4963; 5289; 5681; 5932; 6476; 6757; 6789; 6921; 6956; 7006; 7038; 7391; 7670; 7836; 7854
BseMI	GCAATGNN!	2	4146; 6184
BseMI	!CATTGC	2	2540; 4148
BseMII	CTCAGNNNNNNNNN!	14	1344; 1681; 1706; 2464; 2578; 3106; 3127; 3181; 3395; 3643; 3863; 3916; 4277; 7077
BseMII	!NNNNNNNNCTGAG	11	869; 1577; 1769; 4040; 4175; 4430; 5422; 5724; 6605; 7177; 7586
BseNI	ACTGGN!	6	1223; 1310; 2575; 5895; 6096; 7342
BseNI	C!CAGT	10	295; 1396; 1999; 3492; 3653; 4587; 4980; 5658; 7454; 7467
BsePI	G!CGCGC	0	
BseRI	GAGGAGNNNNNNNNN!	3	1489; 4447; 5769
BseRI	!NNNNNNNNCTCCTC	1	3959
BseSI	GKGCMI!C	9	676; 703; 736; 1313; 4230; 4309; 5897; 5990; 7559
BseXI	GCAGCNNNNNNNN!	14	830; 1272; 1675; 2512; 2869; 3238; 3292; 4165; 4739; 6024; 6066; 6587; 7040; 7540
BseXI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	949; 1982; 2547; 2928; 3054; 3321; 3411; 3447; 3732; 4080; 4506; 5233; 5898; 6082; 6175; 7241; 7447
BseX3I	C!GGCCG	5	1386; 1538; 3320; 4595; 5857
BseYI	C!CCAGC	5	3050; 4370; 5494; 5566; 7565
BseYI	G!CTGGG	5	1040; 3643; 4407; 4562; 6455
BsgI	GTGCAGNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1552; 2351
BsgI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGCAC	0	
Bsh1236I	CG!CG	18	60; 1410; 1516; 4600; 4839; 4875; 5251; 5271; 5295; 5326; 6017; 6318; 6756; 6840; 6903; 6972; 7245; 7826
Bsh1285I	CGRY!CG	8	605; 1389; 1418; 1541; 3323; 4598; 5860; 7535
BshFI	GG!CC	59	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1388; 1525; 1540; 1887; 1906; 2167; 2203; 2230; 2284; 2437; 2779; 2791; 2797; 2836; 2851; 2962; 2997; 3160; 3322; 3379; 3394; 3616; 3670; 3877; 4014; 4060; 4261; 4285; 4399; 4412; 4447; 4597; 4917; 5059; 5714; 5720; 5729; 5772; 5859; 6033; 6424; 6451; 6960; 7017; 7050; 7395; 7829; 7847; 7858
BshNI	G!GYRCC	9	465; 673; 733; 3234; 4216; 4583; 5104; 5950; 5985
BshTI	A!CCGGT	2	600; 2430
BshVI	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
BsiEI	CGRY!CG	8	605; 1389; 1418; 1541; 3323; 4598; 5860; 7535
BsiHKAI	GWGCW!C	10	703; 1344; 1937; 1952; 2480; 3105; 4309; 6064; 6254; 7559
BsiHKCI	C!YCGRG	5	1337; 1365; 1703; 2768; 3395
BsiSI	C!CGG	29	601; 1193; 1325; 1435; 1557; 2431; 2596; 2826; 2848; 2949; 3675; 4061; 4413; 5169; 5856; 5933; 5955; 5983; 6114; 6204; 6271; 6452; 6727; 6735; 6827; 7301; 7491; 7517; 7664
BsiWI	C!GTACG	0	
BsII	CCNNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1434; 1557; 2237; 2264; 2590; 2832; 2951; 3687; 3903; 4338; 4593; 4963; 5289; 5681; 5932; 6476; 6757; 6789; 6921; 6956; 7006; 7038; 7391; 7670; 7836; 7854
BsIFI	GGGACNNNNNNNNNN!	6	175; 326; 494; 6102; 6634; 6743
BsIFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	5	3985; 5467; 5539; 5603; 6898
BsmI	GAATGCN!	2	1644; 4702
BsmI	G!CATTC	2	3371; 4795
BsmAI	GTCTCN!	3	434; 3423; 4196
BsmAI	!NNNNNGAGAC	10	1240; 1564; 1840; 1917; 3472; 4492; 5375; 5793; 6812; 6940
BsmBI	CGTCTCN!	0	
BsmBI	!NNNNNGAGACG	0	
BsmFI	GGGACNNNNNNNNNN!	6	175; 326; 494; 6102; 6634; 6743
BsmFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	5	3985; 5467; 5539; 5603; 6898
BsnI	GG!CC	59	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1388; 1525; 1540; 1887; 1906; 2167; 2203; 2230; 2284; 2437; 2779; 2791; 2797; 2836; 2851; 2962; 2997; 3160; 3322; 3379; 3394; 3616; 3670; 3877; 4014; 4060; 4261; 4285; 4399; 4412; 4447; 4597; 4917; 5059; 5714; 5720; 5729; 5772; 5859; 6033; 6424; 6451; 6960; 7017; 7050; 7395; 7829; 7847; 7858
Bso3II	GGTCTCN!	1	3423
Bso3II	!NNNNNGAGACC	3	1240; 3472; 6940
BsoBI	C!YCGRG	5	1337; 1365; 1703; 2768; 3395
Bsp13I	T!CCGGA	1	1324

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Bsp19I	C!CATGG	4	360; 611; 5680; 6383
Bsp24I	GACNNNNNTGGNNNNNNNNNN!	2	289; 6754
Bsp24I	!NNNNNNCCANNNNNNGTC	2	7175; 7353
Bsp24I	CCANNNNNGTCNNNNNNNNNN!	2	7207; 7385
Bsp24I	!NNNNNNNGACNNNNNTGG	2	257; 6722
Bsp68I	TCG!CGA	0	
Bsp119I	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
Bsp120I	G!GGCCC	0	
Bsp143I	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
Bsp1286I	GDGCH!C	19	676; 703; 736; 1313; 1344; 1937; 1952; 2480; 3105; 4230; 4309; 5142; 5897; 5990; 6064; 6254; 6316; 7026; 7559
Bsp1407I	T!GTACA	2	662; 2862
Bsp1720I	GC!TNAGC	1	2450
BspACI	C!CGC	40	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 932; 1070; 1172; 1389; 1514; 1526; 3919; 3922; 4598; 5266; 5269; 5283; 5373; 5621; 5633; 5642; 5654; 5664; 5675; 5721; 5860; 5923; 6425; 6470; 6536; 6562; 6687; 6690; 6838; 6970; 7277; 7421; 7917
BspACI	G!CGG	33	370; 403; 528; 767; 1079; 1121; 1537; 2895; 3331; 3337; 4224; 4506; 4594; 5211; 5238; 5326; 5436; 6017; 6081; 6182; 6185; 6465; 6520; 6618; 6756; 6903; 7043; 7286; 7531; 7652; 7671; 7798; 7826
BspCNI	CTCAGNNNNNNNN!	14	1343; 1680; 1705; 2463; 2577; 3105; 3126; 3180; 3394; 3642; 3862; 3915; 4276; 7076
BspCNI	!NNNNNNCTGAG	11	870; 1578; 1770; 4041; 4176; 4431; 5423; 5725; 6606; 7178; 7587
BspDI	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
BspD6I	GACTCNNNN!	12	418; 1336; 2220; 3132; 3173; 3855; 4283; 4583; 4610; 5024; 6630; 7507
BspD6I	!NNNNNGAGTC	6	892; 2923; 3080; 4428; 4987; 5419
BspEI	T!CCGGA	1	1324
BspFNI	CG!CG	18	60; 1410; 1516; 4600; 4839; 4875; 5251; 5271; 5295; 5326; 6017; 6318; 6756; 6840; 6903; 6972; 7245; 7826
BspHI	T!CATGA	2	5377; 7149
BspLI	GGN!NCC	30	467; 675; 735; 1126; 1433; 2242; 2424; 2996; 3236; 3445; 3679; 3719; 3862; 3908; 4001; 4218; 4585; 5106; 5127; 5139; 5330; 5491; 5563; 5952; 5987; 6835; 6914; 6959; 7802; 7841
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	1763; 2816; 6219; 6669
BspMI	!NNNNNNNGCAGGT	2	2445; 5838
BspOI	GCTAG!C	1	595
BspPI	GGATCNNNN!	14	1598; 2430; 3143; 3505; 3685; 3725; 3868; 5819; 6130; 6376; 6768; 7127; 7225; 7311
BspPI	!NNNNNGATCC	12	580; 1154; 2417; 2575; 2656; 3672; 3712; 3855; 6195; 6739; 7126; 7223
BspQI	GCTCTCN!	0	
BspQI	!NNNNGAAGAGC	4	623; 2600; 6295; 6505
BspTI	C!TTAAG	0	
BspT104I	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
BspT107I	G!GYRCC	9	465; 673; 733; 3234; 4216; 4583; 5104; 5950; 5985
BspTNI	GGTCTCN!	1	3423
BspTNI	!NNNNNGAGACC	3	1240; 3472; 6940
BsrI	ACTGGN!	6	1223; 1310; 2575; 5895; 6096; 7342
BsrI	C!CAGT	10	295; 1396; 1999; 3492; 3653; 4587; 4980; 5658; 7454; 7467
BsrBI	CCG!CTC	2	5375; 6564
BsrBI	GAG!CGG	2	5211; 6618
BsrDI	GCAATGNN!	2	4146; 6184
BsrDI	!CATTGC	2	2540; 4148
BsrFI	R!CCGGY	8	600; 1434; 2430; 2847; 5168; 6270; 6451; 6734
BsrGI	T!GTACA	2	662; 2862
BsrSI	ACTGGN!	6	1223; 1310; 2575; 5895; 6096; 7342
BsrSI	C!CAGT	10	295; 1396; 1999; 3492; 3653; 4587; 4980; 5658; 7454; 7467
BssAI	R!CCGGY	8	600; 1434; 2430; 2847; 5168; 6270; 6451; 6734

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BssECI	C!CNNGG	43	360; 611; 707; 842; 843; 938; 1520; 2052; 2162; 2262; 2263; 2694; 2774; 2792; 2925; 2949; 3230; 3410; 3447; 3713; 3822; 3864; 3878; 4009; 4061; 4244; 4256; 4286; 4579; 5485; 5557; 5680; 5715; 5724; 5773; 6114; 6383; 6788; 6915; 6916; 7018; 7019; 7709
BssHII	G!CGCGC	0	
BssKI	!CCNGG	41	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1191; 1427; 1457; 1556; 1658; 1887; 1943; 2161; 2225; 2262; 2825; 2948; 3062; 3410; 3447; 3590; 3822; 3842; 3863; 4060; 4579; 5485; 5540; 5557; 5953; 6113; 6336; 6726; 6915; 7018; 7490; 7708; 7721; 7842
BssMI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
BssNI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 1196; 3235; 5951; 6653; 6732
BssNAI	GTA!TAC	0	
BssSI	C!ACGAG	5	1264; 1471; 3098; 6669; 7696
BssSI	C!TCGTG	2	1114; 6543
BssTII	C!CWGGG	14	360; 611; 2052; 2694; 2774; 3878; 4009; 4244; 4256; 4286; 5680; 5773; 6383; 6788
Bst6I	CTCTCN!	0	
Bst6I	!NNNNGAAGAG	9	623; 1597; 2185; 2600; 3254; 4034; 5418; 6295; 6505
Bst98I	C!TTAAG	0	
Bst1107I	GTA!TAC	0	
BstACI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 1196; 3235; 5951; 6653; 6732
BstAFI	C!TTAAG	0	
BstAPI	GCANNNN!NTGC	4	2808; 5518; 5590; 7052
BstAUI	T!GTACA	2	662; 2862
BstBI	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
Bst2BI	C!ACGAG	5	1264; 1471; 3098; 6669; 7696
Bst2BI	C!TCGTG	2	1114; 6543
BstBAI	YAC!GTR	3	340; 5067; 6255
Bst4CI	ACN!GT	22	76; 198; 269; 543; 581; 678; 1575; 1830; 1983; 2916; 2926; 3363; 4392; 4503; 5042; 6331; 6447; 6555; 6878; 7369; 7839; 7910
BstC8I	GCN!NGC	43	86; 279; 593; 721; 925; 1393; 1535; 1644; 1700; 2169; 2282; 2334; 2509; 2576; 2888; 3056; 3965; 4119; 4226; 4445; 5170; 5213; 5227; 5500; 5519; 5572; 5591; 5845; 6031; 6250; 6316; 6322; 6354; 6399; 6453; 6736; 6923; 6970; 7026; 7048; 7259; 7819; 7856
BstDEI	C!TNAG	32	620; 878; 1175; 1330; 1586; 1667; 1692; 1778; 1898; 2298; 2450; 2462; 2564; 3092; 3113; 3167; 3381; 3439; 3629; 3692; 3849; 3902; 4049; 4184; 4263; 4439; 5431; 5733; 6614; 7063; 7186; 7595
BstDSI	C!CRYGG	8	360; 611; 1520; 2792; 2925; 3230; 5680; 6383
BstEII	G!GTNACC	0	
BstENI	CCTNN!NNNAGG	1	4336
BstF5I	GGATGNN!	12	2157; 2274; 2478; 2925; 3155; 3567; 3795; 4041; 5811; 6268; 6293; 6747
BstF5I	!CATCC	8	703; 791; 848; 1003; 1424; 1733; 2945; 5637
BstFNI	CG!CG	18	60; 1410; 1516; 4600; 4839; 4875; 5251; 5271; 5295; 5326; 6017; 6318; 6756; 6840; 6903; 6972; 7245; 7826
BstH2I	RGCGC!Y	6	598; 3238; 5218; 5226; 5954; 7629
BstHHI	GCG!C	27	597; 1412; 1518; 3237; 3249; 4166; 4562; 5217; 5225; 5251; 5273; 5282; 5295; 5326; 5945; 5953; 6017; 6054; 6320; 6580; 6756; 6842; 7245; 7354; 7528; 7628; 7695
BstKTI	GAT!C	38	588; 986; 1136; 1162; 1336; 1418; 1451; 1593; 2297; 2391; 2425; 2555; 2583; 2664; 2733; 3012; 3138; 3500; 3680; 3720; 3863; 4611; 5791; 5795; 5814; 6125; 6203; 6284; 6293; 6371; 6747; 6763; 7122; 7134; 7212; 7220; 7231; 7306
BstMAI	GTCTCN!	3	434; 3423; 4196
BstMAI	!NNNNGAGAC	10	1240; 1564; 1840; 1917; 3472; 4492; 5375; 5793; 6812; 6940
BstMBI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
BstMCI	CGRY!CG	8	605; 1389; 1418; 1541; 3323; 4598; 5860; 7535

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstMWI	GCNNNNN!NNGC	41	90; 212; 244; 283; 376; 400; 657; 1088; 1522; 1534; 2342; 2808; 2857; 2892; 3003; 3055; 3226; 3328; 3633; 3667; 3742; 4519; 5178; 5208; 5235; 5277; 5518; 5590; 5641; 5720; 5942; 6026; 6049; 6188; 6311; 6394; 6661; 6848; 7052; 7251; 7823
BstNI	CC!WGG	32	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1429; 1459; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4581; 5487; 5542; 5559; 6338; 6917; 7020; 7710; 7723; 7844
BstNSI	RCATG!Y	6	651; 1395; 5521; 5593; 6356; 7873
BstOI	CC!WGG	32	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1429; 1459; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4581; 5487; 5542; 5559; 6338; 6917; 7020; 7710; 7723; 7844
BstPI	G!GTNACC	0	
BstPAI	GACNN!NNGTC	1	1252
BstSCI	!CCNGG	41	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1191; 1427; 1457; 1556; 1658; 1887; 1943; 2161; 2225; 2262; 2825; 2948; 3062; 3410; 3447; 3590; 3822; 3842; 3863; 4060; 4579; 5485; 5540; 5557; 5953; 6113; 6336; 6726; 6915; 7018; 7490; 7708; 7721; 7842
BstSFI	C!TRYAG	5	2800; 2809; 5286; 7413; 7604
BstSLI	GKGCMI!C	9	676; 703; 736; 1313; 4230; 4309; 5897; 5990; 7559
BstSNI	TAC!GTA	1	340
BstUI	CG!CG	18	60; 1410; 1516; 4600; 4839; 4875; 5251; 5271; 5295; 5326; 6017; 6318; 6756; 6840; 6903; 6972; 7245; 7826
Bst2UI	CC!WGG	32	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1429; 1459; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4581; 5487; 5542; 5559; 6338; 6917; 7020; 7710; 7723; 7844
BstV1I	GCAGCNNNNNNN!	14	830; 1272; 1675; 2512; 2869; 3238; 3292; 4165; 4739; 6024; 6066; 6587; 7040; 7540
BstV1I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	949; 1982; 2547; 2928; 3054; 3321; 3411; 3447; 3732; 4080; 4506; 5233; 5898; 6082; 6175; 7241; 7447
BstV2I	GAAGACNN!	3	920; 2745; 3394
BstV2I	!NNNNNNGTCTTC	0	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	3	2787; 4167; 4407
BstX2I	R!GATCY	20	585; 1159; 1333; 1448; 2294; 2422; 2580; 2730; 3009; 3135; 3677; 3717; 3860; 6122; 6368; 6760; 7119; 7131; 7217; 7228
BstYI	R!GATCY	20	585; 1159; 1333; 1448; 2294; 2422; 2580; 2730; 3009; 3135; 3677; 3717; 3860; 6122; 6368; 6760; 7119; 7131; 7217; 7228
BstZI	C!GGCCG	5	1386; 1538; 3320; 4595; 5857
BstZ17I	GTA!TAC	0	
BsuI	GTATCCNNNNNN!	3	5380; 6170; 7671
BsuI	!NNNNNGGATAC	0	
Bsu15I	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
Bsu36I	CC!TNAGG	5	878; 3092; 3902; 5431; 7063
BsuRI	GG!CC	59	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1388; 1525; 1540; 1887; 1906; 2167; 2203; 2230; 2284; 2437; 2779; 2791; 2797; 2836; 2851; 2962; 2997; 3160; 3322; 3379; 3394; 3616; 3670; 3877; 4014; 4060; 4261; 4285; 4399; 4412; 4447; 4597; 4917; 5059; 5714; 5720; 5729; 5772; 5859; 6033; 6424; 6451; 6960; 7017; 7050; 7395; 7829; 7847; 7858
BsuTUI	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
BtgI	C!CRYGG	8	360; 611; 1520; 2792; 2925; 3230; 5680; 6383
BtgZI	GCGATGNNNNNNNNN!	2	5068; 6403
BtgZI	!NNNNNNNNNNNNNCATCGC	4	334; 4236; 6222; 6566
BthCI	GCNG!C	57	770; 821; 965; 1082; 1263; 1391; 1528; 1540; 1666; 1998; 2503; 2563; 2860; 2944; 3070; 3229; 3283; 3334; 3337; 3427; 3463; 3748; 3924; 4096; 4156; 4159; 4522; 4597; 4600; 4730; 5249; 5271; 5285; 5723; 5862; 5914; 5925; 6015; 6020; 6057; 6098; 6185; 6188; 6191; 6427; 6523; 6564; 6578; 6692; 7031; 7046; 7257; 7463; 7466; 7531; 7674; 7829
BtrI	CAC!GTC	0	
BtrI	GAC!GTG	0	
BtsI	GCAGTGNN!	3	3227; 4218; 4309
BtsI	!CACTGC	2	4555; 4790
BtsCI	GGATGNN!	12	2157; 2274; 2478; 2925; 3155; 3567; 3795; 4041; 5811; 6268; 6293; 6747
BtsCI	!CATCC	8	703; 791; 848; 1003; 1424; 1733; 2945; 5637
BtuMI	TCG!CGA	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BveI	ACCTGCNNNN!	4	1763; 2816; 6219; 6669
BveI	!NNNNNNNNGCAGGT	2	2445; 5838
Cac8I	GCN!NGC	43	86; 279; 593; 721; 925; 1393; 1535; 1644; 1700; 2169; 2282; 2334; 2509; 2576; 2888; 3056; 3965; 4119; 4226; 4445; 5170; 5213; 5227; 5500; 5519; 5572; 5591; 5845; 6031; 6250; 6316; 6322; 6354; 6399; 6453; 6736; 6923; 6970; 7026; 7048; 7259; 7819; 7856
CaiI	CAGNNN!CTG	8	1286; 1699; 2469; 2808; 3636; 4546; 7052; 7460
CciI	T!CATGA	2	5377; 7149
CciNI	GC!GGCCGC	1	4595
CdiI	CATC!G	7	352; 2974; 4254; 6240; 6245; 6443; 6584
CdiI	C!GATG	6	1770; 1973; 2556; 3779; 5054; 6389
CdpI	GCGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	7823
CdpI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGC	3	486; 5612; 5654
CelII	GC!TNAGC	1	2450
CfoI	GCG!C	27	597; 1412; 1518; 3237; 3249; 4166; 4562; 5217; 5225; 5251; 5273; 5282; 5295; 5326; 5945; 5953; 6017; 6054; 6320; 6580; 6756; 6842; 7245; 7354; 7528; 7628; 7695
CfrI	Y!GGCCR	20	1277; 1386; 1523; 1538; 1904; 2435; 2777; 2789; 2834; 2849; 2960; 3320; 3614; 3875; 4283; 4595; 5857; 6031; 6422; 6449
Cfr9I	C!CCGGG	0	
Cfr10I	R!CCGGY	8	600; 1434; 2430; 2847; 5168; 6270; 6451; 6734
Cfr13I	G!GNCC	26	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1782; 1885; 2165; 2593; 2796; 2995; 3036; 3393; 3668; 3999; 4127; 4410; 4415; 5058; 6467; 6912; 6958; 7016; 7049
Cfr42I	CCGC!GG	0	
ChaI	GATC!	38	589; 987; 1137; 1163; 1337; 1419; 1452; 1594; 2298; 2392; 2426; 2556; 2584; 2665; 2734; 3013; 3139; 3501; 3681; 3721; 3864; 4612; 5792; 5796; 5815; 6126; 6204; 6285; 6294; 6372; 6748; 6764; 7123; 7135; 7213; 7221; 7232; 7307
CjeI	CCANNNNNGTNNNNNNNNNNNNNN!	7	715; 3747; 4443; 5768; 7208; 7308; 7386
CjeI	!NNNNNNNNNACNNNNNNNTGG	9	64; 257; 3398; 4530; 5435; 5530; 6722; 7272; 7827
CjeI	ACNNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNN!	9	98; 291; 3432; 4564; 5469; 5564; 6756; 7306; 7861
CjeI	!NNNNNNNNNCCANNNNNNNTG	7	681; 3713; 4409; 5734; 7174; 7274; 7352
CjePI	CCANNNNNNNTCANNNNNNNNNNNN!	7	1608; 3255; 3436; 3678; 3999; 7208; 7386
CjePI	!NNNNNNNNNGANNNNNNNTGG	8	257; 740; 1085; 1946; 2146; 2609; 6722; 7321
CjePI	GANNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNN!	8	290; 773; 1118; 1979; 2179; 2642; 6755; 7354
CjePI	!NNNNNNNNCCANNNNNNNTC	7	1575; 3222; 3403; 3645; 3966; 7175; 7353
Clai	AT!CGAT	3	2555; 3500; 5791
CpoI	CG!GWCCG	1	6467
CseI	GACGCNNNNN!	3	526; 6661; 6740
CseI	!NNNNNNNNNNGCGTC	4	1185; 5284; 7179; 7757
CsiI	A!CCWGGT	2	1457; 5540
CspI	CG!GWCCG	1	6467
Csp6I	G!TAC	14	218; 243; 298; 331; 382; 539; 663; 813; 1065; 2863; 3344; 4217; 4584; 6256
Csp45I	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
CspAI	A!CCGGT	2	600; 2430
CspCI	CAANNNNNGTGGNNNNNNNNNNNN!	2	411; 3817
CspCI	!NNNNNNNNNCCACNNNNNTTG	0	
CspCI	CCACNNNNNTTGNNNNNNNNNNNNN!	0	
CspCI	!NNNNNNNNNNNCAANNNNNGTGG	2	376; 3782
CstMI	AAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	8	665; 1256; 2625; 2775; 4313; 4520; 5231; 6840
CstMI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTT	2	1740; 3107
CviAII	C!ATG	33	301; 361; 612; 648; 654; 666; 744; 810; 890; 1101; 1392; 2187; 2439; 2520; 3162; 3483; 4108; 4167; 4404; 4482; 5378; 5518; 5590; 5681; 5822; 6167; 6353; 6384; 6410; 6766; 7150; 7870; 7921

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CviJI	RG!CY	190	42; 84; 93; 277; 566; 633; 660; 723; 770; 799; 806; 884; 950; 962; 1013; 1040; 1048; 1082; 1105; 1113; 1127; 1237; 1273; 1279; 1342; 1348; 1377; 1388; 1434; 1498; 1525; 1540; 1653; 1666; 1777; 1887; 1906; 1935; 2014; 2068; 2167; 2185; 2203; 2230; 2241; 2284; 2308; 2398; 2437; 2449; 2503; 2511; 2518; 2574; 2629; 2635; 2767; 2773; 2779; 2791; 2797; 2830; 2836; 2851; 2860; 2941; 2955; 2962; 2980; 2997; 3042; 3049; 3054; 3058; 3067; 3117; 3145; 3160; 3213; 3229; 3283; 3309; 3322; 3334; 3379; 3394; 3424; 3460; 3525; 3538; 3610; 3616; 3627; 3670; 3691; 3736; 3745; 3799; 3805; 3839; 3871; 3877; 3892; 3909; 3963; 4014; 4060; 4080; 4093; 4104; 4117; 4159; 4171; 4183; 4197; 4261; 4285; 4374; 4399; 4412; 4447; 4513; 4519; 4597; 4620; 4730; 4897; 4917; 5059; 5140; 5154; 5168; 5449; 5490; 5562; 5685; 5714; 5720; 5729; 5737; 5760; 5772; 5778; 5859; 5876; 5884; 5911; 5936; 6020; 6029; 6033; 6057; 6095; 6171; 6188; 6207; 6270; 6314; 6324; 6341; 6424; 6451; 6455; 6492; 6515; 6531; 6711; 6738; 6799; 6921; 6960; 7017; 7024; 7031; 7050; 7061; 7312; 7341; 7384; 7395; 7460; 7539; 7564; 7569; 7615; 7705; 7803; 7829; 7847; 7858
CviKI-1	RG!CY	190	42; 84; 93; 277; 566; 633; 660; 723; 770; 799; 806; 884; 950; 962; 1013; 1040; 1048; 1082; 1105; 1113; 1127; 1237; 1273; 1279; 1342; 1348; 1377; 1388; 1434; 1498; 1525; 1540; 1653; 1666; 1777; 1887; 1906; 1935; 2014; 2068; 2167; 2185; 2203; 2230; 2241; 2284; 2308; 2398; 2437; 2449; 2503; 2511; 2518; 2574; 2629; 2635; 2767; 2773; 2779; 2791; 2797; 2830; 2836; 2851; 2860; 2941; 2955; 2962; 2980; 2997; 3042; 3049; 3054; 3058; 3067; 3117; 3145; 3160; 3213; 3229; 3283; 3309; 3322; 3334; 3379; 3394; 3424; 3460; 3525; 3538; 3610; 3616; 3627; 3670; 3691; 3736; 3745; 3799; 3805; 3839; 3871; 3877; 3892; 3909; 3963; 4014; 4060; 4080; 4093; 4104; 4117; 4159; 4171; 4183; 4197; 4261; 4285; 4374; 4399; 4412; 4447; 4513; 4519; 4597; 4620; 4730; 4897; 4917; 5059; 5140; 5154; 5168; 5449; 5490; 5562; 5685; 5714; 5720; 5729; 5737; 5760; 5772; 5778; 5859; 5876; 5884; 5911; 5936; 6020; 6029; 6033; 6057; 6095; 6171; 6188; 6207; 6270; 6314; 6324; 6341; 6424; 6451; 6455; 6492; 6515; 6531; 6711; 6738; 6799; 6921; 6960; 7017; 7024; 7031; 7050; 7061; 7312; 7341; 7384; 7395; 7460; 7539; 7564; 7569; 7615; 7705; 7803; 7829; 7847; 7858
CviQI	G!TAC	14	218; 243; 298; 331; 382; 539; 663; 813; 1065; 2863; 3344; 4217; 4584; 6256
DdeI	C!TNAG	32	620; 878; 1175; 1330; 1586; 1667; 1692; 1778; 1898; 2298; 2450; 2462; 2564; 3092; 3113; 3167; 3381; 3439; 3629; 3692; 3849; 3902; 4049; 4184; 4263; 4439; 5431; 5733; 6614; 7063; 7186; 7595
DinI	GGC!GCC	2	3236; 5952
DpnI	GA!TC	38	587; 985; 1135; 1161; 1335; 1417; 1450; 1592; 2296; 2390; 2424; 2554; 2582; 2663; 2732; 3011; 3137; 3499; 3679; 3719; 3862; 4610; 5790; 5794; 5813; 6124; 6202; 6283; 6292; 6370; 6746; 6762; 7121; 7133; 7211; 7219; 7230; 7305
DpnII	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
DraI	TTT!AAA	4	2072; 4653; 7095; 7114
DraII	RG!GNCCY	3	2995; 3999; 7049
DraIII	CACNNN!GTG	4	1269; 1461; 1956; 5067
DraRI	CAAGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	266; 2198; 2913; 4271; 7431
DraRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCTTG	0	
DrdI	GACNNN!NNGTC	4	2929; 5022; 5978; 7767
DrdIV	TACGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
DrdIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGTA	1	476
DriI	GACNNN!NNGTC	0	
DseDI	GACNNN!NNGTC	4	2929; 5022; 5978; 7767
EaeI	Y!GGCCR	20	1277; 1386; 1523; 1538; 1904; 2435; 2777; 2789; 2834; 2849; 2960; 3320; 3614; 3875; 4283; 4595; 5857; 6031; 6422; 6449
EagI	C!GGCCG	5	1386; 1538; 3320; 4595; 5857
Eam1104I	CTCTCN!	0	
Eam1104I	!NNNNGAAGAG	9	623; 1597; 2185; 2600; 3254; 4034; 5418; 6295; 6505
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0	
EarI	CTCTCN!	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
EarI	!NNNNGAAGAG	9	623; 1597; 2185; 2600; 3254; 4034; 5418; 6295; 6505
EciI	GGCGGANNNNNNNNNN!	4	5451; 6480; 7667; 7813
EciI	!NNNNNNNNNTCCGCC	4	496; 5622; 5643; 5664
Ecl136II	GAG!CTC	2	1342; 1935
EclXI	C!GGCCG	5	1386; 1538; 3320; 4595; 5857
Eco24I	GRGCY!C	5	1344; 1937; 5142; 6316; 7026
Eco31I	GGTCTCN!	1	3423
Eco31I	!NNNNNGAGACC	3	1240; 3472; 6940
Eco32I	GAT!ATC	1	3856
Eco47I	G!GWCC	9	1209; 1782; 2593; 3036; 3999; 4127; 4415; 6467; 6912
Eco47III	AGC!GCT	1	596
Eco52I	C!GGCCG	5	1386; 1538; 3320; 4595; 5857
Eco57I	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNN!	7	1129; 2201; 2651; 4010; 4535; 6097; 6529
Eco57I	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	3	1660; 3551; 7327
Eco72I	CAC!GTG	0	
Eco81I	CC!TNAGG	5	878; 3092; 3902; 5431; 7063
Eco88I	C!YCGRG	5	1337; 1365; 1703; 2768; 3395
Eco91I	G!GTNACC	0	
Eco105I	TAC!GTA	1	340
Eco130I	C!CWWGG	14	360; 611; 2052; 2694; 2774; 3878; 4009; 4244; 4256; 4286; 5680; 5773; 6383; 6788
Eco147I	AGG!CCT	4	3379; 4014; 4261; 5772
EcoHI	!CCSGG	9	1191; 1556; 2825; 2948; 4060; 5953; 6113; 6726; 7490
EcoICRI	GAG!CTC	2	1342; 1935
Eco57MI	CTGRAGNNNNNNNNNNNNNN!	9	1129; 1450; 2201; 2651; 4010; 4535; 6097; 6529; 6791
Eco57MI	!NNNNNNNNNNNNNNCTYCAG	6	937; 1660; 2744; 3551; 6734; 7327
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	4336
Eco065I	G!GTNACC	0	
Eco0109I	RG!GNCCY	3	2995; 3999; 7049
EcoRI	G!AATTC	1	1353
EcoRII	!CCWGG	32	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1427; 1457; 1658; 1887; 1943; 2161; 2225; 2262; 3062; 3410; 3447; 3590; 3822; 3842; 3863; 4579; 5485; 5540; 5557; 6336; 6915; 7018; 7708; 7721; 7842
EcoRV	GAT!ATC	1	3856
EcoT14I	C!CWWGG	14	360; 611; 2052; 2694; 2774; 3878; 4009; 4244; 4256; 4286; 5680; 5773; 6383; 6788
EcoT22I	ATGCA!T	3	5523; 5595; 7926
EcoT38I	GRGCY!C	5	1344; 1937; 5142; 6316; 7026
Eco53kI	GAG!CTC	2	1342; 1935
EgeI	GGC!GCC	2	3236; 5952
EheI	GGC!GCC	2	3236; 5952
ErhI	C!CWWGG	14	360; 611; 2052; 2694; 2774; 3878; 4009; 4244; 4256; 4286; 5680; 5773; 6383; 6788
EsaBC3I	TC!GA	26	762; 789; 1257; 1339; 1352; 1367; 1419; 1705; 1770; 1973; 2556; 2617; 2770; 3501; 4537; 5101; 5792; 6065; 6221; 6245; 6281; 6443; 6634; 6679; 6934; 7772
Esp3I	CGTCTCN!	0	
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0	
FaeI	CATG!	33	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1395; 2190; 2442; 2523; 3165; 3486; 4111; 4170; 4407; 4485; 5381; 5521; 5593; 5684; 5825; 6170; 6356; 6387; 6413; 6769; 7153; 7873; 7924
Fail	YA!TR	84	39; 46; 50; 67; 138; 146; 234; 236; 291; 302; 310; 362; 555; 557; 613; 649; 655; 667; 745; 811; 891; 909; 1102; 1155; 1205; 1393; 1406; 1612; 1852; 2017; 2059; 2188; 2209; 2440; 2521; 2655; 2989; 3163; 3467; 3484; 3613; 4109; 4168; 4344; 4363; 4405; 4483; 4613; 4623; 4689; 4734; 4939; 5367; 5379; 5510; 5519; 5582; 5591; 5615; 5682; 5706; 5823; 5887; 6168; 6193; 6354; 6385; 6411; 6483; 6699; 6767; 6845; 6897; 7058; 7075; 7077; 7079; 7151; 7429; 7618; 7734; 7807; 7871; 7922
FalI	AAGNNNNNCTTNNNNNNNNNNNN!	2	888; 6291
FalI	!NNNNNNNNAAGNNNNNNCTT	2	856; 6259
FaqI	GGGACNNNNNNNNNN!	6	175; 326; 494; 6102; 6634; 6743
FaqI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	5	3985; 5467; 5539; 5603; 6898

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FatI	!CATG	33	300; 360; 611; 647; 653; 665; 743; 809; 889; 1100; 1391; 2186; 2438; 2519; 3161; 3482; 4107; 4166; 4403; 4481; 5377; 5517; 5589; 5680; 5821; 6166; 6352; 6383; 6409; 6765; 7149; 7869; 7920
FauI	CCCGCNNNN!	11	93; 119; 286; 1077; 1179; 3926; 5273; 5628; 5649; 6845; 6977
FauI	!NNNNNNGCGGG	8	1114; 4217; 4499; 5204; 6074; 6611; 6749; 6896
FauNDI	CA!TATG	1	234
FbaI	T!GATCA	1	2388
FblI	GT!MKAC	1	1199
FmuI	GGNC!C	26	86; 279; 772; 1015; 1107; 1128; 1212; 1785; 1888; 2168; 2596; 2799; 2998; 3039; 3396; 3671; 4002; 4130; 4413; 4418; 5061; 6470; 6915; 6961; 7019; 7052
Fnu4HI	GC!NGC	57	768; 819; 963; 1080; 1261; 1389; 1526; 1538; 1664; 1996; 2501; 2561; 2858; 2942; 3068; 3227; 3281; 3332; 3335; 3425; 3461; 3746; 3922; 4094; 4154; 4157; 4520; 4595; 4598; 4728; 5247; 5269; 5283; 5721; 5860; 5912; 5923; 6013; 6018; 6055; 6096; 6183; 6186; 6189; 6425; 6521; 6562; 6576; 6690; 7029; 7044; 7255; 7461; 7464; 7529; 7672; 7827
FokI	GGATGNNNNNNNN!	12	2164; 2281; 2485; 2932; 3162; 3574; 3802; 4048; 5818; 6275; 6300; 6754
FokI	!NNNNNNNNNNNNCATCC	8	690; 778; 835; 990; 1411; 1720; 2932; 5624
FriOI	GRGCY!C	5	1344; 1937; 5142; 6316; 7026
FseI	GGCCGG!CC	0	
FspI	TGC!GCA	1	6053
FspAI	RTGC!GCAY	0	
FspBI	C!TAG	13	592; 1298; 2092; 2252; 2374; 4010; 4606; 4800; 5218; 5774; 6789; 7123; 7376
FspEI	CCNNNNNNNNNNNN!	258	56; 71; 98; 114; 128; 129; 156; 182; 220; 252; 291; 307; 333; 373; 450; 451; 482; 501; 520; 593; 614; 690; 720; 737; 751; 784; 798; 816; 840; 855; 885; 918; 945; 960; 979; 1015; 1062; 1081; 1096; 1119; 1141; 1164; 1184; 1205; 1225; 1251; 1293; 1309; 1338; 1402; 1441; 1467; 1512; 1527; 1542; 1564; 1596; 1628; 1662; 1699; 1750; 1768; 1798; 1901; 1920; 1957; 1995; 2012; 2065; 2157; 2175; 2199; 2217; 2239; 2257; 2271; 2298; 2416; 2439; 2532; 2597; 2678; 2706; 2774; 2793; 2811; 2829; 2850; 2865; 2881; 2924; 2938; 2958; 2976; 3011; 3033; 3052; 3076; 3104; 3133; 3174; 3210; 3243; 3263; 3310; 3336; 3393; 3408; 3422; 3460; 3495; 3552; 3604; 3630; 3666; 3684; 3726; 3742; 3762; 3783; 3831; 3856; 3877; 3891; 3906; 3923; 3938; 3961; 3983; 4001; 4015; 4031; 4060; 4074; 4090; 4110; 4143; 4173; 4233; 4257; 4275; 4299; 4341; 4369; 4383; 4401; 4416; 4431; 4461; 4485; 4592; 4611; 4634; 4673; 4687; 4828; 4923; 4947; 4970; 4993; 5011; 5033; 5054; 5073; 5092; 5121; 5142; 5156; 5182; 5270; 5296; 5345; 5386; 5404; 5443; 5459; 5497; 5554; 5569; 5626; 5646; 5660; 5677; 5691; 5728; 5743; 5786; 5869; 5936; 5967; 5987; 6002; 6047; 6061; 6127; 6141; 6160; 6176; 6217; 6237; 6284; 6334; 6350; 6370; 6395; 6415; 6438; 6465; 6483; 6509; 6549; 6575; 6599; 6655; 6669; 6697; 6740; 6761; 6796; 6840; 6928; 6952; 6974; 6994; 7010; 7031; 7045; 7064; 7148; 7168; 7196; 7211; 7245; 7287; 7314; 7329; 7374; 7398; 7412; 7434; 7460; 7480; 7504; 7530; 7578; 7597; 7616; 7642; 7677; 7722; 7752; 7766; 7817; 7831; 7856; 7872; 7893; 7922

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FspEI	!NNNNNNNNNNNNNNNGG	231	8; 35; 59; 144; 166; 197; 252; 295; 347; 375; 400; 435; 463; 509; 529; 552; 586; 607; 625; 652; 694; 715; 739; 781; 800; 829; 865; 902; 925; 944; 974; 995; 1022; 1061; 1087; 1106; 1178; 1204; 1252; 1291; 1310; 1342; 1370; 1414; 1444; 1462; 1507; 1542; 1573; 1615; 1645; 1706; 1727; 1759; 1793; 1816; 1837; 1868; 1888; 1915; 1948; 2039; 2133; 2158; 2185; 2212; 2249; 2294; 2318; 2341; 2360; 2380; 2399; 2419; 2440; 2476; 2497; 2556; 2576; 2603; 2622; 2681; 2728; 2749; 2770; 2811; 2833; 2857; 2880; 2902; 2923; 2944; 2962; 2988; 3019; 3040; 3059; 3079; 3118; 3139; 3202; 3240; 3261; 3287; 3313; 3349; 3376; 3397; 3426; 3480; 3506; 3544; 3577; 3598; 3622; 3651; 3670; 3688; 3718; 3766; 3787; 3809; 3829; 3850; 3889; 3977; 3996; 4018; 4042; 4075; 4110; 4153; 4179; 4199; 4231; 4255; 4273; 4302; 4324; 4381; 4417; 4444; 4480; 4532; 4566; 4622; 4722; 4791; 4899; 4948; 4970; 4998; 5034; 5079; 5108; 5144; 5163; 5191; 5211; 5274; 5297; 5405; 5437; 5455; 5484; 5527; 5556; 5667; 5696; 5739; 5760; 5788; 5821; 5841; 5866; 5893; 5918; 5940; 5968; 5994; 6015; 6066; 6087; 6105; 6153; 6189; 6245; 6270; 6294; 6323; 6346; 6370; 6396; 6418; 6437; 6462; 6502; 6538; 6603; 6688; 6712; 6741; 6775; 6796; 6816; 6861; 6888; 6907; 6940; 6992; 7023; 7050; 7102; 7200; 7271; 7316; 7377; 7442; 7476; 7502; 7520; 7556; 7626; 7649; 7671; 7695; 7728; 7776; 7811; 7829; 7886
Fsp4HI	GC!NGC	57	768; 819; 963; 1080; 1261; 1389; 1526; 1538; 1664; 1996; 2501; 2561; 2858; 2942; 3068; 3227; 3281; 3332; 3335; 3425; 3461; 3746; 3922; 4094; 4154; 4157; 4520; 4595; 4598; 4728; 5247; 5269; 5283; 5721; 5860; 5912; 5923; 6013; 6018; 6055; 6096; 6183; 6186; 6189; 6425; 6521; 6562; 6576; 6690; 7029; 7044; 7255; 7461; 7464; 7529; 7672; 7827
GdiII	C!GGCCR	6	1386; 1538; 2849; 3320; 4595; 5857
GdiII	Y!GGCCG	9	1386; 1523; 1538; 2960; 3320; 4595; 5857; 6422; 6449
GlaI	GC!GC	27	596; 1411; 1517; 3236; 3248; 4165; 4561; 5216; 5224; 5250; 5272; 5281; 5294; 5325; 5944; 5952; 6016; 6053; 6319; 6579; 6755; 6841; 7244; 7353; 7527; 7627; 7694
GluI	GC!NGC	57	768; 819; 963; 1080; 1261; 1389; 1526; 1538; 1664; 1996; 2501; 2561; 2858; 2942; 3068; 3227; 3281; 3332; 3335; 3425; 3461; 3746; 3922; 4094; 4154; 4157; 4520; 4595; 4598; 4728; 5247; 5269; 5283; 5721; 5860; 5912; 5923; 6013; 6018; 6055; 6096; 6183; 6186; 6189; 6425; 6521; 6562; 6576; 6690; 7029; 7044; 7255; 7461; 7464; 7529; 7672; 7827
GsaI	CCCAG!C	5	3054; 4374; 5498; 5570; 7569
GsaI	GCTGG!G	5	1044; 3647; 4411; 4566; 6459
GsuI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNN!	2	1450; 6791
GsuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	3	937; 2744; 6734
HaeI	WGG!CCW	24	1048; 1279; 1906; 2203; 2230; 2284; 2437; 2779; 2791; 2836; 3160; 3379; 3616; 3877; 4014; 4261; 4285; 4399; 4447; 5772; 6033; 7395; 7847; 7858
HaeII	RGCGC!Y	6	598; 3238; 5218; 5226; 5954; 7629
HaeIII	GG!CC	59	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1388; 1525; 1540; 1887; 1906; 2167; 2203; 2230; 2284; 2437; 2779; 2791; 2797; 2836; 2851; 2962; 2997; 3160; 3322; 3379; 3394; 3616; 3670; 3877; 4014; 4060; 4261; 4285; 4399; 4412; 4447; 4597; 4917; 5059; 5714; 5720; 5729; 5772; 5859; 6033; 6424; 6451; 6960; 7017; 7050; 7395; 7829; 7847; 7858
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNNN!	7	2406; 2925; 3568; 3878; 4453; 4626; 6147
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNRTC	7	2372; 2891; 3534; 3844; 4419; 4592; 6113
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNNN!	7	2405; 2924; 3567; 3877; 4452; 4625; 6146
HaeIV	!NNNNNNNGAYNNNNNRTC	7	2374; 2893; 3536; 3846; 4421; 4594; 6115
HapII	C!CGG	29	601; 1193; 1325; 1435; 1557; 2431; 2596; 2826; 2848; 2949; 3675; 4061; 4413; 5169; 5856; 5933; 5955; 5983; 6114; 6204; 6271; 6452; 6727; 6735; 6827; 7301; 7491; 7517; 7664
HgaI	GACGCNNNNN!	3	526; 6661; 6740
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	4	1185; 5284; 7179; 7757
HhaI	GCG!C	27	597; 1412; 1518; 3237; 3249; 4166; 4562; 5217; 5225; 5251; 5273; 5282; 5295; 5326; 5945; 5953; 6017; 6054; 6320; 6580; 6756; 6842; 7245; 7354; 7528; 7628; 7695
HinI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 1196; 3235; 5951; 6653; 6732
HinIII	CATG!	33	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1395; 2190; 2442; 2523; 3165; 3486; 4111; 4170; 4407; 4485; 5381; 5521; 5593; 5684; 5825; 6170; 6356; 6387; 6413; 6769; 7153; 7873; 7924

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Hin4I	GAYNNNNNVTCNNNNNNNNNNNN!	8	1707; 2405; 2924; 3567; 3877; 4452; 4625; 6146
Hin4I	!NNNNNNNGABNNNNNRTC	8	2373; 2892; 3535; 3845; 4420; 4593; 6114; 6144
Hin4I	GABNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	8	2405; 2924; 3567; 3877; 4452; 4625; 6146; 6176
Hin4I	!NNNNNNNGAYNNNNNVTC	8	1675; 2373; 2892; 3535; 3845; 4420; 4593; 6114
Hin6I	G!CGC	27	595; 1410; 1516; 3235; 3247; 4164; 4560; 5215; 5223; 5249; 5271; 5280; 5293; 5324; 5943; 5951; 6015; 6052; 6318; 6578; 6754; 6840; 7243; 7352; 7526; 7626; 7693
HinP1I	G!CGC	27	595; 1410; 1516; 3235; 3247; 4164; 4560; 5215; 5223; 5249; 5271; 5280; 5293; 5324; 5943; 5951; 6015; 6052; 6318; 6578; 6754; 6840; 7243; 7352; 7526; 7626; 7693
HincII	GTY!RAC	1	4714
HindII	GTY!RAC	1	4714
HindIII	A!AGCTT	5	1346; 1375; 1651; 2066; 3307
HinfI	G!ANTC	30	410; 749; 899; 1226; 1328; 1878; 2212; 2352; 2613; 2755; 2930; 3087; 3124; 3165; 3847; 4275; 4352; 4435; 4575; 4602; 4994; 5016; 5426; 6436; 6570; 6622; 6680; 6717; 7499; 7895
HpaI	GTT!AAC	1	4714
HpaII	C!CGG	29	601; 1193; 1325; 1435; 1557; 2431; 2596; 2826; 2848; 2949; 3675; 4061; 4413; 5169; 5856; 5933; 5955; 5983; 6114; 6204; 6271; 6452; 6727; 6735; 6827; 7301; 7491; 7517; 7664
HphI	GGTGANNNNNNNN!	12	376; 1005; 1473; 1977; 2287; 2332; 3795; 4006; 4080; 4284; 7022; 7138
HphI	!NNNNNNNTCACC	7	894; 1503; 1933; 2133; 2420; 5068; 6129
Hpy8I	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 681; 701; 996; 1200; 1209; 1488; 1968; 2323; 2593; 2865; 3036; 3531; 4307; 4388; 4464; 4714; 4998; 5015; 5070; 7557
Hpy99I	CGWCG!	9	1258; 3668; 6041; 6069; 6363; 6378; 6655; 7040; 7773
Hpy166II	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 681; 701; 996; 1200; 1209; 1488; 1968; 2323; 2593; 2865; 3036; 3531; 4307; 4388; 4464; 4714; 4998; 5015; 5070; 7557
Hpy188I	TCN!GA	34	585; 708; 988; 1333; 1595; 1670; 1683; 1752; 2290; 2567; 2639; 2714; 3149; 3180; 3570; 3632; 3714; 3753; 3819; 3860; 3886; 3949; 4266; 4440; 5125; 5734; 5918; 6262; 6615; 6716; 7195; 7329; 7682; 7760
Hpy188III	TC!NNGA	39	981; 1146; 1185; 1325; 1337; 1358; 1367; 1419; 1504; 1705; 1742; 2092; 2470; 2761; 3169; 3241; 3302; 3851; 3904; 4606; 5378; 5430; 5743; 5796; 5969; 6285; 6294; 6377; 6433; 6477; 6567; 6600; 6669; 7150; 7224; 7307; 7405; 7503; 7637
HpyAV	CCTCANNNNNN!	8	789; 837; 882; 1776; 3903; 6596; 6703; 7382
HpyAV	!NNNNNGAAGG	18	709; 1081; 2593; 2959; 3073; 3321; 3361; 3985; 4050; 4389; 4488; 5184; 6079; 6808; 6824; 7007; 7324; 7634
HpyCH4III	ACN!GT	22	76; 198; 269; 543; 581; 678; 1575; 1830; 1983; 2916; 2926; 3363; 4392; 4503; 5042; 6331; 6447; 6555; 6878; 7369; 7839; 7910
HpyCH4IV	A!CGT	17	122; 134; 175; 258; 339; 444; 977; 1253; 2688; 5011; 5023; 5066; 5176; 6067; 6254; 7035; 7168
HpyCH4V	TG!CA	40	651; 701; 1023; 1139; 1470; 1533; 1646; 1805; 2332; 2366; 2442; 2500; 2545; 2578; 2802; 2811; 3109; 3153; 3602; 3793; 3831; 4153; 4307; 4485; 4700; 4727; 4795; 5512; 5521; 5584; 5593; 5708; 5784; 5843; 6002; 6177; 6191; 7261; 7557; 7924
HpyF3I	C!TNAG	32	620; 878; 1175; 1330; 1586; 1667; 1692; 1778; 1898; 2298; 2450; 2462; 2564; 3092; 3113; 3167; 3381; 3439; 3629; 3692; 3849; 3902; 4049; 4184; 4263; 4439; 5431; 5733; 6614; 7063; 7186; 7595
HpyF10VI	GCNNNNN!NNGC	41	90; 212; 244; 283; 376; 400; 657; 1088; 1522; 1534; 2342; 2808; 2857; 2892; 3003; 3055; 3226; 3328; 3633; 3667; 3742; 4519; 5178; 5208; 5235; 5277; 5518; 5590; 5641; 5720; 5942; 6026; 6049; 6188; 6311; 6394; 6661; 6848; 7052; 7251; 7823
Hsp92I	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 1196; 3235; 5951; 6653; 6732
Hsp92II	CATG!	33	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1395; 2190; 2442; 2523; 3165; 3486; 4111; 4170; 4407; 4485; 5381; 5521; 5593; 5684; 5825; 6170; 6356; 6387; 6413; 6769; 7153; 7873; 7924
HspAI	G!CGC	27	595; 1410; 1516; 3235; 3247; 4164; 4560; 5215; 5223; 5249; 5271; 5280; 5293; 5324; 5943; 5951; 6015; 6052; 6318; 6578; 6754; 6840; 7243; 7352; 7526; 7626; 7693
KasI	G!GCGCC	2	3234; 5950
KfII	GG!GWCCC	0	
KpnI	GGTAC!C	2	4220; 4587

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Kpn2I	T!CCGGA	1	1324
KspI	CCGC!GG	0	
Ksp22I	T!GATCA	1	2388
KspAI	GTT!AAC	1	4714
Kzo9I	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
LguI	GCTCTTCN!	0	
LguI	!NNNNGAAGAGC	4	623; 2600; 6295; 6505
LpnI	RGCI!GCY	6	596; 3236; 5216; 5224; 5952; 7627
LpnPI	CCDGNNNNNNNNNN!	107	102; 295; 614; 751; 808; 856; 890; 952; 967; 1028; 1096; 1120; 1144; 1206; 1293; 1338; 1409; 1441; 1471; 1517; 1570; 1631; 1672; 1712; 1768; 1901; 1957; 2012; 2175; 2239; 2276; 2424; 2444; 2609; 2774; 2812; 2839; 2861; 2962; 3052; 3076; 3254; 3424; 3461; 3505; 3604; 3666; 3688; 3836; 3856; 3877; 3923; 3944; 4001; 4037; 4061; 4090; 4110; 4143; 4384; 4426; 4486; 4593; 4688; 4993; 5182; 5405; 5443; 5459; 5499; 5554; 5571; 5671; 5756; 5869; 5946; 5968; 5991; 6127; 6141; 6160; 6217; 6284; 6334; 6350; 6407; 6465; 6674; 6740; 6764; 6840; 6929; 7032; 7065; 7296; 7314; 7460; 7480; 7504; 7530; 7579; 7677; 7722; 7752; 7831; 7856; 7893
LpnPI	!NNNNNNNNNNNNNCHGG	103	75; 268; 552; 586; 781; 829; 925; 1026; 1069; 1178; 1204; 1291; 1310; 1414; 1444; 1519; 1542; 1645; 1727; 1874; 1915; 2148; 2212; 2249; 2294; 2318; 2341; 2416; 2440; 2497; 2556; 2581; 2728; 2770; 2811; 2833; 2923; 2962; 3040; 3079; 3139; 3240; 3287; 3361; 3397; 3434; 3506; 3577; 3622; 3660; 3791; 3809; 3829; 3850; 3889; 4046; 4183; 4324; 4393; 4429; 4532; 4566; 5034; 5154; 5211; 5274; 5472; 5484; 5544; 5556; 5788; 5833; 5876; 5918; 5940; 5968; 6015; 6077; 6099; 6189; 6256; 6279; 6323; 6418; 6437; 6462; 6611; 6712; 6755; 6812; 6902; 7005; 7032; 7050; 7286; 7323; 7476; 7502; 7642; 7660; 7695; 7776; 7829
Lsp1109I	GCAGCNNNNNNNN!	14	830; 1272; 1675; 2512; 2869; 3238; 3292; 4165; 4739; 6024; 6066; 6587; 7040; 7540
Lsp1109I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	949; 1982; 2547; 2928; 3054; 3321; 3411; 3447; 3732; 4080; 4506; 5233; 5898; 6082; 6175; 7241; 7447
LweI	GCATCNNNNN!	11	857; 1433; 1742; 2979; 3118; 4767; 5530; 5602; 6250; 6314; 6589
LweI	!NNNNNNNNNGATGC	19	357; 1010; 1049; 1178; 1661; 2148; 2259; 2547; 3140; 3234; 3552; 3623; 3780; 4445; 4533; 5909; 6164; 6380; 7772
MabI	A!CCWGGT	2	1457; 5540
MaeI	C!TAG	13	592; 1298; 2092; 2252; 2374; 4010; 4606; 4800; 5218; 5774; 6789; 7123; 7376
MaeII	A!CGT	17	122; 134; 175; 258; 339; 444; 977; 1253; 2688; 5011; 5023; 5066; 5176; 6067; 6254; 7035; 7168
MaeIII	!GTNAC	19	61; 148; 497; 900; 1863; 2028; 2132; 2245; 3025; 4272; 4739; 5240; 5252; 6071; 6377; 7067; 7333; 7449; 7512
MalI	GA!TC	38	587; 985; 1135; 1161; 1335; 1417; 1450; 1592; 2296; 2390; 2424; 2554; 2582; 2663; 2732; 3011; 3137; 3499; 3679; 3719; 3862; 4610; 5790; 5794; 5813; 6124; 6202; 6283; 6292; 6370; 6746; 6762; 7121; 7133; 7211; 7219; 7230; 7305
MaqI	CRTTGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	144; 197; 466; 540
MaqI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCAAYG	3	157; 240; 426
MauBI	CG!CGCGCG	0	
MbiI	CCG!CTC	2	5375; 6564
MbiI	GAG!CGG	2	5211; 6618
MboI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
MboII	GAAGANNNNNNNN!	21	640; 925; 1038; 1614; 1867; 2031; 2167; 2202; 2562; 2617; 2750; 3271; 3399; 3498; 3583; 4051; 5207; 5435; 6312; 6522; 7141
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	3004; 6602; 6769; 6969; 7212
McaTI	GCGC!GC	0	
MfeI	C!AATTG	1	4701
MfII	R!GATCY	20	585; 1159; 1333; 1448; 2294; 2422; 2580; 2730; 3009; 3135; 3677; 3717; 3860; 6122; 6368; 6760; 7119; 7131; 7217; 7228

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MhII	GDGCH!C	19	676; 703; 736; 1313; 1344; 1937; 1952; 2480; 3105; 4230; 4309; 5142; 5897; 5990; 6064; 6254; 6316; 7026; 7559
MIsI	TGG!CCA	10	1279; 1906; 2437; 2779; 2791; 2836; 3616; 3877; 4285; 6033
MluI	A!CGCGT	1	4837
MluNI	TGG!CCA	10	1279; 1906; 2437; 2779; 2791; 2836; 3616; 3877; 4285; 6033
MlyI	GAGTCNNNNN!	6	908; 2939; 3096; 4444; 5003; 5435
MlyI	!NNNNNGACTC	12	404; 1322; 2206; 3118; 3159; 3841; 4269; 4569; 4596; 5010; 6616; 7493
Mly113I	GG!CGCC	2	3235; 5951
MmeI	TCCRACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	1031; 3842; 3921; 3972; 5044
MmeI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTYGGA	4	1542; 3539; 7476; 7660
MnII	CCTCNNNNNN!	34	782; 961; 976; 1192; 1303; 1519; 1561; 1747; 2154; 2214; 2268; 2413; 2436; 3101; 3248; 3390; 3638; 3759; 3911; 3935; 3980; 3992; 4013; 4025; 4272; 4342; 4489; 4670; 5734; 6552; 6758; 7072; 7442; 7766
MnII	!NNNNNNGAGG	45	541; 663; 702; 723; 756; 873; 982; 1038; 1227; 1260; 1467; 1581; 1767; 1830; 2055; 2407; 2611; 2757; 2865; 3067; 3150; 3255; 3269; 3689; 3708; 3726; 3990; 4020; 4059; 4198; 4263; 4284; 4425; 4630; 5095; 5426; 5704; 5747; 5762; 5802; 5866; 6002; 6359; 6789; 7692
Mph1103I	ATGCA!T	3	5523; 5595; 7926
MreI	CG!CCGGCG	0	
MroI	T!CCGGA	1	1324
MroNI	G!CCGGC	3	5168; 6451; 6734
MroXI	GAANN!NNTTC	2	3371; 3813
MscI	TGG!CCA	10	1279; 1906; 2437; 2779; 2791; 2836; 3616; 3877; 4285; 6033
MseI	T!TAA	24	7; 638; 863; 1319; 1628; 2071; 2114; 3130; 3581; 4073; 4652; 4713; 4834; 4855; 4866; 4878; 4889; 4906; 5004; 5275; 7094; 7108; 7113; 7165
MslI	CAYNN!NNRTG	8	365; 613; 652; 1057; 1396; 2895; 4453; 6388
MspI	C!CGG	29	601; 1193; 1325; 1435; 1557; 2431; 2596; 2826; 2848; 2949; 3675; 4061; 4413; 5169; 5856; 5933; 5955; 5983; 6114; 6204; 6271; 6452; 6727; 6735; 6827; 7301; 7491; 7517; 7664
Msp20I	TGG!CCA	10	1279; 1906; 2437; 2779; 2791; 2836; 3616; 3877; 4285; 6033
MspA1I	CMG!CKG	9	1072; 2860; 2895; 3042; 3054; 5449; 6057; 7286; 7531
MspCI	C!TTAAG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	CNNRNNNNNNNNNN!	411	36; 50; 71; 97; 113; 127; 147; 167; 219; 236; 251; 290; 306; 319; 332; 352; 373; 407; 424; 449; 481; 500; 523; 548; 574; 596; 613; 632; 646; 660; 678; 708; 726; 741; 756; 774; 807; 822; 850; 865; 889; 902; 918; 936; 950; 966; 979; 993; 1014; 1027; 1048; 1061; 1081; 1095; 1113; 1126; 1143; 1158; 1175; 1195; 1225; 1242; 1262; 1276; 1292; 1309; 1324; 1337; 1351; 1364; 1377; 1390; 1404; 1417; 1431; 1447; 1466; 1483; 1506; 1522; 1542; 1564; 1591; 1606; 1630; 1655; 1671; 1694; 1711; 1726; 1739; 1754; 1767; 1790; 1818; 1837; 1880; 1894; 1910; 1932; 1948; 1965; 1983; 2011; 2048; 2064; 2092; 2120; 2140; 2159; 2174; 2192; 2220; 2233; 2257; 2274; 2293; 2310; 2345; 2358; 2375; 2392; 2411; 2424; 2439; 2455; 2474; 2491; 2516; 2532; 2548; 2576; 2591; 2608; 2623; 2642; 2660; 2677; 2707; 2725; 2741; 2755; 2773; 2787; 2805; 2820; 2834; 2849; 2864; 2881; 2899; 2923; 2938; 2961; 2975; 2989; 3011; 3028; 3042; 3055; 3071; 3084; 3104; 3118; 3132; 3151; 3166; 3179; 3210; 3243; 3262; 3296; 3314; 3335; 3362; 3388; 3407; 3422; 3440; 3460; 3476; 3495; 3533; 3546; 3560; 3581; 3603; 3629; 3643; 3656; 3674; 3687; 3704; 3725; 3742; 3764; 3777; 3790; 3806; 3830; 3844; 3861; 3876; 3890; 3909; 3922; 3943; 3960; 3976; 4000; 4021; 4036; 4060; 4073; 4089; 4109; 4130; 4146; 4172; 4189; 4205; 4232; 4256; 4269; 4289; 4310; 4330; 4347; 4363; 4382; 4395; 4416; 4430; 4451; 4471; 4484; 4519; 4542; 4559; 4575; 4592; 4611; 4624; 4639; 4658; 4675; 4688; 4729; 4743; 4756; 4774; 4812; 4827; 4845; 4886; 4910; 4930; 4948; 4969; 4992; 5024; 5039; 5061; 5079; 5092; 5113; 5130; 5143; 5156; 5172; 5185; 5215; 5230; 5255; 5273; 5286; 5301; 5325; 5339; 5363; 5388; 5404; 5442; 5458; 5497; 5511; 5525; 5553; 5569; 5583; 5597; 5626; 5639; 5660; 5669; 5691; 5721; 5737; 5755; 5785; 5808; 5832; 5856; 5875; 5903; 5929; 5945; 5958; 5981; 5995; 6015; 6028; 6042; 6061; 6075; 6088; 6104; 6119; 6132; 6148; 6163; 6179; 6204; 6223; 6239; 6252; 6265; 6283; 6297; 6311; 6327; 6349; 6365; 6384; 6406; 6422; 6445; 6464; 6478; 6494; 6508; 6528; 6544; 6557; 6579; 6612; 6626; 6646; 6659; 6673; 6727; 6740; 6763; 6776; 6795; 6812; 6839; 6875; 6908; 6927; 6952; 6973; 7000; 7013; 7030; 7044; 7059; 7075; 7135; 7160; 7176; 7198; 7211; 7225; 7256; 7270; 7295; 7313; 7328; 7341; 7360; 7373; 7388; 7417; 7436; 7454; 7479; 7494; 7513; 7529; 7548; 7566; 7582; 7596; 7615; 7642; 7665; 7687; 7706; 7721; 7734; 7751; 7771; 7798; 7811; 7830; 7855; 7878; 7892; 7905; 7922
MspJI	!NNNNNNNNNNNNYNG	333	8; 35; 59; 76; 97; 123; 145; 168; 197; 221; 269; 281; 310; 330; 347; 377; 400; 437; 465; 492; 511; 531; 553; 574; 598; 625; 652; 682; 706; 724; 748; 767; 789; 829; 850; 876; 896; 925; 967; 1001; 1022; 1042; 1069; 1087; 1104; 1122; 1150; 1171; 1190; 1216; 1238; 1261; 1284; 1310; 1331; 1351; 1378; 1395; 1414; 1444; 1468; 1490; 1507; 1530; 1548; 1573; 1597; 1615; 1636; 1654; 1679; 1708; 1727; 1754; 1782; 1801; 1837; 1868; 1885; 1906; 1930; 1949; 1969; 1997; 2039; 2078; 2104; 2133; 2150; 2173; 2212; 2229; 2249; 2267; 2285; 2304; 2332; 2349; 2378; 2397; 2417; 2437; 2455; 2490; 2551; 2582; 2601; 2622; 2640; 2673; 2693; 2711; 2729; 2747; 2771; 2794; 2812; 2834; 2855; 2873; 2912; 2934; 2962; 2979; 3002; 3025; 3049; 3079; 3100; 3132; 3154; 3174; 3196; 3217; 3241; 3259; 3287; 3304; 3322; 3361; 3381; 3398; 3426; 3443; 3461; 3478; 3507; 3541; 3577; 3598; 3616; 3639; 3661; 3679; 3698; 3716; 3737; 3763; 3787; 3809; 3829; 3850; 3870; 3889; 3917; 3946; 3970; 3996; 4034; 4063; 4083; 4104; 4147; 4171; 4188; 4207; 4226; 4243; 4263; 4285; 4308; 4325; 4350; 4369; 4390; 4410; 4430; 4459; 4477; 4521; 4545; 4566; 4585; 4603; 4632; 4661; 4703; 4786; 4824; 4848; 4871; 4900; 4944; 4966; 4998; 5034; 5051; 5072; 5109; 5129; 5146; 5163; 5198; 5216; 5234; 5251; 5275; 5297; 5324; 5352; 5378; 5416; 5437; 5454; 5472; 5495; 5516; 5544; 5567; 5588; 5606; 5627; 5644; 5667; 5691; 5711; 5729; 5751; 5782; 5804; 5830; 5849; 5866; 5894; 5913; 5932; 5950; 5968; 5989; 6011; 6035; 6068; 6088; 6106; 6127; 6153; 6180; 6197; 6214; 6231; 6257; 6279; 6301; 6319; 6339; 6358; 6380; 6418; 6438; 6462; 6482; 6502; 6529; 6553; 6586; 6605; 6633; 6655; 6684; 6712; 6737; 6756; 6775; 6796; 6813; 6830; 6861; 6888; 6908; 6931; 6951; 6988; 7005; 7024; 7050; 7070; 7109; 7136; 7155; 7173; 7210; 7228; 7269; 7287; 7313; 7330; 7362; 7391; 7419; 7440; 7463; 7482; 7503; 7521; 7538; 7556; 7582; 7603; 7623; 7643; 7661; 7682; 7708; 7725; 7744; 7763; 7792; 7811; 7829; 7848; 7866; 7884; 7907

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspR9I	CC!NGG	41	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1429; 1459; 1558; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 2827; 2950; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4062; 4581; 5487; 5542; 5559; 5955; 6115; 6338; 6728; 6917; 7020; 7492; 7710; 7723; 7844
MssI	GTTT!AAAC	0	
MunI	C!AATTG	1	4701
MvaI	CC!WGG	32	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1429; 1459; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4581; 5487; 5542; 5559; 6338; 6917; 7020; 7710; 7723; 7844
Mva1269I	GAATGCN!	2	1644; 4702
Mva1269I	G!CATTC	2	3371; 4795
MvnI	CG!CG	18	60; 1410; 1516; 4600; 4839; 4875; 5251; 5271; 5295; 5326; 6017; 6318; 6756; 6840; 6903; 6972; 7245; 7826
MvrI	CGAT!CG	1	1418
MwoI	GCNNNNN!NNGC	41	90; 212; 244; 283; 376; 400; 657; 1088; 1522; 1534; 2342; 2808; 2857; 2892; 3003; 3055; 3226; 3328; 3633; 3667; 3742; 4519; 5178; 5208; 5235; 5277; 5518; 5590; 5641; 5720; 5942; 6026; 6049; 6188; 6311; 6394; 6661; 6848; 7052; 7251; 7823
NaeI	GCC!GGC	3	5170; 6453; 6736
NarI	GG!CGCC	2	3235; 5951
NciI	CC!SGG	9	1193; 1558; 2827; 2950; 4062; 5955; 6115; 6728; 7492
NcoI	C!CATGG	4	360; 611; 5680; 6383
NdeI	CA!TATG	1	234
NdeII	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
NgoAVIII	GACNNNNNTGANNNNNNNNNNNN!	1	280
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNTCANNNNNGTC	1	740
NgoAVIII	TCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	1	776
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNNGACNNNNNTGA	1	244
NgoMIV	G!CCGGC	3	5168; 6451; 6734
NheI	G!CTAGC	1	591
NlaIII	CATG!	33	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1395; 2190; 2442; 2523; 3165; 3486; 4111; 4170; 4407; 4485; 5381; 5521; 5593; 5684; 5825; 6170; 6356; 6387; 6413; 6769; 7153; 7873; 7924
NlaIV	GGN!NCC	30	467; 675; 735; 1126; 1433; 2242; 2424; 2996; 3236; 3445; 3679; 3719; 3862; 3908; 4001; 4218; 4585; 5106; 5127; 5139; 5330; 5491; 5563; 5952; 5987; 6835; 6914; 6959; 7802; 7841
NlaCI	CATCACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	4783; 5098; 6690
NlaCI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGATG	7	347; 1000; 1939; 2639; 3766; 4409; 7762
Nli3877I	CYCGR!G	5	1341; 1369; 1707; 2772; 3399
NmeAIII	GCCGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	3348; 5740; 6176
NmeAIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCGGC	4	1016; 3400; 4173; 5705
NmeDI	RCCGGYNNNNNNN!	8	612; 1446; 2442; 2859; 5180; 6282; 6463; 6746
NmeDI	!NNNNNNNNNNNNRCCGGY	8	587; 1421; 2417; 2834; 5155; 6257; 6438; 6721
NmuCI	!GTSAC	8	900; 1863; 2245; 3025; 4272; 5240; 6071; 6377
NotI	GC!GGCCGC	1	4595
NruI	TCG!CGA	0	
NsbI	TGC!GCA	1	6053
NsiI	ATGCA!T	3	5523; 5595; 7926
NspI	RCATG!Y	6	651; 1395; 5521; 5593; 6356; 7873
NspV	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
OliI	CACNN!NNGTG	2	613; 2895
PabI	GTA!C	14	220; 245; 300; 333; 384; 541; 665; 815; 1067; 2865; 3346; 4219; 4586; 6258
PacI	TTAAT!TAA	0	
PaeI	GCATG!C	4	1395; 5521; 5593; 6356
PaeR7I	C!TCGAG	4	1337; 1365; 1703; 2768
PagI	T!CATGA	2	5377; 7149
PalAI	GG!CGCGCC	0	
PasI	CC!CWGGG	4	843; 2263; 6916; 7019
PauI	G!CGCGC	0	
PceI	AGG!CCT	4	3379; 4014; 4261; 5772
PciI	A!CATGT	1	7869

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PciSI	GCTCTTCN!	0	
PciSI	!NNNNGAAGAGC	4	623; 2600; 6295; 6505
PcsI	WCGNNNN!NNNCGW	9	1262; 1363; 1478; 6245; 6322; 6565; 6639; 7032; 7550
PctI	GAATGCN!	2	1644; 4702
PctI	G!CATTC	2	3371; 4795
PdiI	GCC!GGC	3	5170; 6453; 6736
PdmI	GAANN!NNTTC	2	3371; 3813
PfeI	G!AWTC	12	749; 1226; 1878; 2352; 2613; 2755; 4352; 6436; 6570; 6680; 6717; 7895
Pfi23II	C!GTACG	0	
PfifI	GACN!NNGTC	1	6069
PfimiI	CCANNNN!NTGG	3	1218; 2237; 2590
PfoI	T!CCNGGA	4	953; 1427; 3842; 6726
PhoI	GG!CC	59	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1388; 1525; 1540; 1887; 1906; 2167; 2203; 2230; 2284; 2437; 2779; 2791; 2797; 2836; 2851; 2962; 2997; 3160; 3322; 3379; 3394; 3616; 3670; 3877; 4014; 4060; 4261; 4285; 4399; 4412; 4447; 4597; 4917; 5059; 5714; 5720; 5729; 5772; 5859; 6033; 6424; 6451; 6960; 7017; 7050; 7395; 7829; 7847; 7858
PinAI	A!CCGGT	2	600; 2430
PlaDI	CATCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	1774; 2312; 4448; 6332
PlaDI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGATG	5	3222; 3732; 4157; 5897; 6152
PleI	GAGTCNNNN!	6	907; 2938; 3095; 4443; 5002; 5434
PleI	!NNNNNGACTC	12	404; 1322; 2206; 3118; 3159; 3841; 4269; 4569; 4596; 5010; 6616; 7493
Ple19I	CGAT!CG	1	1418
PmaCI	CAC!GTG	0	
PmeI	GTTT!AAAC	0	
PmlI	CAC!GTG	0	
PpiI	GAACNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	1	5033
PpiI	!NNNNNNNGAGNNNNNGTTC	1	7163
PpiI	GAGNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	1	7195
PpiI	!NNNNNNNGAACNNNNNCTC	1	5001
PpsI	GAGTCNNNN!	6	907; 2938; 3095; 4443; 5002; 5434
PpsI	!NNNNNGACTC	12	404; 1322; 2206; 3118; 3159; 3841; 4269; 4569; 4596; 5010; 6616; 7493
Ppu10I	A!TGCAT	3	5519; 5591; 7922
Ppu21I	YAC!GTR	3	340; 5067; 6255
PpuMI	RG!GWCCY	1	3999
PscI	A!CATGT	1	7869
PshAI	GACNN!NNGTC	1	1252
PshBI	AT!TAAT	2	7; 2114
PsiI	TTA!TAA	2	4734; 4939
Psp03I	GGWC!C	9	1212; 1785; 2596; 3039; 4002; 4130; 4418; 6470; 6915
Psp5II	RG!GWCCY	1	3999
Psp6I	!CCWGG	32	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1427; 1457; 1658; 1887; 1943; 2161; 2225; 2262; 3062; 3410; 3447; 3590; 3822; 3842; 3863; 4579; 5485; 5540; 5557; 6336; 6915; 7018; 7708; 7721; 7842
Psp1406I	AA!CGTT	0	
Psp124BI	GAGCT!C	2	1344; 1937
PspCI	CAC!GTG	0	
PspEI	G!GTNACC	0	
PspGI	!CCWGG	32	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1427; 1457; 1658; 1887; 1943; 2161; 2225; 2262; 3062; 3410; 3447; 3590; 3822; 3842; 3863; 4579; 5485; 5540; 5557; 6336; 6915; 7018; 7708; 7721; 7842
PspLI	C!GTACG	0	
PspN4I	GGN!NCC	30	467; 675; 735; 1126; 1433; 2242; 2424; 2996; 3236; 3445; 3679; 3719; 3862; 3908; 4001; 4218; 4585; 5106; 5127; 5139; 5330; 5491; 5563; 5952; 5987; 6835; 6914; 6959; 7802; 7841
PspOMI	G!GGCCC	0	
PspOMII	CGCCCARNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	125; 5681; 6680
PspOMII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNYTGGGCG	1	6083
PspPI	G!GNCC	26	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1782; 1885; 2165; 2593; 2796; 2995; 3036; 3393; 3668; 3999; 4127; 4410; 4415; 5058; 6467; 6912; 6958; 7016; 7049

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PspPPI	RG!GWCCY	1	3999
PspPRI	CCYCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	10	2281; 3111; 3400; 3429; 3648; 3921; 4282; 5504; 5576; 7082
PspPRI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGRGG	7	864; 1292; 1572; 1764; 3630; 5417; 6612
PspXI	VC!TCGAGB	1	2768
PsrI	GAACNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGTANNNNNNGTTC	0	
PsrI	GTANNNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGAACNNNNNTAC	0	
PssI	RGGNC!CY	3	2998; 4002; 7052
PstI	CTGCA!G	2	2804; 2813
PstNI	CAGNNN!CTG	8	1286; 1699; 2469; 2808; 3636; 4546; 7052; 7460
PsuI	R!GATCY	20	585; 1159; 1333; 1448; 2294; 2422; 2580; 2730; 3009; 3135; 3677; 3717; 3860; 6122; 6368; 6760; 7119; 7131; 7217; 7228
PsyI	GACN!NNGTC	1	6069
PteI	G!CGCGC	0	
PvuI	CGAT!CG	1	1418
PvuII	CAG!CTG	5	2860; 3042; 3054; 5449; 6057
RcaI	T!CATGA	2	5377; 7149
RceI	CATCGACNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6466
RceI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGATG	0	
RgaI	GCGAT!CGC	0	
RigI	GGCCGG!CC	0	
RleAI	CCCACANNNNNNNNNNNN!	2	2928; 4680
RleAI	!NNNNNNNNNTGTGGG	0	
RpaBI	CCCGCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaBI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTGCGGG	0	
RpaB5I	CGRGGACNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaB5I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCCYCG	0	
RruI	TCG!CGA	0	
RsaI	GT!AC	14	219; 244; 299; 332; 383; 540; 664; 814; 1066; 2864; 3345; 4218; 4585; 6257
RsaNI	G!TAC	14	218; 243; 298; 331; 382; 539; 663; 813; 1065; 2863; 3344; 4217; 4584; 6256
RseI	CAYNN!NNRTG	8	365; 613; 652; 1057; 1396; 2895; 4453; 6388
RsrII	CG!GWCCG	1	6467
Rsr2I	CG!GWCCG	1	6467
SacI	GAGCT!C	2	1344; 1937
SacII	CCGC!GG	0	
SalI	G!TCGAC	0	
SapI	GCTCTTCN!	0	
SapI	!NNNNGAAGAGC	4	623; 2600; 6295; 6505
SaqAI	T!TAA	24	7; 638; 863; 1319; 1628; 2071; 2114; 3130; 3581; 4073; 4652; 4713; 4834; 4855; 4866; 4878; 4889; 4906; 5004; 5275; 7094; 7108; 7113; 7165
SatI	GC!NGC	57	768; 819; 963; 1080; 1261; 1389; 1526; 1538; 1664; 1996; 2501; 2561; 2858; 2942; 3068; 3227; 3281; 3332; 3335; 3425; 3461; 3746; 3922; 4094; 4154; 4157; 4520; 4595; 4598; 4728; 5247; 5269; 5283; 5721; 5860; 5912; 5923; 6013; 6018; 6055; 6096; 6183; 6186; 6189; 6425; 6521; 6562; 6576; 6690; 7029; 7044; 7255; 7461; 7464; 7529; 7672; 7827
Sau96I	G!GNCC	26	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1782; 1885; 2165; 2593; 2796; 2995; 3036; 3393; 3668; 3999; 4127; 4410; 4415; 5058; 6467; 6912; 6958; 7016; 7049
Sau3AI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1415; 1448; 1590; 2294; 2388; 2422; 2552; 2580; 2661; 2730; 3009; 3135; 3497; 3677; 3717; 3860; 4608; 5788; 5792; 5811; 6122; 6200; 6281; 6290; 6368; 6744; 6760; 7119; 7131; 7209; 7217; 7228; 7303
SbfI	CCTGCA!GG	0	
ScaI	AGT!ACT	0	
SchI	GAGTCNNNNN!	6	908; 2939; 3096; 4444; 5003; 5435
SchI	!NNNNNGACTC	12	404; 1322; 2206; 3118; 3159; 3841; 4269; 4569; 4596; 5010; 6616; 7493
SciI	CTC!GAG	4	1339; 1367; 1705; 2770
ScrFI	CC!NGG	41	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1429; 1459; 1558; 1660; 1889; 1945; 2163; 2227; 2264; 2827; 2950; 3064; 3412; 3449; 3592; 3824; 3844; 3865; 4062; 4581; 5487; 5542; 5559; 5955; 6115; 6338; 6728; 6917; 7020; 7492; 7710; 7723; 7844

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SdaI	CCTGCA!GG	0	
SdeAI	CAGRAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	11	1050; 1118; 1956; 3180; 3595; 3930; 4080; 5529; 5601; 5770; 7712
SdeAI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTYCTG	3	3219; 6106; 6591
SdeOSI	GACNNNNRTGANNNNNNNNNNNN!	1	279
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNTCAYNNNNNGTC	0	
SdeOSI	TCAYNNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNGACNNNNRTGA	1	245
SduI	GDGCH!C	19	676; 703; 736; 1313; 1344; 1937; 1952; 2480; 3105; 4230; 4309; 5142; 5897; 5990; 6064; 6254; 6316; 7026; 7559
SelI	!CGCG	18	58; 1408; 1514; 4598; 4837; 4873; 5249; 5269; 5293; 5324; 6015; 6316; 6754; 6838; 6901; 6970; 7243; 7824
SetI	ASST!	132	125; 137; 178; 261; 308; 342; 447; 552; 568; 635; 662; 758; 808; 829; 980; 1115; 1133; 1184; 1252; 1256; 1271; 1295; 1344; 1350; 1379; 1460; 1487; 1511; 1553; 1634; 1655; 1668; 1757; 1768; 1784; 1841; 1937; 2016; 2070; 2146; 2238; 2310; 2405; 2451; 2459; 2505; 2513; 2622; 2637; 2691; 2789; 2810; 2862; 2870; 3044; 3056; 3065; 3119; 3147; 3215; 3266; 3285; 3311; 3416; 3462; 3593; 3608; 3612; 3704; 3747; 3801; 3841; 3873; 3884; 3903; 3938; 3965; 3984; 3996; 4001; 4011; 4070; 4106; 4119; 4274; 4295; 4334; 4343; 4376; 4481; 4515; 4521; 4641; 4662; 4671; 4683; 4732; 4899; 5014; 5026; 5069; 5106; 5156; 5179; 5303; 5451; 5546; 5739; 5852; 5980; 6059; 6070; 6142; 6213; 6257; 6517; 6663; 6707; 7038; 7069; 7128; 7171; 7314; 7335; 7434; 7571; 7586; 7605; 7617; 7661; 7707; 7758
SexAI	A!CCWGGT	2	1457; 5540
SfaAI	GCGAT!CGC	0	
SfaNI	GCATCNNNNN!	11	857; 1433; 1742; 2979; 3118; 4767; 5530; 5602; 6250; 6314; 6589
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	19	357; 1010; 1049; 1178; 1661; 2148; 2259; 2547; 3140; 3234; 3552; 3623; 3780; 4445; 4533; 5909; 6164; 6380; 7772
Sfcl	C!TRYAG	5	2800; 2809; 5286; 7413; 7604
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5726
SfoI	GGC!GCC	2	3236; 5952
Sfr274I	C!TCGAG	4	1337; 1365; 1703; 2768
Sfr303I	CCGC!GG	0	
SfuI	TT!CGAA	3	1351; 4536; 6633
SgeI	CNNGNNNNNNNN!	311	6; 36; 71; 97; 123; 223; 236; 252; 290; 307; 336; 373; 407; 426; 491; 548; 579; 604; 624; 660; 678; 708; 732; 750; 765; 807; 822; 855; 889; 902; 930; 951; 966; 993; 1027; 1048; 1068; 1081; 1095; 1113; 1126; 1143; 1158; 1176; 1197; 1231; 1269; 1292; 1310; 1337; 1351; 1370; 1390; 1404; 1421; 1440; 1470; 1483; 1516; 1531; 1546; 1564; 1630; 1655; 1671; 1711; 1739; 1754; 1767; 1894; 1920; 1942; 1956; 1983; 2011; 2065; 2104; 2140; 2159; 2174; 2199; 2238; 2257; 2275; 2293; 2321; 2345; 2358; 2375; 2404; 2419; 2443; 2467; 2482; 2516; 2532; 2583; 2608; 2629; 2648; 2707; 2755; 2773; 2787; 2805; 2820; 2838; 2860; 2881; 2899; 2938; 2961; 2989; 3019; 3033; 3051; 3067; 3083; 3106; 3133; 3158; 3174; 3222; 3243; 3267; 3314; 3336; 3388; 3407; 3423; 3440; 3460; 3495; 3533; 3603; 3649; 3665; 3679; 3693; 3726; 3742; 3789; 3818; 3835; 3855; 3876; 3891; 3916; 3930; 3943; 3976; 4000; 4022; 4036; 4060; 4073; 4089; 4109; 4130; 4146; 4173; 4205; 4233; 4257; 4289; 4311; 4351; 4383; 4416; 4456; 4471; 4485; 4519; 4559; 4575; 4592; 4611; 4658; 4687; 4729; 4812; 4850; 4886; 4970; 4992; 5024; 5061; 5079; 5098; 5113; 5155; 5172; 5189; 5224; 5238; 5255; 5277; 5301; 5325; 5390; 5404; 5442; 5458; 5498; 5511; 5530; 5553; 5570; 5583; 5602; 5632; 5653; 5670; 5693; 5728; 5755; 5786; 5808; 5834; 5856; 5875; 5903; 5939; 5958; 5981; 5995; 6015; 6028; 6042; 6061; 6075; 6094; 6126; 6140; 6153; 6179; 6210; 6223; 6240; 6257; 6271; 6288; 6306; 6321; 6349; 6365; 6384; 6406; 6422; 6445; 6464; 6489; 6508; 6528; 6555; 6579; 6612; 6631; 6659; 6673; 6739; 6763; 6778; 6801; 6822; 6839; 6887; 6914; 6928; 6957; 6981; 7014; 7031; 7051; 7064; 7077; 7135; 7162; 7181; 7211; 7236; 7256; 7270; 7295; 7313; 7350; 7388; 7417; 7445; 7459; 7479; 7494; 7515; 7529; 7548; 7566; 7582; 7622; 7642; 7669; 7687; 7708; 7721; 7734; 7751; 7775; 7798; 7830; 7855; 7882; 7904

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgeI	!NNNNNNNNNNNNNCNNG	271	10; 45; 71; 97; 197; 226; 264; 281; 310; 347; 381; 400; 465; 522; 553; 578; 598; 634; 652; 682; 706; 724; 748; 781; 829; 863; 904; 925; 967; 1001; 1022; 1042; 1069; 1087; 1108; 1132; 1150; 1171; 1205; 1243; 1266; 1284; 1311; 1331; 1351; 1378; 1395; 1414; 1444; 1468; 1490; 1507; 1538; 1604; 1629; 1646; 1685; 1713; 1741; 1868; 1894; 1916; 1940; 1957; 1985; 2039; 2078; 2114; 2133; 2154; 2173; 2212; 2231; 2249; 2267; 2295; 2319; 2342; 2360; 2378; 2397; 2417; 2441; 2490; 2557; 2582; 2603; 2622; 2681; 2729; 2747; 2771; 2794; 2812; 2834; 2855; 2873; 2912; 2935; 2963; 2993; 3017; 3037; 3057; 3080; 3107; 3132; 3155; 3196; 3217; 3241; 3288; 3310; 3362; 3381; 3398; 3434; 3469; 3507; 3577; 3623; 3648; 3667; 3700; 3763; 3792; 3809; 3829; 3850; 3890; 3917; 3950; 3974; 3996; 4034; 4063; 4083; 4104; 4147; 4179; 4207; 4231; 4263; 4285; 4325; 4357; 4390; 4430; 4459; 4493; 4533; 4566; 4585; 4632; 4661; 4703; 4786; 4824; 4860; 4944; 4966; 4998; 5035; 5053; 5072; 5129; 5146; 5163; 5198; 5216; 5236; 5256; 5275; 5299; 5364; 5416; 5472; 5504; 5527; 5544; 5576; 5606; 5627; 5644; 5667; 5702; 5729; 5760; 5782; 5808; 5830; 5849; 5877; 5913; 5932; 5955; 5976; 5994; 6011; 6035; 6068; 6100; 6127; 6153; 6184; 6214; 6231; 6257; 6280; 6301; 6323; 6343; 6363; 6380; 6419; 6438; 6463; 6482; 6502; 6529; 6553; 6586; 6605; 6633; 6655; 6713; 6737; 6756; 6775; 6796; 6813; 6861; 6888; 6908; 6931; 6955; 6988; 7005; 7025; 7051; 7109; 7136; 7155; 7185; 7210; 7230; 7269; 7287; 7324; 7362; 7391; 7419; 7440; 7468; 7489; 7522; 7540; 7596; 7616; 7643; 7661; 7682; 7708; 7725; 7749; 7772; 7804; 7829; 7856; 7878; 7907
Sgfl	GCGAT!CGC	0	
SgrAI	CR!CCGGYG	1	2430
SgrBI	CCGC!GG	0	
SgrDI	CG!TCGACG	0	
SgsI	GG!CGCGCC	0	
SimI	GG!GTC	6	27; 1724; 2467; 5098; 6885; 7678
SimI	!GACCC	7	106; 1683; 2247; 3819; 6379; 6947; 7195
SinI	G!GWCC	9	1209; 1782; 2593; 3036; 3999; 4127; 4415; 6467; 6912
SlaI	C!TCGAG	4	1337; 1365; 1703; 2768
SmaI	CCC!GGG	0	
SmiI	ATTT!AAAT	0	
SmiMI	CAYNN!NNRTG	8	365; 613; 652; 1057; 1396; 2895; 4453; 6388
SmlI	C!TYRAG	11	1183; 1337; 1343; 1365; 1703; 2768; 2869; 6342; 7224; 7501; 7763
SmoI	C!TYRAG	11	1183; 1337; 1343; 1365; 1703; 2768; 2869; 6342; 7224; 7501; 7763
SmuI	CCCGCNNNN!	11	93; 119; 286; 1077; 1179; 3926; 5273; 5628; 5649; 6845; 6977
SmuI	!NNNNNNGCGGG	8	1114; 4217; 4499; 5204; 6074; 6611; 6749; 6896
SnaBI	TAC!GTA	1	340
SpeI	A!CTAGT	0	
SphI	GCATG!C	4	1395; 5521; 5593; 6356
SrfI	GCCC!GGGC	0	
Sse9I	!AATT	24	18; 1320; 1353; 1715; 1790; 1811; 2082; 2111; 2123; 2650; 2722; 3578; 3708; 3757; 4532; 4701; 4765; 4843; 4869; 4880; 5527; 5599; 5691; 7109
Sse8387I	CCTGCA!GG	0	
Sse8647I	AG!GWCCCT	0	
SseBI	AGG!CCT	4	3379; 4014; 4261; 5772
SsiI	C!CGC	40	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 932; 1070; 1172; 1389; 1514; 1526; 3919; 3922; 4598; 5266; 5269; 5283; 5373; 5621; 5633; 5642; 5654; 5664; 5675; 5721; 5860; 5923; 6425; 6470; 6536; 6562; 6687; 6690; 6838; 6970; 7277; 7421; 7917
SsiI	G!CGG	33	370; 403; 528; 767; 1079; 1121; 1537; 2895; 3331; 3337; 4224; 4506; 4594; 5211; 5238; 5326; 5436; 6017; 6081; 6182; 6185; 6465; 6520; 6618; 6756; 6903; 7043; 7286; 7531; 7652; 7671; 7798; 7826
SspI	AAT!ATT	2	4859; 5412
SspDI	G!GCGCC	2	3234; 5950
SspD5I	GGTGANNNNNNN!	12	376; 1005; 1473; 1977; 2287; 2332; 3795; 4006; 4080; 4284; 7022; 7138
SspD5I	!NNNNNNNNTCACC	7	893; 1502; 1932; 2132; 2419; 5067; 6128
SstI	GAGCT!C	2	1344; 1937

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SstII	CCGC!GG	0	
SstE37I	CGAAGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	938; 2763
SstE37I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTCG	0	
Sth132I	CCCGNNNN!	23	92; 118; 285; 860; 1076; 1178; 1199; 1526; 3402; 3784; 3925; 5150; 5272; 5627; 5648; 5961; 6364; 6503; 6574; 6844; 6976; 7206; 7644
Sth132I	!NNNNNNNNCCGGG	28	15; 407; 470; 909; 1113; 1349; 1549; 2818; 2941; 3658; 4053; 4216; 4498; 5151; 5203; 5304; 6031; 6073; 6106; 6610; 6719; 6748; 6895; 6999; 7030; 7483; 7527; 7735
Sth302II	CC!GG	29	602; 1194; 1326; 1436; 1558; 2432; 2597; 2827; 2849; 2950; 3676; 4062; 4414; 5170; 5857; 5934; 5956; 5984; 6115; 6205; 6272; 6453; 6728; 6736; 6828; 7302; 7492; 7518; 7665
StrI	C!TCGAG	4	1337; 1365; 1703; 2768
StsI	GGATGNNNNNNNNNN!	12	2165; 2282; 2486; 2933; 3163; 3575; 3803; 4049; 5819; 6276; 6301; 6755
StsI	!NNNNNNNNNNNNNNNCATCC	8	689; 777; 834; 989; 1410; 1719; 2931; 5623
StuI	AGG!CCT	4	3379; 4014; 4261; 5772
StyI	C!CWWGG	14	360; 611; 2052; 2694; 2774; 3878; 4009; 4244; 4256; 4286; 5680; 5773; 6383; 6788
StyD4I	!CCNGG	41	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1191; 1427; 1457; 1556; 1658; 1887; 1943; 2161; 2225; 2262; 2825; 2948; 3062; 3410; 3447; 3590; 3822; 3842; 3863; 4060; 4579; 5485; 5540; 5557; 5953; 6113; 6336; 6726; 6915; 7018; 7490; 7708; 7721; 7842
SwaI	ATTT!AAAT	0	
TaaI	ACN!GT	22	76; 198; 269; 543; 581; 678; 1575; 1830; 1983; 2916; 2926; 3363; 4392; 4503; 5042; 6331; 6447; 6555; 6878; 7369; 7839; 7910
TaiI	ACGT!	17	125; 137; 178; 261; 342; 447; 980; 1256; 2691; 5014; 5026; 5069; 5179; 6070; 6257; 7038; 7171
TaqI	T!CGA	26	761; 788; 1256; 1338; 1351; 1366; 1418; 1704; 1769; 1972; 2555; 2616; 2769; 3500; 4536; 5100; 5791; 6064; 6220; 6244; 6280; 6442; 6633; 6678; 6933; 7771
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	3044; 4971; 5988; 6656
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	2	2923; 6900
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	3	751; 856; 4384
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	172; 5855; 6447
TasI	!AATT	24	18; 1320; 1353; 1715; 1790; 1811; 2082; 2111; 2123; 2650; 2722; 3578; 3708; 3757; 4532; 4701; 4765; 4843; 4869; 4880; 5527; 5599; 5691; 7109
TatI	W!GTACW	6	217; 297; 330; 381; 662; 2862
TauI	GCSG!C	24	770; 1082; 1391; 1528; 1540; 3334; 3924; 4597; 4600; 5271; 5285; 5723; 5862; 5925; 6020; 6185; 6188; 6427; 6523; 6564; 6692; 7046; 7674; 7829
TfiI	G!AWTC	12	749; 1226; 1878; 2352; 2613; 2755; 4352; 6436; 6570; 6680; 6717; 7895
TliI	C!TCGAG	4	1337; 1365; 1703; 2768
TruII	T!TAA	24	7; 638; 863; 1319; 1628; 2071; 2114; 3130; 3581; 4073; 4652; 4713; 4834; 4855; 4866; 4878; 4889; 4906; 5004; 5275; 7094; 7108; 7113; 7165
Tru9I	T!TAA	24	7; 638; 863; 1319; 1628; 2071; 2114; 3130; 3581; 4073; 4652; 4713; 4834; 4855; 4866; 4878; 4889; 4906; 5004; 5275; 7094; 7108; 7113; 7165
TscAI	CASTGNN!	21	1403; 1590; 1700; 1835; 2184; 2921; 3227; 3368; 3389; 3499; 4218; 4243; 4309; 4397; 4431; 4562; 4797; 6080; 7190; 7461; 7474
TseI	G!CWGC	33	818; 962; 1260; 1663; 1995; 2500; 2560; 2857; 2941; 3067; 3226; 3280; 3334; 3424; 3460; 3745; 4093; 4153; 4156; 4519; 4727; 5246; 5911; 6012; 6054; 6095; 6188; 6575; 7028; 7254; 7460; 7463; 7528
TsoI	TARCCANNNNNNNNNN!	3	4090; 4923; 5270
TsoI	!NNNNNNNNNTGGYTA	5	787; 2968; 3679; 4728; 6480
Tsp45I	!GTSAC	8	900; 1863; 2245; 3025; 4272; 5240; 6071; 6377
Tsp509I	!AATT	24	18; 1320; 1353; 1715; 1790; 1811; 2082; 2111; 2123; 2650; 2722; 3578; 3708; 3757; 4532; 4701; 4765; 4843; 4869; 4880; 5527; 5599; 5691; 7109
TspDTI	ATGAANNNNNNNNNN!	14	670; 1990; 2032; 2168; 2203; 2318; 3482; 3499; 3770; 4052; 4127; 4709; 6010; 6714
TspDTI	!NNNNNNNNNTTCAT	7	26; 798; 819; 1393; 6428; 6884; 7091

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
TspEI	!AATT	24	18; 1320; 1353; 1715; 1790; 1811; 2082; 2111; 2123; 2650; 2722; 3578; 3708; 3757; 4532; 4701; 4765; 4843; 4869; 4880; 5527; 5599; 5691; 7109
TspGWI	ACGGANNNNNNNNNNN!	2	4332; 6826
TspGWI	!NNNNNNNNNTCCGT	4	1774; 2233; 2395; 3718
TspMI	C!CCGGG	0	
TspRI	CASTGNN!	21	1403; 1590; 1700; 1835; 2184; 2921; 3227; 3368; 3389; 3499; 4218; 4243; 4309; 4397; 4431; 4562; 4797; 6080; 7190; 7461; 7474
TstI	CACNNNNNNNTCCNNNNNNNNNNNN!	1	3254
TstI	!NNNNNNNGGANNNNNNNGTG	0	
TstI	GGANNNNNNGTGNNNNNNNNNNNN!	0	
TstI	!NNNNNNNNNCACNNNNNNNTCC	1	3222
Tth111I	GACN!NNGTC	1	6069
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	4	2797; 2903; 4315; 7278
Tth111II	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	1631; 6386; 7246; 7285
UnbI	!GGNCC	26	82; 275; 768; 1011; 1103; 1124; 1208; 1781; 1884; 2164; 2592; 2795; 2994; 3035; 3392; 3667; 3998; 4126; 4409; 4414; 5057; 6466; 6911; 6957; 7015; 7048
Van9II	CCANNNN!NTGG	3	1218; 2237; 2590
Vha464I	C!TTAAG	0	
VneI	G!TGCAC	3	699; 4305; 7555
VpaK11AI	!GGWCC	9	1208; 1781; 2592; 3035; 3998; 4126; 4414; 6466; 6911
VpaK11BI	G!GWCC	9	1209; 1782; 2593; 3036; 3999; 4127; 4415; 6467; 6912
VspI	AT!TAAT	2	7; 2114
XagI	CCTNN!NNNAGG	1	4336
XapI	R!AATTY	7	1353; 1811; 3708; 4532; 4765; 4869; 4880
XbaI	T!CTAGA	2	2091; 4605
XceI	RCATG!Y	6	651; 1395; 5521; 5593; 6356; 7873
XcmI	CCANNNNN!NNNNTGG	5	2829; 3213; 3555; 3777; 4455
XhoI	C!TCGAG	4	1337; 1365; 1703; 2768
XhoII	R!GATCY	20	585; 1159; 1333; 1448; 2294; 2422; 2580; 2730; 3009; 3135; 3677; 3717; 3860; 6122; 6368; 6760; 7119; 7131; 7217; 7228
XmaI	C!CCGGG	0	
XmaJI	C!CTAGG	3	4009; 5773; 6788
XmiI	GT!MKAC	1	1199
XmnI	GAANN!NNTTC	2	3371; 3813
XspI	C!TAG	13	592; 1298; 2092; 2252; 2374; 4010; 4606; 4800; 5218; 5774; 6789; 7123; 7376
ZraI	GAC!GTC	4	123; 176; 259; 445
ZrmI	AGT!ACT	0	
Zsp2I	ATGCA!T	3	5523; 5595; 7926