

pTagFP635-actinin vector

Table of restriction sites

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AanI	TTA!TAA	2	4224; 4429
AarI	CACCTGCNNNN!	1	2654
AarI	!NNNNNNNNGCAGGTG	1	1743
AasI	GACNNNN!NNGTC	4	1359; 4512; 5468; 7257
AatI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3805; 5262
AatII	GACGT!C	4	125; 178; 261; 447
AbsI	CC!TCGAGG	0	
AccI	GT!MKAC	2	3331; 3956
AccII	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4090; 4365; 4741; 4761; 4785; 4816; 5507; 5808; 6246; 6330; 6393; 6462; 6735; 7316
AccIII	T!CCGGA	2	770; 1793
Acc16I	TGC!GCA	1	5543
Acc36I	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5709; 6159
Acc36I	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5328
Acc65I	G!GTACC	1	3336
AccB1I	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3430; 3490; 4594; 5440; 5475
AccB7I	CCANNNN!NTGG	1	3123
AccBSI	CCG!CTC	2	4865; 6054
AccBSI	GAG!CGG	4	2130; 4084; 4701; 6108
AceIII	CAGCTCNNNNNNN!	3	2647; 2725; 4397
AceIII	!NNNNNNNNNNGAGCTG	5	552; 1189; 2011; 3163; 3376
Acil	C!CGC	45	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 1506; 1509; 1609; 1907; 2000; 3015; 3042; 3087; 3183; 3340; 3689; 3827; 3929; 4088; 4756; 4759; 4773; 4863; 5111; 5123; 5132; 5144; 5154; 5165; 5211; 5350; 5413; 5915; 5960; 6026; 6052; 6177; 6180; 6328; 6460; 6767; 6911; 7407
Acil	G!CGG	38	370; 403; 528; 778; 1224; 1399; 1671; 2130; 2184; 2395; 2457; 2649; 3222; 3342; 3524; 3836; 3878; 4084; 4701; 4728; 4816; 4926; 5507; 5571; 5672; 5675; 5955; 6010; 6108; 6246; 6393; 6533; 6776; 7021; 7142; 7161; 7288; 7316
AcII	AA!CGTT	0	
AcIWI	GGATCNNNN!	12	1510; 2578; 2608; 2924; 3359; 5309; 5620; 5866; 6258; 6617; 6715; 6801
AcIWI	!NNNNNGATCC	15	580; 1176; 1228; 1497; 1785; 2259; 2565; 2832; 3132; 3346; 3911; 5685; 6229; 6616; 6713
AcoI	Y!GGCCR	10	866; 1433; 1481; 2333; 4034; 4085; 5347; 5521; 5912; 5939
Acsi	R!AATTY	5	3007; 3320; 4255; 4359; 4370
AcuI	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	844; 3886; 5587; 6019
AcuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	2	1052; 6817
AcvI	CAC!GTG	1	2454
AcyI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3953; 5441; 6143; 6222
AdeI	CACNNN!GTG	3	2047; 4026; 4557
Afal	GT!AC	15	219; 244; 299; 332; 383; 540; 1279; 2167; 3211; 3295; 3338; 3421; 3571; 3823; 5747
Afel	AGC!GCT	1	596
AfiI	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3487; 3600; 3766; 3832; 4453; 4779; 5171; 5422; 5966; 6247; 6279; 6411; 6446; 6496; 6528; 6881; 7160; 7326; 7344
AfIII	C!TTAAG	1	4323
AfIII	A!CRYGT	3	1358; 3272; 7359
AgeI	A!CCGGT	1	3357
AgsI	TT!AA	13	1650; 2199; 2298; 2901; 2949; 3135; 3453; 3903; 4852; 4896; 4906; 5319; 6895
AhdI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
AhII	A!CTAGT	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AjiI	CAC!GTC	1	2385
AjiI	GAC!GTG	1	1266
AjnI	!CCWGG	44	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3551; 3599; 3695; 3710; 3839; 4975; 5030; 5047; 5826; 6405; 6508; 7198; 7211; 7332
AjuI	GAANNNNNNNTTGGNNNNNNNNNN!	1	1333
AjuI	!NNNNNNCCAANNNNNNNTTC	0	
AjuI	CCAANNNNNNNTTCNNNNNNNNNN!	0	
AjuI	!NNNNNNNGAANNNNNNNTTGG	1	1301
AleI	CACN!NNGTG	2	2774; 3370
AlfI	GCANNNNNTGCNNNNNNNNNN!	2	5015; 5087
AlfI	!NNNNNNNNNGCANNNNNTGC	2	4981; 5053
AloI	GAACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	2	3777; 4523
AloI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTTC	0	
AloI	GGANNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	0	
AloI	!NNNNNNNGAACNNNNNTCC	2	3745; 4491
AluI	AG!CT	42	566; 618; 624; 828; 1151; 1203; 1221; 1367; 1458; 1479; 1572; 1635; 1668; 2016; 2025; 2122; 2163; 2463; 2485; 2637; 2697; 2715; 2793; 2966; 3177; 3189; 3315; 3390; 3417; 3563; 3870; 4220; 4387; 4644; 4939; 5227; 5547; 6005; 6802; 7059; 7105; 7195
AluBI	AG!CT	42	566; 618; 624; 828; 1151; 1203; 1221; 1367; 1458; 1479; 1572; 1635; 1668; 2016; 2025; 2122; 2163; 2463; 2485; 2637; 2697; 2715; 2793; 2966; 3177; 3189; 3315; 3390; 3417; 3563; 3870; 4220; 4387; 4644; 4939; 5227; 5547; 6005; 6802; 7059; 7105; 7195
AlwI	GGATCNNNN!	12	1510; 2578; 2608; 2924; 3359; 5309; 5620; 5866; 6258; 6617; 6715; 6801
AlwI	!NNNNNGATCC	15	580; 1176; 1228; 1497; 1785; 2259; 2565; 2832; 3132; 3346; 3911; 5685; 6229; 6616; 6713
Alw21I	GWGCW!C	10	620; 899; 2018; 2252; 2771; 3264; 3460; 5554; 5744; 7049
Alw26I	GTCTCN!	2	434; 1722
Alw26I	!NNNNNGAGAC	10	1057; 1396; 1897; 2143; 3085; 3997; 4865; 5283; 6302; 6430
Alw44I	G!TGCAC	4	895; 2248; 3456; 7045
AlwNI	CAGNNN!CTG	6	1572; 2274; 2841; 4043; 6542; 6950
Ama87I	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
Aor13HI	T!CCGGA	2	770; 1793
Aor51HI	AGC!GCT	1	596
ApaI	GGGCC!C	3	2100; 2567; 3348
ApaBI	GCANNNNN!TGC	6	1561; 2467; 3011; 5009; 5081; 6543
ApaLI	G!TGCAC	4	895; 2248; 3456; 7045
ApeKI	G!CWGC	36	675; 729; 834; 837; 1083; 1221; 1408; 1455; 1656; 1668; 1742; 1884; 1969; 2188; 2460; 2511; 2790; 2793; 3177; 3189; 3575; 3719; 4017; 4217; 4736; 5401; 5502; 5544; 5585; 5678; 6065; 6518; 6744; 6950; 6953; 7018
ApoI	R!AATTY	5	3007; 3320; 4255; 4359; 4370
ApyPI	ATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	5956
ApyPI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGAT	3	5750; 6403; 7241
AquII	GCCGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1534; 5840
AquII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCGGC	3	2436; 3275; 3551
AquIII	GAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	1796; 2285; 2519; 2612; 2966; 5269
AquIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTC	0	
AquIV	GRGGAAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
AquIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCYC	1	6011
ArsI	GACNNNNNTTYGNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNCRAANNNNNNNGTC	0	
ArsI	CRAANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNNNNGACNNNNNTTYG	0	
AscI	GG!CGCGCC	0	
AseI	AT!TAAT	1	7
Asi256I	G!ATC	43	586; 610; 789; 903; 1014; 1182; 1234; 1489; 1503; 1641; 1791; 1923; 2070; 2265; 2433; 2571; 2592; 2601; 2692; 2838; 2917; 3138; 3352; 3741; 3891; 3917; 4099; 5279; 5283; 5302; 5613; 5691; 5772; 5781; 5859; 6235; 6251; 6610; 6622; 6700; 6708; 6719; 6794

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AsiGI	A!CCGGT	1	3357
AsiSI	GCGAT!CGC	0	
AspI	GACN!NNGTC	2	3118; 5559
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	2884
Asp718I	G!GTACC	1	3336
AspA2I	C!CTAGG	2	5263; 6278
AspEI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
AspLEI	GCG!C	28	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 4707; 4715; 4741; 4763; 4772; 4785; 4816; 5435; 5443; 5507; 5544; 5810; 6070; 6246; 6332; 6735; 6844; 7018; 7118; 7185
AspS9I	G!GNCC	37	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3526; 3769; 3861; 3882; 4548; 5957; 6402; 6448; 6506; 6539
AssI	AGT!ACT	1	3211
AsuII	TT!CGAA	2	3318; 6123
AsuC2I	CC!SGG	14	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3950; 5445; 5605; 6218; 6982
AsuHPI	GGTGANNNNNNNN!	5	376; 868; 3762; 6512; 6628
AsuHPI	!NNNNNNNTCACC	5	2033; 2790; 3651; 4558; 5619
AsuNHI	G!CTAGC	1	591
AvaI	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
AvaII	G!GWCC	18	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 5957; 6402
AviII	TGC!GCA	1	5543
AvrII	C!CTAGG	2	5263; 6278
AxyI	CC!TNAGG	4	2426; 3635; 4921; 6553
BaeI	ACNNNGTAYCNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNGRTACNNNNNGT	0	
BaeI	GRTACNNNNGTNNNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNNNACNNNNGTAYC	0	
BaeGI	GKGC!C	14	899; 1541; 2100; 2252; 2401; 2567; 3348; 3433; 3460; 3493; 4070; 5387; 5480; 7049
BalI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4036; 5523
BamHI	G!GATCC	3	1502; 2570; 3351
BanI	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3430; 3490; 4594; 5440; 5475
BanII	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4632; 5806; 6516
BanIII	AT!CGAT	1	5281
BarI	GAAGNNNNNTACNNNNNNNNNN!	1	3927
BarI	!NNNNNNNGTANNNNNNCTTC	0	
BarI	GTANNNNNNCTTCNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGAAGNNNNNTAC	1	3895
BasI	CCANNN!NTGG	1	3123
BauI	C!ACGAG	4	1852; 4021; 6159; 7186
BauI	C!TCGTG	2	3871; 6033
BbeI	GGCG!C	2	1599; 5444
Bbr7I	GAAGACNNNNNN!	5	1321; 1477; 3682; 3915; 3983
Bbr7I	!NNNNNNNNNNNGTCTTC	0	
BbrPI	CAC!GTG	1	2454
BbsI	GAAGACNN!	5	1316; 1472; 3677; 3910; 3978
BbsI	!NNNNNGTCTTC	0	
BbuI	GCATG!C	5	1558; 2503; 5011; 5083; 5846
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3587; 4029; 4229; 5514; 5556; 6077; 6530; 7030
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3706; 4723; 5388; 5572; 5665; 6731; 6937
Bbv12I	GWGCW!C	10	620; 899; 2018; 2252; 2771; 3264; 3460; 5554; 5744; 7049
BbvCI	CC!TCAGC	0	
BbvCI	GC!TGAGG	0	
BccI	CCATCNNNN!	16	640; 970; 1030; 1048; 1354; 1855; 2011; 2344; 2425; 2812; 2824; 3768; 4571; 5135; 5661; 6163
BccI	!NNNNNGATGG	10	811; 979; 1153; 1707; 2202; 2577; 3219; 4539; 5319; 5747
BceAI	ACGGCNNNNNNNNNN!	10	764; 1271; 1884; 3302; 3588; 3732; 3783; 3849; 5867; 6354
BceAI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1420; 4582; 5400; 6859
BceFI	ACGGCNNNNNNNNNN!	10	764; 1271; 1884; 3302; 3588; 3732; 3783; 3849; 5867; 6354

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BceFI	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	4	1421; 4583; 5401; 6860
BcgI	CGANNNNNTGCGNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNNGCANNNNNNNTCG	0	
BcgI	GCANNNNNTGCGNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNNCGANNNNNNNTGC	0	
BciVI	GTATCCNNNNNN!	3	4870; 5660; 7161
BciVI	!NNNNNGGATAC	0	
BcII	T!GATCA	1	2691
BcnI	CC!SGG	14	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3950; 5445; 5605; 6218; 6982
BcuI	A!CTAGT	0	
BdaI	TGANNNNNNNTCANNNNNNNNNN!	2	2933; 7294
BdaI	!NNNNNNNNNNNTGANNNNNNNTCA	2	2899; 7260
BfaI	C!TAG	10	592; 1364; 4055; 4096; 4290; 4708; 5264; 6279; 6613; 6866
BfiI	ACTGGGNNNNN!	3	699; 2941; 5390
BfiI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2039; 5142
BfmI	C!TRYAG	6	1657; 2230; 3325; 4776; 6903; 7094
BfoI	RGCGC!Y	9	598; 1599; 2331; 2731; 3292; 4708; 4716; 5444; 7119
BfrI	C!TTAAG	1	4323
BfuI	GTATCCNNNNNN!	3	4870; 5660; 7161
BfuI	!NNNNNGGATAC	0	
BfuAI	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5709; 6159
BfuAI	!NNNNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5328
BfuCI	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
BglI	GCCNNNN!NGGC	7	90; 212; 283; 1396; 2185; 3845; 5216
BglII	A!GATCT	3	609; 902; 2069
BisI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3525; 3576; 3720; 3837; 4018; 4088; 4218; 4737; 4759; 4773; 5211; 5350; 5402; 5413; 5503; 5508; 5545; 5586; 5673; 5679; 5915; 6011; 6052; 6066; 6180; 6519; 6534; 6745; 6951; 6954; 7019; 7162; 7317
BlnI	C!CTAGG	2	5263; 6278
BlpI	GC!TNAGC	2	1675; 2638
BlsI	GCN!GC	59	677; 731; 836; 839; 1085; 1223; 1410; 1457; 1510; 1610; 1658; 1670; 1673; 1744; 1886; 1971; 2001; 2190; 2462; 2513; 2651; 2792; 2795; 3179; 3184; 3191; 3526; 3577; 3721; 3838; 4019; 4089; 4219; 4738; 4760; 4774; 5212; 5351; 5403; 5414; 5504; 5509; 5546; 5587; 5674; 5680; 5916; 6012; 6053; 6067; 6181; 6520; 6535; 6746; 6952; 6955; 7020; 7163; 7318
BmcAI	AGT!ACT	1	3211
Bme18I	G!GWCC	18	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 5957; 6402
Bme1390I	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 3950; 4977; 5032; 5049; 5445; 5605; 5828; 6218; 6407; 6510; 6982; 7200; 7213; 7334
BmeRI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
BmeT110I	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
BmgBI	CAC!GTC	1	2385
BmgBI	GAC!GTG	1	1266
BmgT120I	GG!NCC	37	84; 277; 640; 694; 700; 712; 922; 1020; 1197; 1813; 1981; 2098; 2133; 2217; 2227; 2449; 2479; 2565; 2622; 2632; 2814; 2892; 2936; 3034; 3229; 3242; 3346; 3527; 3770; 3862; 3883; 4549; 5958; 6403; 6449; 6507; 6540
BmiI	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3432; 3492; 3883; 4596; 4617; 4629; 4820; 4981; 5053; 5442; 5477; 6325; 6404; 6449; 7292; 7331
BmrI	ACTGGGNNNNN!	3	699; 2941; 5390
BmrI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2039; 5142

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BmrFI	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 3950; 4977; 5032; 5049; 5445; 5605; 5828; 6218; 6407; 6510; 6982; 7200; 7213; 7334
BmsI	GCATCNNNN!	13	1427; 2354; 2675; 2870; 3026; 3224; 3614; 4257; 5020; 5092; 5740; 5804; 6079
BmsI	!NNNNNNNNNGATGC	12	357; 1286; 2304; 2603; 2841; 3767; 3806; 3935; 5399; 5654; 5870; 7262
BmtI	GCTAG!C	1	595
BmuI	ACTGGGNNNN!	3	699; 2941; 5390
BmuI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2039; 5142
BoxI	GACNN!NNGTC	1	4009
BpiI	GAAGACNN!	5	1316; 1472; 3677; 3910; 3978
BpiI	!NNNNNNGTCTTC	0	
BpII	GAGNNNNCTCNNNNNNNNNN!	3	867; 5230; 6129
BpII	!NNNNNNNGAGNNNNNCTC	3	835; 5198; 6097
BpmI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNN!	11	862; 1406; 1546; 1594; 1657; 1768; 1822; 2146; 2647; 2719; 6281
BpmI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	2	3694; 6224
Bpu10I	CC!TNAGC	0	
Bpu10I	GC!TNAGG	0	
Bpu14I	TT!CGAA	2	3318; 6123
Bpu1102I	GC!TNAGC	2	1675; 2638
BpuAI	GAAGACNN!	5	1316; 1472; 3677; 3910; 3978
BpuAI	!NNNNNNGTCTTC	0	
BpuEI	CTTGAGNNNNNNNNNNNNNN!	2	6735; 7274
BpuEI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCAAG	6	604; 1921; 3295; 3925; 5817; 6976
BpuMI	CC!SGG	14	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3950; 5445; 5605; 6218; 6982
BpvUI	CGAT!CG	0	
BsaI	GGTCTCN!	1	1722
BsaI	!NNNNNGAGACC	4	1897; 2143; 3997; 6430
Bsa29I	AT!CGAT	1	5281
BsaAI	YAC!GTR	5	340; 1359; 2454; 4557; 5745
BsaBI	GATNN!NNATC	2	4103; 5300
BsaHI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3953; 5441; 6143; 6222
BsaJI	C!CNNGG	43	360; 719; 923; 1005; 1055; 1073; 1164; 1519; 1613; 1736; 2219; 2268; 2340; 2470; 2546; 2566; 2624; 2762; 2846; 2855; 2939; 2994; 3045; 3167; 3284; 3340; 3347; 3368; 3464; 3600; 3695; 4975; 5047; 5170; 5205; 5214; 5263; 5604; 5873; 6278; 6406; 6509; 7199
BsaMI	GAATGCN!	1	4192
BsaMI	G!CATTC	1	4285
BsaWI	W!CCGGW	9	600; 770; 1332; 1793; 3357; 5472; 6316; 7006; 7153
BsaXI	ACNNNNNCTCCNNNNNNNNNN!	2	919; 4521
BsaXI	!NNNNNNNGGAGNNNNNNGT	0	
BsaXI	GGAGNNNNNNGTNNNNNNNNNN!	0	
BsaXI	!NNNNNNNNNACNNNNNCTCC	2	889; 4491
BsbI	CAACACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	1676
BsbI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNGTGTG	3	1409; 4442; 6349
Bsc4I	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3487; 3600; 3766; 3832; 4453; 4779; 5171; 5422; 5966; 6247; 6279; 6411; 6446; 6496; 6528; 6881; 7160; 7326; 7344
BscAI	GCATCNNNN!	13	1426; 2353; 2674; 2869; 3025; 3223; 3613; 4256; 5019; 5091; 5739; 5803; 6078
BscAI	!NNNNNNGATGC	12	360; 1289; 2307; 2606; 2844; 3770; 3809; 3938; 5402; 5657; 5873; 7265
Bse1I	ACTGGN!	9	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3980; 5385; 5586; 6832
Bse1I	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4470; 5148; 6944; 6957
Bse8I	GATNN!NNATC	2	4103; 5300
Bse21I	CC!TNAGG	4	2426; 3635; 4921; 6553
Bse118I	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4658; 5760; 5941; 6224
BseAI	T!CCGGA	2	770; 1793

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BseBI	CC!WGG	44	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 4977; 5032; 5049; 5828; 6407; 6510; 7200; 7213; 7334
BseCI	AT!CGAT	1	5281
BseDI	C!CNNGG	43	360; 719; 923; 1005; 1055; 1073; 1164; 1519; 1613; 1736; 2219; 2268; 2340; 2470; 2546; 2566; 2624; 2762; 2846; 2855; 2939; 2994; 3045; 3167; 3284; 3340; 3347; 3368; 3464; 3600; 3695; 4975; 5047; 5170; 5205; 5214; 5263; 5604; 5873; 6278; 6406; 6509; 7199
Bse3DI	GCAATGNN!	1	5674
Bse3DI	!CATTGC	0	
BseGI	GGATGNN!	14	822; 990; 1164; 1236; 1308; 1341; 1718; 2213; 2856; 3230; 5301; 5758; 5783; 6237
BseGI	!CATCC	14	1025; 1040; 1130; 1286; 1847; 2336; 2345; 2717; 2771; 3460; 3548; 3605; 3760; 5127
BseJI	GATNN!NNATC	2	4103; 5300
BseLI	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3487; 3600; 3766; 3832; 4453; 4779; 5171; 5422; 5966; 6247; 6279; 6411; 6446; 6496; 6528; 6881; 7160; 7326; 7344
BseMI	GCAATGNN!	1	5674
BseMI	!CATTGC	0	
BseMII	CTCAGNNNNNNNNNN!	8	620; 667; 866; 1689; 2119; 2440; 2652; 6567
BseMII	!NNNNNNNNCTGAG	8	1694; 3197; 3626; 4912; 5214; 6095; 6667; 7076
BseNI	ACTGGN!	9	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3980; 5385; 5586; 6832
BseNI	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4470; 5148; 6944; 6957
BsePI	G!CGCGC	0	
BseRI	GAGGAGNNNNNNNNNN!	6	1786; 2275; 2509; 2602; 2956; 5259
BseRI	!NNNNNNNNCTCCTC	0	
BseSI	GKGCM!C	14	899; 1541; 2100; 2252; 2401; 2567; 3348; 3433; 3460; 3493; 4070; 5387; 5480; 7049
BseXI	GCAGCNNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3587; 4029; 4229; 5514; 5556; 6077; 6530; 7030
BseXI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3706; 4723; 5388; 5572; 5665; 6731; 6937
BseX3I	C!GGCCG	2	4085; 5347
BseYI	C!CCAGC	3	4984; 5056; 7055
BseYI	G!CTGGG	4	2783; 3145; 3797; 5945
BsgI	GTGCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	1639
BsgI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTGCAC	2	1585; 2174
Bsh1236I	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4090; 4365; 4741; 4761; 4785; 4816; 5507; 5808; 6246; 6330; 6393; 6462; 6735; 7316
Bsh1285I	CGRY!CG	5	1333; 3362; 4088; 5350; 7025
BshFI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3527; 3770; 3805; 3839; 3862; 3884; 3994; 4036; 4087; 4407; 4549; 5204; 5210; 5219; 5262; 5349; 5523; 5914; 5941; 6450; 6507; 6540; 6885; 7319; 7337; 7348
BshNI	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3430; 3490; 4594; 5440; 5475
BshTI	A!CCGGT	1	3357
BshVI	AT!CGAT	1	5281
BsiEI	CGRY!CG	5	1333; 3362; 4088; 5350; 7025
BsiHKAI	GWGCW!C	10	620; 899; 2018; 2252; 2771; 3264; 3460; 5554; 5744; 7049
BsiHKCI	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
BsiSI	C!CGG	37	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3950; 4659; 5346; 5423; 5445; 5473; 5604; 5694; 5761; 5942; 6217; 6225; 6317; 6791; 6981; 7007; 7154
BsiWI	C!GTACG	0	
BsII	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3487; 3600; 3766; 3832; 4453; 4779; 5171; 5422; 5966; 6247; 6279; 6411; 6446; 6496; 6528; 6881; 7160; 7326; 7344

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BsIF1	GGGACNNNNNNNNNN!	15	175; 326; 494; 706; 795; 1600; 2098; 2285; 2461; 2491; 2634; 3163; 5592; 6124; 6233
BsIF1	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	6	2921; 3069; 4957; 5029; 5093; 6388
BsmI	GAATGCN!	1	4192
BsmI	G!CATTC	1	4285
BsmAI	GTCTCN!	2	434; 1722
BsmAI	!NNNNNGAGAC	10	1057; 1396; 1897; 2143; 3085; 3997; 4865; 5283; 6302; 6430
BsmBI	CGTCTCN!	0	
BsmBI	!NNNNNGAGACG	0	
BsmFI	GGGACNNNNNNNNNN!	15	175; 326; 494; 706; 795; 1600; 2098; 2285; 2461; 2491; 2634; 3163; 5592; 6124; 6233
BsmFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	6	2921; 3069; 4957; 5029; 5093; 6388
BsnI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3527; 3770; 3805; 3839; 3862; 3884; 3994; 4036; 4087; 4407; 4549; 5204; 5210; 5219; 5262; 5349; 5523; 5914; 5941; 6450; 6507; 6540; 6885; 7319; 7337; 7348
Bso31I	GGTCTCN!	1	1722
Bso31I	!NNNNNGAGACC	4	1897; 2143; 3997; 6430
BsoBI	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
Bsp13I	T!CCGGA	2	770; 1793
Bsp19I	C!CATGG	7	360; 2219; 2762; 3167; 3368; 5170; 5873
Bsp24I	GACNNNNNNTGGNNNNNNNNNN!	3	289; 735; 6244
Bsp24I	!NNNNNNCCANNNNNGTC	2	6665; 6843
Bsp24I	CCANNNNNGTCNNNNNNNNNN!	2	6697; 6875
Bsp24I	!NNNNNNNGACNNNNNNTGG	3	257; 703; 6212
Bsp68I	TCG!CGA	0	
Bsp119I	TT!CGAA	2	3318; 6123
Bsp120I	G!GGCCC	3	2096; 2563; 3344
Bsp143I	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
Bsp1286I	GDGCH!C	25	620; 899; 1392; 1541; 2018; 2100; 2252; 2401; 2547; 2567; 2771; 3264; 3348; 3433; 3460; 3493; 4070; 4632; 5387; 5480; 5554; 5744; 5806; 6516; 7049
Bsp1407I	T!GTACA	1	3419
Bsp1720I	GC!TNAGC	2	1675; 2638
BspACI	C!CGC	45	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 1506; 1509; 1609; 1907; 2000; 3015; 3042; 3087; 3183; 3340; 3689; 3827; 3929; 4088; 4756; 4759; 4773; 4863; 5111; 5123; 5132; 5144; 5154; 5165; 5211; 5350; 5413; 5915; 5960; 6026; 6052; 6177; 6180; 6328; 6460; 6767; 6911; 7407
BspACI	G!CGG	38	370; 403; 528; 778; 1224; 1399; 1671; 2130; 2184; 2395; 2457; 2649; 3222; 3342; 3524; 3836; 3878; 4084; 4701; 4728; 4816; 4926; 5507; 5571; 5672; 5675; 5955; 6010; 6108; 6246; 6393; 6533; 6776; 7021; 7142; 7161; 7288; 7316
BspCNI	CTCAGNNNNNNNN!	8	619; 666; 865; 1688; 2118; 2439; 2651; 6566
BspCNI	!NNNNNNNCTGAG	8	1695; 3198; 3627; 4913; 5215; 6096; 6668; 7077
BspDI	AT!CGAT	1	5281
BspD6I	GACTCNNNN!	8	418; 612; 2046; 3255; 4100; 4514; 6120; 6997
BspD6I	!NNNNNNNGAGTC	3	3649; 4477; 4909
BspEI	T!CCGGA	2	770; 1793
BspFNI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4090; 4365; 4741; 4761; 4785; 4816; 5507; 5808; 6246; 6330; 6393; 6462; 6735; 7316
BspHI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4867; 6639
BspLI	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3432; 3492; 3883; 4596; 4617; 4629; 4820; 4981; 5053; 5442; 5477; 6325; 6404; 6449; 7292; 7331
BspMI	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5709; 6159
BspMI	!NNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5328
BspOI	GCTAG!C	1	595
BspPI	GGATCNNNN!	12	1510; 2578; 2608; 2924; 3359; 5309; 5620; 5866; 6258; 6617; 6715; 6801

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BspPI	!NNNNNGATCC	15	580; 1176; 1228; 1497; 1785; 2259; 2565; 2832; 3132; 3346; 3911; 5685; 6229; 6616; 6713
BspQI	GCTCTCN!	0	
BspQI	!NNNNGAAGAGC	4	2656; 3380; 5785; 5995
BspTI	C!TTAAG	1	4323
BspT104I	TT!CGAA	2	3318; 6123
BspT107I	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3430; 3490; 4594; 5440; 5475
BspTNI	GGTCTCN!	1	1722
BspTNI	!NNNNNGAGACC	4	1897; 2143; 3997; 6430
BsrI	ACTGGN!	9	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3980; 5385; 5586; 6832
BsrI	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4470; 5148; 6944; 6957
BsrBI	CCG!CTC	2	4865; 6054
BsrBI	GAG!CGG	4	2130; 4084; 4701; 6108
BsrDI	GCAATGNN!	1	5674
BsrDI	!CATTGC	0	
BsrFI	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4658; 5760; 5941; 6224
BsrGI	T!GTACA	1	3419
BsrSI	ACTGGN!	9	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3980; 5385; 5586; 6832
BsrSI	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4470; 5148; 6944; 6957
BssAI	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4658; 5760; 5941; 6224
BssECI	C!CNNGG	43	360; 719; 923; 1005; 1055; 1073; 1164; 1519; 1613; 1736; 2219; 2268; 2340; 2470; 2546; 2566; 2624; 2762; 2846; 2855; 2939; 2994; 3045; 3167; 3284; 3340; 3347; 3368; 3464; 3600; 3695; 4975; 5047; 5170; 5205; 5214; 5263; 5604; 5873; 6278; 6406; 6509; 7199
BssHII	G!CGCGC	0	
BssKI	!CCNGG	58	88; 281; 695; 707; 713; 718; 812; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1532; 1583; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2846; 2867; 2888; 2912; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3347; 3551; 3599; 3695; 3710; 3839; 3948; 4975; 5030; 5047; 5443; 5603; 5826; 6216; 6405; 6508; 6980; 7198; 7211; 7332
BssMI	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
BssNI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3953; 5441; 6143; 6222
BssNAI	GTA!TAC	0	
BssSI	C!ACGAG	4	1852; 4021; 6159; 7186
BssSI	C!TCGTG	2	3871; 6033
BssT1I	C!CWGGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5170; 5263; 5873; 6278
Bst6I	CTCTCN!	0	
Bst6I	!NNNNGAAGAG	8	677; 797; 1055; 2656; 3380; 4908; 5785; 5995
Bst98I	C!TTAAG	1	4323
Bst1107I	GTA!TAC	0	
BstACI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3953; 5441; 6143; 6222
BstAFI	C!TTAAG	1	4323
BstAPI	GCANNNN!NTGC	6	1560; 2466; 3010; 5008; 5080; 6542
BstAUI	T!GTACA	1	3419
BstBI	TT!CGAA	2	3318; 6123
Bst2BI	C!ACGAG	4	1852; 4021; 6159; 7186
Bst2BI	C!TCGTG	2	3871; 6033
BstBAI	YAC!GTR	5	340; 1359; 2454; 4557; 5745
Bst4CI	ACN!GT	16	76; 198; 269; 543; 581; 1984; 3336; 3435; 4532; 5821; 5937; 6045; 6368; 6859; 7329; 7400
BstC8I	GCN!NGC	43	86; 279; 593; 939; 1481; 1556; 1600; 1633; 1688; 2186; 2397; 2501; 2533; 2955; 3015; 3187; 3344; 3478; 3682; 4660; 4703; 4717; 4990; 5009; 5062; 5081; 5335; 5521; 5740; 5806; 5812; 5844; 5885; 5889; 5943; 6226; 6413; 6460; 6516; 6538; 6749; 7309; 7346
BstDEI	C!TNAG	18	606; 653; 852; 1675; 1703; 2105; 2426; 2638; 3206; 3377; 3635; 3932; 4921; 5223; 6104; 6553; 6676; 7085
BstDSI	C!CRYGG	11	360; 1055; 1519; 2219; 2762; 3167; 3284; 3340; 3368; 5170; 5873
BstEII	G!GTNACC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstENI	CCTNN!NNNAGG	2	772; 1750
BstF5I	GGATGNN!	14	822; 990; 1164; 1236; 1308; 1341; 1718; 2213; 2856; 3230; 5301; 5758; 5783; 6237
BstF5I	!CATCC	14	1025; 1040; 1130; 1286; 1847; 2336; 2345; 2717; 2771; 3460; 3548; 3605; 3760; 5127
BstFNI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4090; 4365; 4741; 4761; 4785; 4816; 5507; 5808; 6246; 6330; 6393; 6462; 6735; 7316
BstH2I	RGCGC!Y	9	598; 1599; 2331; 2731; 3292; 4708; 4716; 5444; 7119
BstHHI	GCG!C	28	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 4707; 4715; 4741; 4763; 4772; 4785; 4816; 5435; 5443; 5507; 5544; 5810; 6070; 6246; 6332; 6735; 6844; 7018; 7118; 7185
BstKTI	GAT!C	43	588; 612; 791; 905; 1016; 1184; 1236; 1491; 1505; 1643; 1793; 1925; 2072; 2267; 2435; 2573; 2594; 2603; 2694; 2840; 2919; 3140; 3354; 3743; 3893; 3919; 4101; 5281; 5285; 5304; 5615; 5693; 5774; 5783; 5861; 6237; 6253; 6612; 6624; 6702; 6710; 6721; 6796
BstMAI	GTCTCN!	2	434; 1722
BstMAI	!NNNNNGAGAC	10	1057; 1396; 1897; 2143; 3085; 3997; 4865; 5283; 6302; 6430
BstMBI	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
BstMCI	CGRY!CG	5	1333; 3362; 4088; 5350; 7025
BstMWI	GCNNNNN!NNGC	43	90; 212; 244; 283; 376; 400; 834; 1396; 1560; 1608; 1665; 1941; 2005; 2022; 2185; 2466; 2532; 2963; 3010; 3023; 3186; 3226; 3414; 3845; 4668; 4698; 4725; 4767; 5008; 5080; 5131; 5210; 5432; 5516; 5539; 5678; 5801; 5884; 6151; 6338; 6542; 6741; 7313
BstNI	CC!WGG	44	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 4977; 5032; 5049; 5828; 6407; 6510; 7200; 7213; 7334
BstNSI	RCATG!Y	9	675; 1558; 2503; 3276; 3408; 5011; 5083; 5846; 7363
BstOI	CC!WGG	44	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 4977; 5032; 5049; 5828; 6407; 6510; 7200; 7213; 7334
BstPI	G!GTNACC	0	
BstPAI	GACNN!NNGTC	1	4009
BstSCI	!CCNGG	58	88; 281; 695; 707; 713; 718; 812; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1532; 1583; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2846; 2867; 2888; 2912; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3347; 3551; 3599; 3695; 3710; 3839; 3948; 4975; 5030; 5047; 5443; 5603; 5826; 6216; 6405; 6508; 6980; 7198; 7211; 7332
BstSFI	C!TRYAG	6	1657; 2230; 3325; 4776; 6903; 7094
BstSLI	GKGCM!C	14	899; 1541; 2100; 2252; 2401; 2567; 3348; 3433; 3460; 3493; 4070; 5387; 5480; 7049
BstSNI	TAC!GTA	1	340
BstUI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4090; 4365; 4741; 4761; 4785; 4816; 5507; 5808; 6246; 6330; 6393; 6462; 6735; 7316
Bst2UI	CC!WGG	44	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 4977; 5032; 5049; 5828; 6407; 6510; 7200; 7213; 7334
BstV1I	GCAGCNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3587; 4029; 4229; 5514; 5556; 6077; 6530; 7030
BstV1I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3706; 4723; 5388; 5572; 5665; 6731; 6937
BstV2I	GAAGACNN!	5	1316; 1472; 3677; 3910; 3978
BstV2I	!NNNNNNGTCTTC	0	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	2	1299; 3045
BstX2I	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3916; 5612; 5858; 6250; 6609; 6621; 6707; 6718
BstYI	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3916; 5612; 5858; 6250; 6609; 6621; 6707; 6718

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstZI	C!GGCCG	2	4085; 5347
BstZ17I	GTA!TAC	0	
BsuI	GTATCCNNNNNN!	3	4870; 5660; 7161
BsuI	!NNNNNGGATAC	0	
Bsu15I	AT!CGAT	1	5281
Bsu36I	CC!TNAGG	4	2426; 3635; 4921; 6553
BsuRI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3527; 3770; 3805; 3839; 3862; 3884; 3994; 4036; 4087; 4407; 4549; 5204; 5210; 5219; 5262; 5349; 5523; 5914; 5941; 6450; 6507; 6540; 6885; 7319; 7337; 7348
BsuTUI	AT!CGAT	1	5281
BtgI	C!CRYGG	11	360; 1055; 1519; 2219; 2762; 3167; 3284; 3340; 3368; 5170; 5873
BtgZI	GCGATGNNNNNNNNNN!	2	4558; 5893
BtgZI	!NNNNNNNNNNNNNNCATCGC	6	334; 1989; 2790; 3201; 5712; 6056
BthCI	GCNG!C	59	678; 732; 837; 840; 1086; 1224; 1411; 1458; 1511; 1611; 1659; 1671; 1674; 1745; 1887; 1972; 2002; 2191; 2463; 2514; 2652; 2793; 2796; 3180; 3185; 3192; 3527; 3578; 3722; 3839; 4020; 4090; 4220; 4739; 4761; 4775; 5213; 5352; 5404; 5415; 5505; 5510; 5547; 5588; 5675; 5681; 5917; 6013; 6054; 6068; 6182; 6521; 6536; 6747; 6953; 6956; 7021; 7164; 7319
BtrI	CAC!GTC	1	2385
BtrI	GAC!GTG	1	1266
BtsI	GCAGTGNN!	0	
BtsI	!CACTGC	1	4280
BtsCI	GGATGNN!	14	822; 990; 1164; 1236; 1308; 1341; 1718; 2213; 2856; 3230; 5301; 5758; 5783; 6237
BtsCI	!CATCC	14	1025; 1040; 1130; 1286; 1847; 2336; 2345; 2717; 2771; 3460; 3548; 3605; 3760; 5127
BtuMI	TCG!CGA	0	
BveI	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5709; 6159
BveI	!NNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5328
Cac8I	GCN!NGC	43	86; 279; 593; 939; 1481; 1556; 1600; 1633; 1688; 2186; 2397; 2501; 2533; 2955; 3015; 3187; 3344; 3478; 3682; 4660; 4703; 4717; 4990; 5009; 5062; 5081; 5335; 5521; 5740; 5806; 5812; 5844; 5885; 5889; 5943; 6226; 6413; 6460; 6516; 6538; 6749; 7309; 7346
CaiI	CAGNNN!CTG	6	1572; 2274; 2841; 4043; 6542; 6950
CciI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4867; 6639
CciNI	GC!GGCCGC	1	4085
CdiI	CATC!G	13	352; 801; 966; 1317; 2007; 2562; 2670; 2808; 3219; 5730; 5735; 5933; 6074
CdiI	C!GATG	2	4544; 5879
CdpI	GCGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1424; 7313
CdpI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGC	3	486; 5102; 5144
CelII	GC!TNAGC	2	1675; 2638
CfoI	GCG!C	28	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 4707; 4715; 4741; 4763; 4772; 4785; 4816; 5435; 5443; 5507; 5544; 5810; 6070; 6246; 6332; 6735; 6844; 7018; 7118; 7185
CfrI	Y!GGCCR	10	866; 1433; 1481; 2333; 4034; 4085; 5347; 5521; 5912; 5939
Cfr9I	C!CCGGG	2	2846; 3347
Cfr10I	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4658; 5760; 5941; 6224
Cfr13I	G!GNCC	37	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3526; 3769; 3861; 3882; 4548; 5957; 6402; 6448; 6506; 6539
Cfr42I	CCGC!GG	1	3343
ChaI	GATC!	43	589; 613; 792; 906; 1017; 1185; 1237; 1492; 1506; 1644; 1794; 1926; 2073; 2268; 2436; 2574; 2595; 2604; 2695; 2841; 2920; 3141; 3355; 3744; 3894; 3920; 4102; 5282; 5286; 5305; 5616; 5694; 5775; 5784; 5862; 6238; 6254; 6613; 6625; 6703; 6711; 6722; 6797
CjeI	CCANNNNNGTNNNNNNNNNNNNNN!	7	2311; 3226; 3472; 5258; 6698; 6798; 6876
CjeI	!NNNNNNNNNACNNNNNNNTGG	12	64; 257; 703; 1135; 1556; 1720; 1843; 4925; 5020; 6212; 6762; 7317

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CjeI	ACNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	12	98; 291; 737; 1169; 1590; 1754; 1877; 4959; 5054; 6246; 6796; 7351
CjeI	!NNNNNNNNCCANNNNNNGT	7	2277; 3192; 3438; 5224; 6664; 6764; 6842
CjePI	CCANNNNNNNTCNNNNNNNNNNNNNN!	6	667; 1069; 1399; 2442; 6698; 6876
CjePI	!NNNNNNNGANNNNNNNTGG	8	257; 673; 703; 3129; 3497; 3842; 6212; 6811
CjePI	GANNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	8	290; 706; 736; 3162; 3530; 3875; 6245; 6844
CjePI	!NNNNNNCCANNNNNNNTC	6	634; 1036; 1366; 2409; 6665; 6843
Clai	AT!CGAT	1	5281
CpoI	CG!GWCCG	2	2132; 5957
CseI	GACGCNNNNN!	3	526; 6151; 6230
CseI	!NNNNNNNNNGCGTC	5	936; 3942; 4774; 6669; 7247
CsiI	A!CCWGGT	1	5030
CspI	CG!GWCCG	2	2132; 5957
Csp6I	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 1278; 2166; 3210; 3294; 3337; 3420; 3570; 3822; 5746
Csp45I	TT!CGAA	2	3318; 6123
CspAI	A!CCGGT	1	3357
CspCI	CAANNNNNGTGGNNNNNNNNNNNN!	1	411
CspCI	!NNNNNNNNCCACNNNNNTTG	0	
CspCI	CCACNNNNNTTGNNNNNNNNNNNNN!	0	
CspCI	!NNNNNNNNNNCAANNNNNGTGG	1	376
CstMI	AAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	2348; 3422; 4013; 4721; 6330
CstMI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTT	1	2876
CviAII	C!ATG	45	301; 361; 636; 672; 752; 831; 1011; 1350; 1551; 1555; 1560; 1695; 1881; 1945; 2220; 2287; 2500; 2617; 2763; 3021; 3081; 3123; 3168; 3273; 3369; 3405; 3411; 3423; 3501; 3567; 3647; 3858; 4868; 5008; 5080; 5171; 5312; 5657; 5843; 5874; 5900; 6256; 6640; 7360; 7411
CviJI	RG!CY	174	42; 84; 93; 277; 566; 618; 624; 678; 718; 821; 828; 868; 873; 922; 937; 970; 1072; 1083; 1111; 1151; 1163; 1169; 1197; 1203; 1221; 1258; 1345; 1367; 1390; 1411; 1435; 1458; 1479; 1483; 1524; 1572; 1608; 1635; 1668; 1674; 1686; 1742; 1766; 1800; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 1969; 2016; 2025; 2098; 2122; 2163; 2188; 2218; 2284; 2302; 2335; 2463; 2485; 2526; 2545; 2551; 2565; 2637; 2642; 2682; 2697; 2715; 2783; 2793; 2867; 2893; 2953; 2966; 3067; 3097; 3127; 3145; 3177; 3189; 3205; 3229; 3242; 3315; 3346; 3390; 3417; 3480; 3527; 3556; 3563; 3641; 3707; 3719; 3770; 3797; 3805; 3839; 3862; 3870; 3884; 3994; 4030; 4036; 4087; 4110; 4220; 4387; 4407; 4549; 4630; 4644; 4658; 4939; 4980; 5052; 5175; 5204; 5210; 5219; 5227; 5250; 5262; 5268; 5349; 5366; 5374; 5401; 5426; 5510; 5519; 5523; 5547; 5585; 5661; 5678; 5697; 5760; 5804; 5814; 5831; 5914; 5941; 5945; 5982; 6005; 6021; 6201; 6228; 6289; 6411; 6450; 6507; 6514; 6521; 6540; 6551; 6802; 6831; 6874; 6885; 6950; 7029; 7054; 7059; 7105; 7195; 7293; 7319; 7337; 7348
CviKI-1	RG!CY	174	42; 84; 93; 277; 566; 618; 624; 678; 718; 821; 828; 868; 873; 922; 937; 970; 1072; 1083; 1111; 1151; 1163; 1169; 1197; 1203; 1221; 1258; 1345; 1367; 1390; 1411; 1435; 1458; 1479; 1483; 1524; 1572; 1608; 1635; 1668; 1674; 1686; 1742; 1766; 1800; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 1969; 2016; 2025; 2098; 2122; 2163; 2188; 2218; 2284; 2302; 2335; 2463; 2485; 2526; 2545; 2551; 2565; 2637; 2642; 2682; 2697; 2715; 2783; 2793; 2867; 2893; 2953; 2966; 3067; 3097; 3127; 3145; 3177; 3189; 3205; 3229; 3242; 3315; 3346; 3390; 3417; 3480; 3527; 3556; 3563; 3641; 3707; 3719; 3770; 3797; 3805; 3839; 3862; 3870; 3884; 3994; 4030; 4036; 4087; 4110; 4220; 4387; 4407; 4549; 4630; 4644; 4658; 4939; 4980; 5052; 5175; 5204; 5210; 5219; 5227; 5250; 5262; 5268; 5349; 5366; 5374; 5401; 5426; 5510; 5519; 5523; 5547; 5585; 5661; 5678; 5697; 5760; 5804; 5814; 5831; 5914; 5941; 5945; 5982; 6005; 6021; 6201; 6228; 6289; 6411; 6450; 6507; 6514; 6521; 6540; 6551; 6802; 6831; 6874; 6885; 6950; 7029; 7054; 7059; 7105; 7195; 7293; 7319; 7337; 7348
CviQI	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 1278; 2166; 3210; 3294; 3337; 3420; 3570; 3822; 5746
DdeI	C!TNAG	18	606; 653; 852; 1675; 1703; 2105; 2426; 2638; 3206; 3377; 3635; 3932; 4921; 5223; 6104; 6553; 6676; 7085
DinI	GGC!GCC	2	1597; 5442

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
DpnI	GA!TC	43	587; 611; 790; 904; 1015; 1183; 1235; 1490; 1504; 1642; 1792; 1924; 2071; 2266; 2434; 2572; 2593; 2602; 2693; 2839; 2918; 3139; 3353; 3742; 3892; 3918; 4100; 5280; 5284; 5303; 5614; 5692; 5773; 5782; 5860; 6236; 6252; 6611; 6623; 6701; 6709; 6720; 6795
DpnII	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
DraI	TTT!AAA	3	4143; 6585; 6604
DraII	RG!GNCCY	9	699; 921; 2096; 2097; 2226; 2564; 2621; 2935; 6539
DraIII	CACNNN!GTG	3	2047; 4026; 4557
DraRI	CAAGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	266; 2771; 3179; 6921
DraRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCCTG	1	2147
DrdI	GACNNN!NNGTC	4	1359; 4512; 5468; 7257
DrdIV	TACGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
DrdIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGTA	1	476
DriI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
DseDI	GACNNN!NNGTC	4	1359; 4512; 5468; 7257
EaeI	Y!GGCCR	10	866; 1433; 1481; 2333; 4034; 4085; 5347; 5521; 5912; 5939
EagI	C!GGCCG	2	4085; 5347
Eam1104I	CTCTTCN!	0	
Eam1104I	!NNNNGAAGAG	8	677; 797; 1055; 2656; 3380; 4908; 5785; 5995
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
EarI	CTCTTCN!	0	
EarI	!NNNNGAAGAG	8	677; 797; 1055; 2656; 3380; 4908; 5785; 5995
EciI	GGCGGANNNNNNNNNNNN!	5	1414; 4941; 5970; 7157; 7303
EciI	!NNNNNNNNNTCCGCC	5	496; 1495; 5112; 5133; 5154
Ecl136II	GAG!CTC	2	618; 2016
EclXI	C!GGCCG	2	4085; 5347
Eco24I	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4632; 5806; 6516
Eco31I	GGTCTCN!	1	1722
Eco31I	!NNNNNGAGACC	4	1897; 2143; 3997; 6430
Eco32I	GAT!ATC	0	
Eco47I	G!GWCC	18	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 5957; 6402
Eco47III	AGC!GCT	1	596
Eco52I	C!GGCCG	2	4085; 5347
Eco57I	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	844; 3886; 5587; 6019
Eco57I	!NNNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	2	1052; 6817
Eco72I	CAC!GTG	1	2454
Eco81I	CC!TNAGG	4	2426; 3635; 4921; 6553
Eco88I	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
Eco91I	G!GTNACC	0	
Eco105I	TAC!GTA	1	340
Eco130I	C!CWGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5170; 5263; 5873; 6278
Eco147I	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3805; 5262
EcoHI	!CCSGG	14	695; 713; 812; 1532; 1583; 2846; 2888; 2912; 3347; 3948; 5443; 5603; 6216; 6980
EcoICRI	GAG!CTC	2	618; 2016
Eco57MI	CTGRAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	14	844; 1406; 1546; 1594; 1657; 1768; 1822; 2146; 2647; 2719; 3886; 5587; 6019; 6281
Eco57MI	!NNNNNNNNNNNNNNNCTYCAG	4	1052; 3694; 6224; 6817
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	2	772; 1750
Eco065I	G!GTNACC	0	
Eco0109I	RG!GNCCY	9	699; 921; 2096; 2097; 2226; 2564; 2621; 2935; 6539
EcoRI	G!AATTC	1	3320
EcoRII	!CCWGG	44	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3551; 3599; 3695; 3710; 3839; 4975; 5030; 5047; 5826; 6405; 6508; 7198; 7211; 7332
EcoRV	GAT!ATC	0	
EcoT14I	C!CWGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5170; 5263; 5873; 6278

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
EcoT22I	ATGCA!T	5	1556; 2618; 5013; 5085; 7416
EcoT38I	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4632; 5806; 6516
Eco53kI	GAG!CTC	2	618; 2016
EgeI	GGC!GCC	2	1597; 5442
EheI	GGC!GCC	2	1597; 5442
ErhI	C!CWWGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5170; 5263; 5873; 6278
EsaBC3I	TC!GA	21	615; 792; 801; 1956; 2739; 3319; 3332; 3519; 3546; 4014; 4591; 5282; 5555; 5711; 5735; 5771; 5933; 6124; 6169; 6424; 7262
Esp3I	CGTCTCN!	0	
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0	
FaeI	CATG!	45	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3408; 3414; 3426; 3504; 3570; 3650; 3861; 4871; 5011; 5083; 5174; 5315; 5660; 5846; 5877; 5903; 6259; 6643; 7363; 7414
FaiI	YA!TR	95	39; 46; 50; 67; 138; 146; 234; 236; 291; 302; 310; 362; 555; 557; 637; 647; 673; 753; 832; 934; 1012; 1147; 1351; 1462; 1552; 1556; 1561; 1696; 1769; 1882; 1901; 1946; 2036; 2177; 2221; 2288; 2392; 2501; 2618; 2657; 2764; 2975; 3022; 3082; 3124; 3169; 3274; 3370; 3406; 3412; 3424; 3502; 3568; 3648; 3666; 3859; 3912; 3962; 4103; 4113; 4179; 4224; 4429; 4857; 4869; 5000; 5009; 5072; 5081; 5105; 5172; 5196; 5313; 5377; 5658; 5683; 5844; 5875; 5901; 5973; 6189; 6257; 6335; 6387; 6548; 6565; 6567; 6569; 6641; 6919; 7108; 7224; 7297; 7361; 7412
FalI	AAGNNNNNCTTNNNNNNNNNNNN!	2	3645; 5781
FalI	!NNNNNNNNAAGNNNNNCTT	2	3613; 5749
FaqI	GGGACNNNNNNNNNN!	15	175; 326; 494; 706; 795; 1600; 2098; 2285; 2461; 2491; 2634; 3163; 5592; 6124; 6233
FaqI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	6	2921; 3069; 4957; 5029; 5093; 6388
FatI	!CATG	45	300; 360; 635; 671; 751; 830; 1010; 1349; 1550; 1554; 1559; 1694; 1880; 1944; 2219; 2286; 2499; 2616; 2762; 3020; 3080; 3122; 3167; 3272; 3368; 3404; 3410; 3422; 3500; 3566; 3646; 3857; 4867; 5007; 5079; 5170; 5311; 5656; 5842; 5873; 5899; 6255; 6639; 7359; 7410
FauI	CCCGCNNNN!	12	93; 119; 286; 3022; 3094; 3834; 3936; 4763; 5118; 5139; 6335; 6467
FauI	!NNNNNNNGCGGG	10	771; 2177; 2388; 3335; 3871; 4694; 5564; 6101; 6239; 6386
FauNDI	CA!TATG	1	234
FbaI	T!GATCA	1	2691
FblI	GT!MKAC	2	3331; 3956
FmuI	GGNC!C	37	86; 279; 642; 696; 702; 714; 924; 1022; 1199; 1815; 1983; 2100; 2135; 2219; 2229; 2451; 2481; 2567; 2624; 2634; 2816; 2894; 2938; 3036; 3231; 3244; 3348; 3529; 3772; 3864; 3885; 4551; 5960; 6405; 6451; 6509; 6542
Fnu4HI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3525; 3576; 3720; 3837; 4018; 4088; 4218; 4737; 4759; 4773; 5211; 5350; 5402; 5413; 5503; 5508; 5545; 5586; 5673; 5679; 5915; 6011; 6052; 6066; 6180; 6519; 6534; 6745; 6951; 6954; 7019; 7162; 7317
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	14	829; 997; 1171; 1243; 1315; 1348; 1725; 2220; 2863; 3237; 5308; 5765; 5790; 6244
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	12	1012; 1117; 1273; 1834; 2323; 2704; 2758; 3447; 3535; 3592; 3747; 5114
FriOI	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4632; 5806; 6516
FseI	GGCCGG!CC	0	
FspI	TGC!GCA	1	5543
FspAI	RTGC!GCAY	0	
FspBI	C!TAG	10	592; 1364; 4055; 4096; 4290; 4708; 5264; 6279; 6613; 6866

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FspEI	CCNNNNNNNNNNNN!	264	56; 71; 98; 114; 128; 129; 156; 182; 220; 252; 291; 307; 333; 373; 450; 451; 482; 501; 520; 593; 614; 645; 675; 692; 709; 727; 777; 826; 882; 921; 936; 951; 975; 1017; 1035; 1053; 1068; 1086; 1102; 1125; 1147; 1177; 1198; 1212; 1250; 1294; 1320; 1341; 1359; 1387; 1404; 1425; 1449; 1497; 1519; 1546; 1563; 1597; 1612; 1626; 1645; 1677; 1696; 1712; 1749; 1807; 1828; 1846; 1860; 1893; 1920; 1944; 1965; 1986; 2013; 2057; 2071; 2092; 2112; 2148; 2166; 2193; 2207; 2232; 2253; 2268; 2292; 2316; 2331; 2349; 2376; 2391; 2415; 2430; 2464; 2483; 2517; 2559; 2579; 2619; 2637; 2656; 2696; 2722; 2766; 2788; 2814; 2829; 2848; 2868; 2902; 2917; 2937; 2951; 2967; 3004; 3027; 3049; 3076; 3099; 3130; 3144; 3180; 3196; 3210; 3243; 3257; 3291; 3322; 3353; 3368; 3447; 3477; 3494; 3508; 3541; 3555; 3573; 3597; 3612; 3642; 3675; 3702; 3717; 3736; 3772; 3819; 3838; 3853; 3876; 3898; 3921; 3941; 3962; 4008; 4050; 4066; 4101; 4124; 4163; 4177; 4318; 4413; 4437; 4460; 4483; 4501; 4523; 4544; 4563; 4582; 4611; 4632; 4646; 4672; 4760; 4786; 4835; 4876; 4894; 4933; 4949; 4987; 5044; 5059; 5116; 5136; 5150; 5167; 5181; 5218; 5233; 5276; 5359; 5426; 5457; 5477; 5492; 5537; 5551; 5617; 5631; 5650; 5666; 5707; 5727; 5774; 5824; 5840; 5860; 5885; 5905; 5928; 5955; 5973; 5999; 6039; 6065; 6089; 6145; 6159; 6187; 6230; 6251; 6286; 6330; 6418; 6442; 6464; 6484; 6500; 6521; 6535; 6554; 6638; 6658; 6686; 6701; 6735; 6777; 6804; 6819; 6864; 6888; 6902; 6924; 6950; 6970; 6994; 7020; 7068; 7087; 7106; 7132; 7167; 7212; 7242; 7256; 7307; 7321; 7346; 7362; 7383; 7412
FspEI	!NNNNNNNNNNNNNNNGG	220	8; 35; 59; 144; 166; 197; 252; 295; 347; 375; 400; 435; 463; 509; 529; 552; 586; 622; 670; 694; 733; 756; 790; 826; 850; 904; 929; 950; 971; 991; 1030; 1060; 1137; 1179; 1199; 1240; 1267; 1285; 1304; 1370; 1411; 1429; 1447; 1465; 1485; 1506; 1558; 1578; 1600; 1621; 1656; 1690; 1722; 1741; 1761; 1779; 1804; 1825; 1845; 1879; 1903; 1933; 1951; 1972; 1996; 2067; 2100; 2131; 2155; 2190; 2209; 2245; 2284; 2308; 2326; 2377; 2413; 2431; 2449; 2476; 2508; 2533; 2553; 2572; 2603; 2634; 2683; 2707; 2749; 2769; 2796; 2832; 2854; 2874; 2898; 2917; 2953; 2980; 3016; 3034; 3109; 3127; 3154; 3187; 3207; 3242; 3271; 3319; 3343; 3364; 3382; 3409; 3451; 3472; 3496; 3538; 3557; 3586; 3622; 3659; 3682; 3701; 3731; 3752; 3779; 3818; 3844; 3863; 3935; 3961; 4009; 4048; 4069; 4112; 4212; 4281; 4311; 4389; 4438; 4460; 4488; 4524; 4569; 4598; 4634; 4653; 4681; 4701; 4764; 4787; 4895; 4927; 4945; 4974; 5017; 5046; 5157; 5186; 5229; 5250; 5278; 5311; 5331; 5356; 5383; 5408; 5430; 5458; 5484; 5505; 5556; 5577; 5595; 5643; 5679; 5735; 5760; 5784; 5813; 5836; 5860; 5886; 5908; 5927; 5952; 5992; 6028; 6093; 6178; 6202; 6231; 6265; 6286; 6306; 6351; 6378; 6397; 6430; 6482; 6513; 6540; 6592; 6690; 6761; 6806; 6867; 6932; 6966; 6992; 7010; 7046; 7116; 7139; 7161; 7185; 7218; 7266; 7301; 7319; 7376
Fsp4HI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3525; 3576; 3720; 3837; 4018; 4088; 4218; 4737; 4759; 4773; 5211; 5350; 5402; 5413; 5503; 5508; 5545; 5586; 5673; 5679; 5915; 6011; 6052; 6066; 6180; 6519; 6534; 6745; 6951; 6954; 7019; 7162; 7317
GdiII	C!GGCCR	2	4085; 5347
GdiII	Y!GGCCG	5	1433; 4085; 5347; 5912; 5939
GlaI	GC!GC	28	596; 1033; 1597; 2329; 2729; 3181; 3221; 3290; 4706; 4714; 4740; 4762; 4771; 4784; 4815; 5434; 5442; 5506; 5543; 5809; 6069; 6245; 6331; 6734; 6843; 7017; 7117; 7184
GluI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3525; 3576; 3720; 3837; 4018; 4088; 4218; 4737; 4759; 4773; 5211; 5350; 5402; 5413; 5503; 5508; 5545; 5586; 5673; 5679; 5915; 6011; 6052; 6066; 6180; 6519; 6534; 6745; 6951; 6954; 7019; 7162; 7317
GsaI	CCCAG!C	3	4988; 5060; 7059
GsaI	GCTGG!G	4	2787; 3149; 3801; 5949
GsuI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	11	862; 1406; 1546; 1594; 1657; 1768; 1822; 2146; 2647; 2719; 6281
GsuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	2	3694; 6224
HaeI	WGG!CCW	20	821; 868; 1163; 1483; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2302; 2335; 2551; 3067; 3805; 4036; 5262; 5523; 6885; 7337; 7348

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
HaeII	RGCGC!Y	9	598; 1599; 2331; 2731; 3292; 4708; 4716; 5444; 7119
HaeIII	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3527; 3770; 3805; 3839; 3862; 3884; 3994; 4036; 4087; 4407; 4549; 5204; 5210; 5219; 5262; 5349; 5523; 5914; 5941; 6450; 6507; 6540; 6885; 7319; 7337; 7348
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNNN!	4	3100; 3292; 4116; 5637
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNNRTC	4	3066; 3258; 4082; 5603
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNNN!	4	3099; 3291; 4115; 5636
HaeIV	!NNNNNNNGAYNNNNNNRTC	4	3068; 3260; 4084; 5605
HapII	C!CGG	37	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3950; 4659; 5346; 5423; 5445; 5473; 5604; 5694; 5761; 5942; 6217; 6225; 6317; 6791; 6981; 7007; 7154
HgaI	GACGCNNNNN!	3	526; 6151; 6230
HgaI	!NNNNNNNNNGCGTC	5	936; 3942; 4774; 6669; 7247
HhaI	GCG!C	28	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 4707; 4715; 4741; 4763; 4772; 4785; 4816; 5435; 5443; 5507; 5544; 5810; 6070; 6246; 6332; 6735; 6844; 7018; 7118; 7185
HinI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3953; 5441; 6143; 6222
Hin1II	CATG!	45	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3408; 3414; 3426; 3504; 3570; 3650; 3861; 4871; 5011; 5083; 5174; 5315; 5660; 5846; 5877; 5903; 6259; 6643; 7363; 7414
Hin4I	GAYNNNNNVTCNNNNNNNNNNNN!	4	3099; 3291; 4115; 5636
Hin4I	!NNNNNNNNGABNNNNNNRTC	5	3067; 3259; 4083; 5604; 5634
Hin4I	GABNNNNNRTCNNNNNNNNNNNNN!	5	3099; 3291; 4115; 5636; 5666
Hin4I	!NNNNNNNNNGAYNNNNNVTC	4	3067; 3259; 4083; 5604
Hin6I	G!CGC	28	595; 1032; 1596; 2328; 2728; 3180; 3220; 3289; 4705; 4713; 4739; 4761; 4770; 4783; 4814; 5433; 5441; 5505; 5542; 5808; 6068; 6244; 6330; 6733; 6842; 7016; 7116; 7183
HinP1I	G!CGC	28	595; 1032; 1596; 2328; 2728; 3180; 3220; 3289; 4705; 4713; 4739; 4761; 4770; 4783; 4814; 5433; 5441; 5505; 5542; 5808; 6068; 6244; 6330; 6733; 6842; 7016; 7116; 7183
HincII	GTY!RAC	7	915; 1128; 1440; 2052; 2673; 3332; 4204
HindII	GTY!RAC	7	915; 1128; 1440; 2052; 2673; 3332; 4204
HindIII	A!AGCTT	2	622; 3313
HinfI	G!ANTC	19	410; 604; 649; 2038; 3247; 3506; 3656; 3983; 4092; 4484; 4506; 4916; 5926; 6060; 6112; 6170; 6207; 6989; 7385
HpaI	GTT!AAC	1	4204
HpaII	C!CGG	37	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3950; 4659; 5346; 5423; 5445; 5473; 5604; 5694; 5761; 5942; 6217; 6225; 6317; 6791; 6981; 7007; 7154
HphI	GGTGANNNNNNN!	5	376; 868; 3762; 6512; 6628
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	2033; 2790; 3651; 4558; 5619
Hpy8I	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 859; 897; 915; 1128; 1440; 2052; 2250; 2673; 3033; 3332; 3438; 3458; 3753; 3957; 3966; 4204; 4488; 4505; 4560; 7047
Hpy99I	CGWCG!	9	3336; 4015; 5531; 5559; 5853; 5868; 6145; 6530; 7263
Hpy166II	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 859; 897; 915; 1128; 1440; 2052; 2250; 2673; 3033; 3332; 3438; 3458; 3753; 3957; 3966; 4204; 4488; 4505; 4560; 7047
Hpy188I	TCN!GA	23	585; 609; 967; 1100; 1250; 1704; 1722; 1920; 2108; 2474; 2489; 3465; 3745; 4615; 5224; 5408; 5752; 6105; 6206; 6685; 6819; 7172; 7250
Hpy188III	TC!NNGA	42	613; 771; 792; 1017; 1134; 1350; 1385; 1794; 1938; 1956; 2125; 2373; 2428; 2574; 2595; 2841; 2938; 3021; 3135; 3265; 3738; 3942; 4096; 4868; 4920; 5233; 5286; 5459; 5775; 5784; 5867; 5923; 5967; 6057; 6090; 6159; 6640; 6714; 6797; 6895; 6993; 7127
HpyAV	CCTTCNNNNNN!	15	1389; 1701; 1962; 2205; 2250; 2907; 3078; 3141; 3288; 3546; 3594; 3639; 6086; 6193; 6872
HpyAV	!NNNNNGAAGG	18	768; 1072; 1149; 1221; 1389; 1755; 1833; 1887; 2108; 3466; 3838; 4674; 5569; 6298; 6314; 6497; 6814; 7124
HpyCH4III	ACN!GT	16	76; 198; 269; 543; 581; 1984; 3336; 3435; 4532; 5821; 5937; 6045; 6368; 6859; 7329; 7400

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
HpyCH4IV	A!CGT	21	122; 134; 175; 258; 339; 444; 911; 1265; 1358; 2384; 2453; 3734; 4010; 4501; 4513; 4556; 4666; 5557; 5744; 6525; 6658
HpyCH4V	TG!CA	34	675; 897; 1424; 1554; 1563; 1602; 1620; 1659; 2191; 2232; 2250; 2616; 3215; 3327; 3408; 3458; 3780; 3896; 4190; 4217; 4285; 5002; 5011; 5074; 5083; 5198; 5274; 5333; 5492; 5667; 5681; 6751; 7047; 7414
HpyF3I	C!TNAG	18	606; 653; 852; 1675; 1703; 2105; 2426; 2638; 3206; 3377; 3635; 3932; 4921; 5223; 6104; 6553; 6676; 7085
HpyF10VI	GCNNNNN!NNGC	43	90; 212; 244; 283; 376; 400; 834; 1396; 1560; 1608; 1665; 1941; 2005; 2022; 2185; 2466; 2532; 2963; 3010; 3023; 3186; 3226; 3414; 3845; 4668; 4698; 4725; 4767; 5008; 5080; 5131; 5210; 5432; 5516; 5539; 5678; 5801; 5884; 6151; 6338; 6542; 6741; 7313
Hsp92I	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3953; 5441; 6143; 6222
Hsp92II	CATG!	45	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3408; 3414; 3426; 3504; 3570; 3650; 3861; 4871; 5011; 5083; 5174; 5315; 5660; 5846; 5877; 5903; 6259; 6643; 7363; 7414
HspAI	G!CGC	28	595; 1032; 1596; 2328; 2728; 3180; 3220; 3289; 4705; 4713; 4739; 4761; 4770; 4783; 4814; 5433; 5441; 5505; 5542; 5808; 6068; 6244; 6330; 6733; 6842; 7016; 7116; 7183
KasI	G!GCGCC	2	1595; 5440
KfII	GG!GWCCC	2	2621; 2935
KpnI	GGTAC!C	1	3340
Kpn2I	T!CCGGA	2	770; 1793
KspI	CCG!GG	1	3343
Ksp22I	T!GATCA	1	2691
KspAI	GTT!AAC	1	4204
Kzo9I	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
LguI	GCTCTCN!	0	
LguI	!NNNNGAAGAGC	4	2656; 3380; 5785; 5995
LpnI	RGC!GCV	9	596; 1597; 2329; 2729; 3290; 4706; 4714; 5442; 7117
LpnPI	CCDGNNNNNNNNN!	116	102; 295; 614; 692; 709; 728; 784; 826; 887; 937; 951; 1018; 1042; 1057; 1102; 1147; 1207; 1294; 1346; 1405; 1456; 1497; 1546; 1597; 1612; 1645; 1696; 1749; 1807; 1831; 1846; 1872; 1978; 2058; 2092; 2173; 2242; 2281; 2324; 2344; 2386; 2560; 2580; 2638; 2659; 2725; 2823; 2848; 2881; 2902; 2926; 2967; 3007; 3058; 3076; 3154; 3214; 3252; 3269; 3361; 3508; 3565; 3613; 3647; 3709; 3724; 3785; 3853; 3877; 3901; 3963; 4050; 4178; 4483; 4672; 4895; 4933; 4949; 4989; 5044; 5061; 5161; 5246; 5359; 5436; 5458; 5481; 5617; 5631; 5650; 5707; 5774; 5824; 5840; 5897; 5955; 6164; 6230; 6254; 6330; 6419; 6522; 6555; 6786; 6804; 6950; 6970; 6994; 7020; 7069; 7167; 7212; 7242; 7321; 7346; 7383
LpnPI	!NNNNNNNNNNNNNCHGG	111	75; 268; 552; 586; 675; 694; 756; 798; 826; 910; 940; 991; 1030; 1137; 1179; 1267; 1285; 1318; 1370; 1429; 1465; 1510; 1558; 1578; 1606; 1668; 1695; 1722; 1779; 1804; 1845; 1951; 1996; 2077; 2110; 2131; 2190; 2218; 2254; 2317; 2413; 2449; 2533; 2553; 2611; 2683; 2707; 2769; 2796; 2832; 2854; 2874; 2898; 2917; 2980; 3031; 3049; 3127; 3187; 3224; 3242; 3333; 3538; 3586; 3682; 3783; 3826; 3935; 3961; 4048; 4524; 4644; 4701; 4764; 4962; 4974; 5034; 5046; 5278; 5323; 5366; 5408; 5430; 5458; 5505; 5567; 5589; 5679; 5746; 5769; 5813; 5908; 5927; 5952; 6101; 6202; 6245; 6302; 6392; 6495; 6522; 6540; 6776; 6813; 6966; 6992; 7132; 7150; 7185; 7266; 7319
Lsp1109I	GCAGCNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3587; 4029; 4229; 5514; 5556; 6077; 6530; 7030
Lsp1109I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3706; 4723; 5388; 5572; 5665; 6731; 6937
LweI	GCATCNNNNN!	13	1427; 2354; 2675; 2870; 3026; 3224; 3614; 4257; 5020; 5092; 5740; 5804; 6079
LweI	!NNNNNNNNNGATGC	12	357; 1286; 2304; 2603; 2841; 3767; 3806; 3935; 5399; 5654; 5870; 7262
MabI	A!CCWGGT	1	5030
MaeI	C!TAG	10	592; 1364; 4055; 4096; 4290; 4708; 5264; 6279; 6613; 6866

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MaeII	A!CGT	21	122; 134; 175; 258; 339; 444; 911; 1265; 1358; 2384; 2453; 3734; 4010; 4501; 4513; 4556; 4666; 5557; 5744; 6525; 6658
MaeIII	!GTNAC	18	61; 148; 497; 757; 1960; 2074; 3054; 3304; 3657; 4229; 4730; 4742; 5561; 5867; 6557; 6823; 6939; 7002
MaiI	GA!TC	43	587; 611; 790; 904; 1015; 1183; 1235; 1490; 1504; 1642; 1792; 1924; 2071; 2266; 2434; 2572; 2593; 2602; 2693; 2839; 2918; 3139; 3353; 3742; 3892; 3918; 4100; 5280; 5284; 5303; 5614; 5692; 5773; 5782; 5860; 6236; 6252; 6611; 6623; 6701; 6709; 6720; 6795
MaqI	CRTTGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	144; 197; 466; 540; 2181; 3099
MaqI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCAAYG	4	157; 240; 426; 2030
MauBI	CG!CGCGCG	0	
MbiI	CCG!CTC	2	4865; 6054
MbiI	GAG!CGG	4	2130; 4084; 4701; 6108
MboI	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
MboII	GAAGANNNNNNN!	18	694; 814; 985; 1008; 1072; 1321; 1477; 2673; 3397; 3682; 3795; 3915; 3983; 4697; 4925; 5802; 6012; 6631
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	2727; 6092; 6259; 6459; 6702
McaTI	GCGC!GC	0	
MfeI	C!AATTG	1	4191
MfII	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3916; 5612; 5858; 6250; 6609; 6621; 6707; 6718
MhII	GDGCH!C	25	620; 899; 1392; 1541; 2018; 2100; 2252; 2401; 2547; 2567; 2771; 3264; 3348; 3433; 3460; 3493; 4070; 4632; 5387; 5480; 5554; 5744; 5806; 6516; 7049
MIsI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4036; 5523
MluI	A!CGCGT	0	
MluNI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4036; 5523
MlyI	GAGTCNNNNN!	3	3665; 4493; 4925
MlyI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4086; 4500; 6106; 6983
MlyI13I	GG!CGCC	2	1596; 5441
MmeI	TCCRACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	932; 3788; 4534
MmeI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTYGGA	4	1299; 1475; 6966; 7150
MnII	CCTCNNNNNN!	24	778; 1174; 1710; 1854; 1924; 2317; 2435; 2480; 2904; 2968; 3319; 3539; 3718; 3733; 3816; 3949; 4060; 4160; 5224; 6042; 6248; 6562; 6932; 7256
MnII	!NNNNNGAGG	47	541; 678; 798; 837; 874; 1569; 1698; 1764; 1790; 1848; 1869; 1941; 2205; 2217; 2253; 2349; 2468; 2487; 2516; 2580; 2591; 2622; 2694; 2718; 2817; 2934; 3420; 3459; 3480; 3513; 3630; 3739; 3795; 3984; 4017; 4120; 4585; 4916; 5194; 5237; 5252; 5292; 5356; 5492; 5849; 6279; 7182
Mph1103I	ATGCA!T	5	1556; 2618; 5013; 5085; 7416
MreI	CG!CCGGCG	0	
MroI	T!CCGGA	2	770; 1793
MroNI	G!CCGGC	3	4658; 5941; 6224
MroXI	GAANN!NNTTC	1	2884
MscI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4036; 5523
MseI	T!TAA	18	7; 3395; 3620; 4076; 4142; 4203; 4324; 4345; 4356; 4368; 4379; 4396; 4494; 4765; 6584; 6598; 6603; 6655
MslI	CAYNN!NNRTG	10	365; 634; 1054; 2611; 2774; 3166; 3370; 3409; 3814; 5878
MspI	C!CGG	37	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3950; 4659; 5346; 5423; 5445; 5473; 5604; 5694; 5761; 5942; 6217; 6225; 6317; 6791; 6981; 7007; 7154
Msp20I	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4036; 5523
MspA1I	CMG!CKG	11	1635; 2163; 2463; 2697; 2793; 3342; 3829; 4939; 5547; 6776; 7021
MspCI	C!TTAAG	1	4323

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	CNNRNNNNNNNNNN!	387	36; 50; 71; 97; 113; 127; 147; 167; 219; 236; 251; 290; 306; 319; 332; 352; 373; 407; 424; 449; 481; 500; 523; 548; 574; 596; 613; 627; 640; 665; 684; 702; 720; 745; 759; 776; 791; 804; 825; 841; 864; 881; 897; 910; 930; 945; 963; 978; 993; 1017; 1041; 1056; 1085; 1101; 1127; 1146; 1164; 1177; 1200; 1216; 1237; 1252; 1278; 1293; 1312; 1340; 1362; 1376; 1397; 1412; 1429; 1455; 1471; 1485; 1522; 1537; 1552; 1567; 1585; 1605; 1624; 1644; 1665; 1687; 1707; 1722; 1748; 1765; 1795; 1813; 1830; 1845; 1864; 1877; 1893; 1929; 1944; 1957; 1977; 1990; 2005; 2019; 2038; 2052; 2069; 2091; 2104; 2117; 2137; 2158; 2172; 2192; 2217; 2232; 2245; 2263; 2280; 2297; 2310; 2323; 2343; 2362; 2375; 2390; 2408; 2424; 2438; 2454; 2476; 2493; 2512; 2527; 2542; 2558; 2574; 2587; 2607; 2629; 2646; 2691; 2710; 2724; 2743; 2757; 2775; 2788; 2809; 2822; 2847; 2860; 2880; 2901; 2925; 2940; 2961; 2979; 3005; 3026; 3049; 3075; 3093; 3110; 3125; 3147; 3165; 3180; 3196; 3209; 3231; 3245; 3264; 3277; 3297; 3312; 3331; 3353; 3370; 3389; 3403; 3417; 3435; 3465; 3483; 3498; 3513; 3531; 3564; 3579; 3607; 3622; 3646; 3659; 3675; 3693; 3707; 3723; 3736; 3750; 3771; 3784; 3805; 3824; 3838; 3852; 3870; 3883; 3900; 3921; 3940; 3954; 3981; 3999; 4019; 4033; 4049; 4066; 4081; 4101; 4114; 4129; 4148; 4165; 4178; 4219; 4233; 4246; 4264; 4302; 4317; 4335; 4376; 4400; 4420; 4438; 4459; 4482; 4514; 4529; 4551; 4569; 4582; 4603; 4620; 4633; 4646; 4662; 4675; 4705; 4720; 4745; 4763; 4776; 4791; 4815; 4829; 4853; 4878; 4894; 4932; 4948; 4987; 5001; 5015; 5043; 5059; 5073; 5087; 5116; 5129; 5150; 5159; 5181; 5211; 5227; 5245; 5275; 5298; 5322; 5346; 5365; 5393; 5419; 5435; 5448; 5471; 5485; 5505; 5518; 5532; 5551; 5565; 5578; 5594; 5609; 5622; 5638; 5653; 5669; 5694; 5713; 5729; 5742; 5755; 5773; 5787; 5801; 5817; 5839; 5855; 5874; 5896; 5912; 5935; 5954; 5968; 5984; 5998; 6018; 6034; 6047; 6069; 6102; 6116; 6136; 6149; 6163; 6217; 6230; 6253; 6266; 6285; 6302; 6329; 6365; 6398; 6417; 6442; 6463; 6490; 6503; 6520; 6534; 6549; 6565; 6625; 6650; 6666; 6688; 6701; 6715; 6746; 6760; 6785; 6803; 6818; 6831; 6850; 6863; 6878; 6907; 6926; 6944; 6969; 6984; 7003; 7019; 7038; 7056; 7072; 7086; 7105; 7132; 7155; 7177; 7196; 7211; 7224; 7241; 7261; 7288; 7301; 7320; 7345; 7368; 7382; 7395; 7412
MspJI	!NNNNNNNNNNNNYNG	320	8; 35; 59; 76; 97; 123; 145; 168; 197; 221; 269; 281; 310; 330; 347; 377; 400; 437; 465; 492; 511; 531; 553; 574; 593; 612; 632; 658; 676; 694; 733; 756; 778; 798; 817; 839; 856; 876; 904; 924; 941; 967; 991; 1015; 1040; 1060; 1077; 1120; 1138; 1158; 1180; 1199; 1234; 1252; 1279; 1305; 1324; 1343; 1361; 1378; 1407; 1429; 1447; 1466; 1491; 1511; 1528; 1546; 1569; 1591; 1618; 1639; 1656; 1673; 1690; 1722; 1739; 1756; 1774; 1796; 1818; 1838; 1867; 1886; 1903; 1924; 1942; 1963; 1997; 2021; 2043; 2060; 2077; 2110; 2132; 2155; 2191; 2215; 2233; 2254; 2273; 2297; 2317; 2341; 2359; 2377; 2407; 2432; 2450; 2468; 2486; 2506; 2525; 2547; 2566; 2596; 2620; 2642; 2665; 2684; 2707; 2731; 2749; 2766; 2796; 2821; 2842; 2869; 2894; 2918; 2940; 2960; 2980; 3000; 3031; 3049; 3067; 3104; 3121; 3139; 3160; 3182; 3205; 3225; 3242; 3259; 3281; 3298; 3327; 3344; 3364; 3382; 3409; 3439; 3463; 3481; 3505; 3524; 3546; 3586; 3607; 3633; 3653; 3682; 3724; 3758; 3779; 3799; 3826; 3844; 3861; 3879; 3907; 3928; 3947; 3973; 3995; 4018; 4041; 4067; 4093; 4122; 4151; 4193; 4276; 4311; 4338; 4361; 4390; 4434; 4456; 4488; 4524; 4541; 4562; 4599; 4619; 4636; 4653; 4688; 4706; 4724; 4741; 4765; 4787; 4814; 4842; 4868; 4906; 4927; 4944; 4962; 4985; 5006; 5034; 5057; 5078; 5096; 5117; 5134; 5157; 5181; 5201; 5219; 5241; 5272; 5294; 5320; 5339; 5356; 5384; 5403; 5422; 5440; 5458; 5479; 5501; 5525; 5558; 5578; 5596; 5617; 5643; 5670; 5687; 5704; 5721; 5747; 5769; 5791; 5809; 5829; 5848; 5870; 5908; 5928; 5952; 5972; 5992; 6019; 6043; 6076; 6095; 6123; 6145; 6174; 6202; 6227; 6246; 6265; 6286; 6303; 6320; 6351; 6378; 6398; 6421; 6441; 6478; 6495; 6514; 6540; 6560; 6599; 6626; 6645; 6663; 6700; 6718; 6759; 6777; 6803; 6820; 6852; 6881; 6909; 6930; 6953; 6972; 6993; 7011; 7028; 7046; 7072; 7093; 7113; 7133; 7151; 7172; 7198; 7215; 7234; 7253; 7282; 7301; 7319; 7338; 7356; 7374; 7397

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspR9I	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 3950; 4977; 5032; 5049; 5445; 5605; 5828; 6218; 6407; 6510; 6982; 7200; 7213; 7334
MssI	GTTT!AAAC	0	
MunI	C!AATTG	1	4191
MvaI	CC!WGG	44	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 4977; 5032; 5049; 5828; 6407; 6510; 7200; 7213; 7334
Mva1269I	GAATGCN!	1	4192
Mva1269I	G!CATTC	1	4285
MvnI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4090; 4365; 4741; 4761; 4785; 4816; 5507; 5808; 6246; 6330; 6393; 6462; 6735; 7316
MvrI	CGAT!CG	0	
MwoI	GCNNNNN!NNGC	43	90; 212; 244; 283; 376; 400; 834; 1396; 1560; 1608; 1665; 1941; 2005; 2022; 2185; 2466; 2532; 2963; 3010; 3023; 3186; 3226; 3414; 3845; 4668; 4698; 4725; 4767; 5008; 5080; 5131; 5210; 5432; 5516; 5539; 5678; 5801; 5884; 6151; 6338; 6542; 6741; 7313
NaeI	GCC!GGC	3	4660; 5943; 6226
NarI	GG!CGCC	2	1596; 5441
NciI	CC!SGG	14	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3950; 5445; 5605; 6218; 6982
NcoI	C!CATGG	7	360; 2219; 2762; 3167; 3368; 5170; 5873
NdeI	CA!TATG	1	234
NdeII	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
NgoAVIII	GACNNNNNTGANNNNNNNNNNNN!	4	280; 663; 2052; 3222
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNTCANNNNNGTC	1	3497
NgoAVIII	TCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	1	3533
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNGACNNNNNTGA	4	244; 627; 2016; 3186
NgoMIV	G!CCGGC	3	4658; 5941; 6224
NheI	G!CTAGC	1	591
NlaIII	CATG!	45	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3408; 3414; 3426; 3504; 3570; 3650; 3861; 4871; 5011; 5083; 5174; 5315; 5660; 5846; 5877; 5903; 6259; 6643; 7363; 7414
NlaIV	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3432; 3492; 3883; 4596; 4617; 4629; 4820; 4981; 5053; 5442; 5477; 6325; 6404; 6449; 7292; 7331
NlaCI	CATCACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	2442; 4273; 4588; 6180
NlaCI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGATG	3	347; 3757; 7252
Nli3877I	CYCGR!G	6	617; 1202; 1544; 2850; 2942; 3351
NmeAIII	GCCGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	5230; 5666
NmeAIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCGGC	3	1145; 3773; 5195
NmeDI	RCCGGYNNNNNNNN!	9	1205; 1604; 1694; 3250; 3369; 4670; 5772; 5953; 6236
NmeDI	!NNNNNNNNNNNNRCCGGY	9	1180; 1579; 1669; 3225; 3344; 4645; 5747; 5928; 6211
NmuCI	!GTSAC	8	1960; 2074; 3054; 3304; 3657; 4730; 5561; 5867
NotI	GC!GGCCGC	1	4085
NruI	TCG!CGA	0	
NsbI	TGC!GCA	1	5543
NsiI	ATGCA!T	5	1556; 2618; 5013; 5085; 7416
NspI	RCATG!Y	9	675; 1558; 2503; 3276; 3408; 5011; 5083; 5846; 7363
NspV	TT!CGAA	2	3318; 6123
OliI	CACNN!NNGTG	2	2774; 3370
PabI	GTA!C	15	220; 245; 300; 333; 384; 541; 1280; 2168; 3212; 3296; 3339; 3422; 3572; 3824; 5748
PacI	TTAAT!TAA	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PaeI	GCATG!C	5	1558; 2503; 5011; 5083; 5846
PaeR7I	C!TCGAG	1	613
PagI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4867; 6639
PalAI	GG!CGCGCC	0	
PasI	CC!CWGGG	5	1005; 2994; 3600; 6406; 6509
PauI	G!CGCGC	0	
PceI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3805; 5262
PciI	A!CATGT	2	3272; 7359
PciSI	GCTCTTCN!	0	
PciSI	!NNNNGAAGAGC	4	2656; 3380; 5785; 5995
PcsI	WCGNNNN!NNNCGW	8	797; 4019; 5735; 5812; 6055; 6129; 6522; 7040
PctI	GAATGCN!	1	4192
PctI	G!CATTC	1	4285
PdiI	GCC!GGC	3	4660; 5943; 6226
PdmI	GAANN!NNTTC	1	2884
PfeI	G!AWTC	8	649; 3506; 3983; 5926; 6060; 6170; 6207; 7385
Pfl23II	C!GTACG	0	
PfI FI	GACN!NNGTC	2	3118; 5559
PfI MI	CCANNNN!NTGG	1	3123
PfoI	T!CCNGGA	7	707; 812; 1043; 1583; 2720; 3710; 6216
PhoI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3527; 3770; 3805; 3839; 3862; 3884; 3994; 4036; 4087; 4407; 4549; 5204; 5210; 5219; 5262; 5349; 5523; 5914; 5941; 6450; 6507; 6540; 6885; 7319; 7337; 7348
PinAI	A!CCGGT	1	3357
PlaDI	CATCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	2888; 2987; 5822
PlaDI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGATG	3	2292; 5387; 5642
PleI	GAGTCNNNN!	3	3664; 4492; 4924
PleI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4086; 4500; 6106; 6983
Ple19I	CGAT!CG	0	
PmaCI	CAC!GTG	1	2454
PmeI	GTTT!AAAC	0	
PmII	CAC!GTG	1	2454
PpiI	GAACNNNNNCTCNNNNNNNNNNNNNN!	1	4523
PpiI	!NNNNNNNNGAGNNNNNGTTC	1	6653
PpiI	GAGNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNNNN!	1	6685
PpiI	!NNNNNNNGAACNNNNNCTC	1	4491
PpsI	GAGTCNNNN!	3	3664; 4492; 4924
PpsI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4086; 4500; 6106; 6983
Ppu10I	A!TGCAT	5	1552; 2614; 5009; 5081; 7412
Ppu21I	YAC!GTR	5	340; 1359; 2454; 4557; 5745
PpuMI	RG!GWCCY	4	699; 2226; 2621; 2935
PscI	A!CATGT	2	3272; 7359
PshAI	GACNN!NNGTC	1	4009
PshBI	AT!TAAT	1	7
PsiI	TTA!TAA	2	4224; 4429
Psp03I	GGWC!C	18	642; 696; 702; 714; 1022; 1815; 1983; 2135; 2229; 2451; 2481; 2624; 2634; 2816; 2938; 3036; 5960; 6405
Psp5II	RG!GWCCY	4	699; 2226; 2621; 2935
Psp6I	!CCWGG	44	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3551; 3599; 3695; 3710; 3839; 4975; 5030; 5047; 5826; 6405; 6508; 7198; 7211; 7332
Psp1406I	AA!CGTT	0	
Psp124BI	GAGCT!C	2	620; 2018
PspCI	CAC!GTG	1	2454
PspEI	G!GTNACC	0	
PspGI	!CCWGG	44	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3551; 3599; 3695; 3710; 3839; 4975; 5030; 5047; 5826; 6405; 6508; 7198; 7211; 7332
PspLI	C!GTACG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PspN4I	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3432; 3492; 3883; 4596; 4617; 4629; 4820; 4981; 5053; 5442; 5477; 6325; 6404; 6449; 7292; 7331
PspOMI	G!GGCCC	3	2096; 2563; 3344
PspOMII	CGCCARNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	125; 1636; 5171; 6170
PspOMII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNYTGGGCG	1	5573
PspPI	G!GNCC	37	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3526; 3769; 3861; 3882; 4548; 5957; 6402; 6448; 6506; 6539
PspPPI	RG!GWCCY	4	699; 2226; 2621; 2935
PspPRI	CCYCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	2445; 3012; 4994; 5066; 6572
PspPRI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGRGG	9	1689; 1723; 2078; 3032; 3132; 3621; 4049; 4907; 6102
PspXI	VC!TCGAGB	0	
PsrI	GAACNNNNNTACNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGTANNNNNNGTTC	0	
PsrI	GTANNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGAACNNNNNNNTAC	0	
PssI	RGGNC!CY	9	702; 924; 2099; 2100; 2229; 2567; 2624; 2938; 6542
PstI	CTGCA!G	3	1661; 2234; 3329
PstNI	CAGNNN!CTG	6	1572; 2274; 2841; 4043; 6542; 6950
PsuI	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3916; 5612; 5858; 6250; 6609; 6621; 6707; 6718
Psyl	GACN!NNGTC	2	3118; 5559
PteI	G!CGCGC	0	
PvuI	CGAT!CG	0	
PvuII	CAG!CTG	7	1635; 2163; 2463; 2697; 2793; 4939; 5547
RcaI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4867; 6639
RceI	CATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	5956
RceI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGATG	0	
RgaI	GCGAT!CGC	0	
RigI	GGCCGG!CC	0	
RleAI	CCCACANNNNNNNNNNNNNN!	1	4170
RleAI	!NNNNNNNNNTGTGGG	1	2768
RpaBI	CCCGCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaBI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGCGGG	0	
RpaB5I	CGRGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	805
RpaB5I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCCYCG	0	
RruI	TCG!CGA	0	
RsaI	GT!AC	15	219; 244; 299; 332; 383; 540; 1279; 2167; 3211; 3295; 3338; 3421; 3571; 3823; 5747
RsaNI	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 1278; 2166; 3210; 3294; 3337; 3420; 3570; 3822; 5746
RseI	CAYNN!NNRTG	10	365; 634; 1054; 2611; 2774; 3166; 3370; 3409; 3814; 5878
RsrII	CG!GWCCG	2	2132; 5957
Rsr2I	CG!GWCCG	2	2132; 5957
SacI	GAGCT!C	2	620; 2018
SacII	CCGC!GG	1	3343
SalI	G!TCGAC	1	3330
SapI	GCTCTCN!	0	
SapI	!NNNNGAAGAGC	4	2656; 3380; 5785; 5995
SaqAI	T!TAA	18	7; 3395; 3620; 4076; 4142; 4203; 4324; 4345; 4356; 4368; 4379; 4396; 4494; 4765; 6584; 6598; 6603; 6655
SatI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3525; 3576; 3720; 3837; 4018; 4088; 4218; 4737; 4759; 4773; 5211; 5350; 5402; 5413; 5503; 5508; 5545; 5586; 5673; 5679; 5915; 6011; 6052; 6066; 6180; 6519; 6534; 6745; 6951; 6954; 7019; 7162; 7317
Sau96I	G!GNCC	37	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3526; 3769; 3861; 3882; 4548; 5957; 6402; 6448; 6506; 6539

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Sau3AI	!GATC	43	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3740; 3890; 3916; 4098; 5278; 5282; 5301; 5612; 5690; 5771; 5780; 5858; 6234; 6250; 6609; 6621; 6699; 6707; 6718; 6793
SbfI	CCTGCA!GG	1	2234
ScaI	AGT!ACT	1	3211
SchI	GAGTCNNNNN!	3	3665; 4493; 4925
SchI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4086; 4500; 6106; 6983
SciI	CTC!GAG	1	615
ScrFI	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3553; 3601; 3697; 3712; 3841; 3950; 4977; 5032; 5049; 5445; 5605; 5828; 6218; 6407; 6510; 6982; 7200; 7213; 7334
SdaI	CCTGCA!GG	1	2234
SdeAI	CAGRAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	19	706; 1419; 1470; 1593; 1647; 1863; 1917; 2037; 2133; 2454; 2748; 2895; 3807; 3875; 3995; 5019; 5091; 5260; 7202
SdeAI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTYCTG	5	686; 1067; 1150; 5596; 6081
SdeOSI	GACNNNNRTGANNNNNNNNNNNNN!	3	279; 662; 2051
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNTCAYNNNNNGTC	0	
SdeOSI	TCAYNNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNGACNNNNRTGA	3	245; 628; 2017
SduI	GDGCH!C	25	620; 899; 1392; 1541; 2018; 2100; 2252; 2401; 2547; 2567; 2771; 3264; 3348; 3433; 3460; 3493; 4070; 4632; 5387; 5480; 5554; 5744; 5806; 6516; 7049
SeI	!CGCG	20	58; 3087; 3183; 3218; 3220; 3340; 4088; 4363; 4739; 4759; 4783; 4814; 5505; 5806; 6244; 6328; 6391; 6460; 6733; 7314
SetI	ASST!	111	125; 137; 178; 261; 308; 342; 447; 552; 568; 620; 626; 704; 770; 830; 848; 858; 914; 1153; 1205; 1223; 1268; 1283; 1361; 1369; 1430; 1460; 1481; 1574; 1619; 1637; 1670; 1757; 1820; 1967; 2018; 2027; 2124; 2165; 2231; 2242; 2360; 2380; 2387; 2456; 2465; 2487; 2639; 2648; 2699; 2717; 2795; 2828; 2968; 3179; 3191; 3261; 3311; 3317; 3392; 3419; 3515; 3565; 3586; 3737; 3872; 3890; 3941; 4009; 4013; 4028; 4052; 4131; 4152; 4161; 4173; 4222; 4389; 4504; 4516; 4559; 4596; 4646; 4669; 4793; 4941; 5036; 5229; 5342; 5470; 5549; 5560; 5632; 5703; 5747; 6007; 6153; 6197; 6528; 6559; 6618; 6661; 6804; 6825; 6924; 7061; 7076; 7095; 7107; 7151; 7197; 7248
SexAI	A!CCWGGT	1	5030
SfaAI	GCGAT!CGC	0	
SfaNI	GCATCNNNNN!	13	1427; 2354; 2675; 2870; 3026; 3224; 3614; 4257; 5020; 5092; 5740; 5804; 6079
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	12	357; 1286; 2304; 2603; 2841; 3767; 3806; 3935; 5399; 5654; 5870; 7262
SfcI	C!TRYAG	6	1657; 2230; 3325; 4776; 6903; 7094
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5216
SfoI	GGC!GCC	2	1597; 5442
Sfr274I	C!TCGAG	1	613
Sfr303I	CCGC!GG	1	3343
SfuI	TT!CGAA	2	3318; 6123

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgeI	CNNGNNNNNNNNNN!	305	6; 36; 71; 97; 123; 223; 236; 252; 290; 307; 336; 373; 407; 426; 491; 548; 579; 604; 625; 648; 684; 702; 720; 759; 783; 804; 825; 843; 866; 882; 897; 912; 930; 950; 967; 993; 1017; 1041; 1056; 1086; 1101; 1146; 1164; 1177; 1206; 1227; 1278; 1293; 1312; 1340; 1362; 1376; 1397; 1437; 1455; 1485; 1530; 1545; 1563; 1585; 1605; 1626; 1644; 1665; 1695; 1722; 1748; 1765; 1806; 1822; 1845; 1864; 1893; 1929; 1944; 1957; 1977; 1990; 2023; 2038; 2057; 2091; 2104; 2137; 2158; 2172; 2193; 2217; 2232; 2245; 2280; 2299; 2323; 2343; 2376; 2395; 2408; 2433; 2464; 2483; 2512; 2544; 2559; 2574; 2592; 2607; 2629; 2646; 2691; 2710; 2724; 2757; 2775; 2788; 2822; 2847; 2860; 2880; 2901; 2925; 2944; 2966; 2979; 3006; 3026; 3057; 3075; 3093; 3130; 3147; 3165; 3180; 3196; 3213; 3231; 3251; 3264; 3277; 3297; 3312; 3353; 3370; 3417; 3435; 3465; 3489; 3507; 3522; 3564; 3579; 3612; 3646; 3659; 3687; 3708; 3723; 3750; 3784; 3805; 3825; 3838; 3852; 3870; 3883; 3900; 3933; 3954; 3988; 4026; 4049; 4067; 4101; 4148; 4177; 4219; 4302; 4376; 4460; 4482; 4514; 4551; 4569; 4588; 4603; 4645; 4662; 4679; 4714; 4728; 4745; 4767; 4791; 4815; 4880; 4894; 4932; 4948; 4988; 5001; 5020; 5043; 5060; 5073; 5092; 5122; 5143; 5160; 5183; 5218; 5245; 5276; 5298; 5324; 5346; 5365; 5393; 5429; 5448; 5471; 5485; 5505; 5518; 5532; 5551; 5565; 5584; 5616; 5630; 5643; 5669; 5700; 5713; 5730; 5747; 5761; 5778; 5796; 5811; 5839; 5855; 5874; 5896; 5912; 5935; 5954; 5979; 5998; 6018; 6045; 6069; 6102; 6121; 6149; 6163; 6229; 6253; 6268; 6291; 6312; 6329; 6377; 6404; 6418; 6447; 6471; 6504; 6521; 6541; 6554; 6567; 6625; 6652; 6671; 6701; 6726; 6746; 6760; 6785; 6803; 6840; 6878; 6907; 6935; 6949; 6969; 6984; 7005; 7019; 7038; 7056; 7072; 7112; 7132; 7159; 7177; 7198; 7211; 7224; 7241; 7265; 7288; 7320; 7345; 7372; 7394
SgeI	!NNNNNNNNNNNNNCNNG	265	10; 45; 71; 97; 197; 226; 264; 281; 310; 347; 381; 400; 465; 522; 553; 578; 599; 622; 658; 676; 694; 733; 757; 778; 799; 817; 840; 860; 886; 904; 924; 941; 967; 991; 1015; 1042; 1060; 1120; 1138; 1180; 1201; 1252; 1279; 1314; 1336; 1361; 1378; 1411; 1429; 1459; 1504; 1526; 1546; 1570; 1591; 1618; 1639; 1669; 1696; 1722; 1739; 1780; 1804; 1838; 1867; 1903; 1924; 1942; 1963; 1997; 2031; 2065; 2111; 2132; 2155; 2191; 2215; 2254; 2273; 2297; 2317; 2350; 2369; 2407; 2438; 2457; 2486; 2518; 2548; 2566; 2603; 2620; 2665; 2684; 2707; 2731; 2749; 2770; 2796; 2821; 2842; 2875; 2899; 2918; 2940; 2980; 3000; 3031; 3049; 3067; 3104; 3121; 3139; 3160; 3182; 3205; 3225; 3242; 3259; 3286; 3327; 3344; 3391; 3409; 3439; 3463; 3481; 3505; 3538; 3586; 3620; 3661; 3682; 3724; 3758; 3779; 3799; 3826; 3844; 3865; 3886; 3907; 3928; 3962; 4000; 4023; 4041; 4075; 4122; 4151; 4193; 4276; 4350; 4434; 4456; 4488; 4525; 4543; 4562; 4619; 4636; 4653; 4688; 4706; 4726; 4746; 4765; 4789; 4854; 4906; 4962; 4994; 5017; 5034; 5066; 5096; 5117; 5134; 5157; 5192; 5219; 5250; 5272; 5298; 5320; 5339; 5367; 5403; 5422; 5445; 5466; 5484; 5501; 5525; 5558; 5590; 5617; 5643; 5674; 5704; 5721; 5747; 5770; 5791; 5813; 5833; 5853; 5870; 5909; 5928; 5953; 5972; 5992; 6019; 6043; 6076; 6095; 6123; 6145; 6203; 6227; 6246; 6265; 6286; 6303; 6351; 6378; 6398; 6421; 6445; 6478; 6495; 6515; 6541; 6599; 6626; 6645; 6675; 6700; 6720; 6759; 6777; 6814; 6852; 6881; 6909; 6930; 6958; 6979; 7012; 7030; 7086; 7106; 7133; 7151; 7172; 7198; 7215; 7239; 7262; 7294; 7319; 7346; 7368; 7397
Sgfl	GCGAT!CGC	0	
SgrAI	CR!CCGGYG	0	
SgrBI	CCGC!GG	1	3343
SgrDI	CG!TCGACG	0	
SgsI	GG!CGCGCC	0	
SimI	GG!GTC	5	27; 2935; 4588; 6375; 7168
SimI	!GACCC	10	106; 711; 1001; 2621; 2843; 2988; 3033; 5869; 6437; 6685
SinI	G!GWCC	18	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 5957; 6402
SlaI	C!TCGAG	1	613
SmaI	CCC!GGG	2	2848; 3349
SmiI	ATTT!AAAT	0	
SmiMI	CAYNN!NNRTG	10	365; 634; 1054; 2611; 2774; 3166; 3370; 3409; 3814; 5878
SmlI	C!TYRAG	10	613; 619; 1936; 3310; 3940; 4323; 5832; 6714; 6991; 7253
SmoI	C!TYRAG	10	613; 619; 1936; 3310; 3940; 4323; 5832; 6714; 6991; 7253

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SmuI	CCCGCNNNN!	12	93; 119; 286; 3022; 3094; 3834; 3936; 4763; 5118; 5139; 6335; 6467
SmuI	!NNNNNNNGCGGG	10	771; 2177; 2388; 3335; 3871; 4694; 5564; 6101; 6239; 6386
SnaBI	TAC!GTA	1	340
SpeI	A!CTAGT	0	
SphI	GCATG!C	5	1558; 2503; 5011; 5083; 5846
SrfI	GCCC!GGGC	0	
Sse9I	!AATT	13	18; 3007; 3320; 4077; 4191; 4255; 4333; 4359; 4370; 5017; 5089; 5181; 6599
Sse8387I	CCTGCA!GG	1	2234
Sse8647I	AG!GWCCT	1	2226
SseBI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3805; 5262
SsiI	C!CGC	45	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 1506; 1509; 1609; 1907; 2000; 3015; 3042; 3087; 3183; 3340; 3689; 3827; 3929; 4088; 4756; 4759; 4773; 4863; 5111; 5123; 5132; 5144; 5154; 5165; 5211; 5350; 5413; 5915; 5960; 6026; 6052; 6177; 6180; 6328; 6460; 6767; 6911; 7407
SsiI	G!CGG	38	370; 403; 528; 778; 1224; 1399; 1671; 2130; 2184; 2395; 2457; 2649; 3222; 3342; 3524; 3836; 3878; 4084; 4701; 4728; 4816; 4926; 5507; 5571; 5672; 5675; 5955; 6010; 6108; 6246; 6393; 6533; 6776; 7021; 7142; 7161; 7288; 7316
SspI	AAT!ATT	2	4349; 4902
SspDI	G!GCGCC	2	1595; 5440
SspD5I	GGTGANNNNNNNN!	5	376; 868; 3762; 6512; 6628
SspD5I	!NNNNNNNNNTCACC	5	2032; 2789; 3650; 4557; 5618
SstI	GAGCT!C	2	620; 2018
SstII	CCGC!GG	1	3343
SstE37I	CGAAGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1334; 3695
SstE37I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTCG	0	
Sth132I	CCCGNNNN!	33	92; 118; 285; 721; 1205; 1335; 1525; 1547; 2064; 2511; 2853; 2945; 3021; 3093; 3203; 3251; 3354; 3617; 3833; 3935; 3956; 4640; 4762; 5117; 5138; 5451; 5854; 5993; 6064; 6334; 6466; 6696; 7134
Sth132I	!NNNNNNNNNGCGG	34	15; 407; 470; 688; 770; 805; 1206; 1525; 1576; 2176; 2387; 2553; 2586; 2839; 2881; 2905; 3334; 3666; 3870; 4641; 4693; 4794; 5521; 5563; 5596; 6100; 6209; 6238; 6385; 6489; 6520; 6973; 7017; 7225
Sth302II	CC!GG	37	602; 697; 716; 772; 814; 1195; 1334; 1534; 1585; 1594; 1684; 1795; 1834; 2848; 2890; 2914; 2925; 3240; 3349; 3359; 3951; 4660; 5347; 5424; 5446; 5474; 5605; 5695; 5762; 5943; 6218; 6226; 6318; 6792; 6982; 7008; 7155
StrI	C!TCGAG	1	613
StsI	GGATGNNNNNNNNNN!	14	830; 998; 1172; 1244; 1316; 1349; 1726; 2221; 2864; 3238; 5309; 5766; 5791; 6245
StsI	!NNNNNNNNNNNNNNNCATCC	12	1011; 1116; 1272; 1833; 2322; 2703; 2757; 3446; 3534; 3591; 3746; 5113
StuI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3805; 5262
StyI	C!CWWGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5170; 5263; 5873; 6278
StyD4I	!CCNGG	58	88; 281; 695; 707; 713; 718; 812; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1532; 1583; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2846; 2867; 2888; 2912; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3347; 3551; 3599; 3695; 3710; 3839; 3948; 4975; 5030; 5047; 5443; 5603; 5826; 6216; 6405; 6508; 6980; 7198; 7211; 7332
SwaI	ATTT!AAAT	0	
TaaI	ACN!GT	16	76; 198; 269; 543; 581; 1984; 3336; 3435; 4532; 5821; 5937; 6045; 6368; 6859; 7329; 7400
TaiI	ACGT!	21	125; 137; 178; 261; 342; 447; 914; 1268; 1361; 2387; 2456; 3737; 4013; 4504; 4516; 4559; 4669; 5560; 5747; 6528; 6661
TaqI	T!CGA	21	614; 791; 800; 1955; 2738; 3318; 3331; 3518; 3545; 4013; 4590; 5281; 5554; 5710; 5734; 5770; 5932; 6123; 6168; 6423; 7261
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNNN!	4	2149; 4461; 5478; 6146
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	6390
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNNN!	3	2058; 3508; 3613
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	172; 5345; 5937
TasI	!AATT	13	18; 3007; 3320; 4077; 4191; 4255; 4333; 4359; 4370; 5017; 5089; 5181; 6599

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
TatI	W!GTACW	7	217; 297; 330; 381; 2165; 3209; 3419
TauI	GCSG!C	25	1511; 1611; 1674; 2002; 2460; 2652; 3185; 3527; 3839; 4090; 4761; 4775; 5213; 5352; 5415; 5510; 5675; 5678; 5917; 6013; 6054; 6182; 6536; 7164; 7319
TfiI	G!AWTC	8	649; 3506; 3983; 5926; 6060; 6170; 6207; 7385
TliI	C!TCGAG	1	613
TruII	T!TAA	18	7; 3395; 3620; 4076; 4142; 4203; 4324; 4345; 4356; 4368; 4379; 4396; 4494; 4765; 6584; 6598; 6603; 6655
Tru9I	T!TAA	18	7; 3395; 3620; 4076; 4142; 4203; 4324; 4345; 4356; 4368; 4379; 4396; 4494; 4765; 6584; 6598; 6603; 6655
TscAI	CASTGNN!	9	1491; 2052; 2086; 2936; 4287; 5570; 6680; 6951; 6964
TseI	G!CWGC	36	675; 729; 834; 837; 1083; 1221; 1408; 1455; 1656; 1668; 1742; 1884; 1969; 2188; 2460; 2511; 2790; 2793; 3177; 3189; 3575; 3719; 4017; 4217; 4736; 5401; 5502; 5544; 5585; 5678; 6065; 6518; 6744; 6950; 6953; 7018
TsoI	TARCCANNNNNNNNNN!	3	951; 4413; 4760
TsoI	!NNNNNNNNNTGGYTA	3	3544; 4218; 5970
Tsp45I	!GTSAC	8	1960; 2074; 3054; 3304; 3657; 4730; 5561; 5867
Tsp509I	!AATT	13	18; 3007; 3320; 4077; 4191; 4255; 4333; 4359; 4370; 5017; 5089; 5181; 6599
TspDTI	ATGAANNNNNNNNNN!	5	2893; 3427; 4199; 5500; 6204
TspDTI	!NNNNNNNNNTTCAT	10	26; 921; 1683; 2232; 3060; 3555; 3576; 5918; 6374; 6581
TspEI	!AATT	13	18; 3007; 3320; 4077; 4191; 4255; 4333; 4359; 4370; 5017; 5089; 5181; 6599
TspGWI	ACGGANNNNNNNNNN!	2	2506; 6316
TspGWI	!NNNNNNNNNTCCGT	3	1044; 2764; 3240
TspMI	C!CCGGG	2	2846; 3347
TspRI	CASTGNN!	9	1491; 2052; 2086; 2936; 4287; 5570; 6680; 6951; 6964
TstI	CACNNNNNNNTCCNNNNNNNNNNN!	2	921; 2951
TstI	!NNNNNNNGGANNNNNNNGTG	0	
TstI	GGANNNNNNGTGNNNNNNNNNNN!	0	
TstI	!NNNNNNNNCACNNNNNNNTCC	2	889; 2919
Tth111I	GACN!NNGTC	2	3118; 5559
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	3	2548; 2761; 6768
Tth111II	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	5876; 6736; 6775
UnbI	!GGNCC	37	82; 275; 638; 692; 698; 710; 920; 1018; 1195; 1811; 1979; 2096; 2131; 2215; 2225; 2447; 2477; 2563; 2620; 2630; 2812; 2890; 2934; 3032; 3227; 3240; 3344; 3525; 3768; 3860; 3881; 4547; 5956; 6401; 6447; 6505; 6538
Van9I	CCANNNN!NTGG	1	3123
Vha464I	C!TTAAG	1	4323
VneI	G!TGCAC	4	895; 2248; 3456; 7045
VpaK11AI	!GGWCC	18	638; 692; 698; 710; 1018; 1811; 1979; 2131; 2225; 2447; 2477; 2620; 2630; 2812; 2934; 3032; 5956; 6401
VpaK11BI	G!GWCC	18	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 5957; 6402
VspI	AT!TAAT	1	7
XagI	CCTNN!NNNAGG	2	772; 1750
XapI	R!AATTY	5	3007; 3320; 4255; 4359; 4370
XbaI	T!CTAGA	1	4095
XceI	RCATG!Y	9	675; 1558; 2503; 3276; 3408; 5011; 5083; 5846; 7363
XcmI	CCANNNNN!NNNTGG	4	686; 1381; 1491; 2760
XhoI	C!TCGAG	1	613
XhoII	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3916; 5612; 5858; 6250; 6609; 6621; 6707; 6718
XmaI	C!CCGGG	2	2846; 3347
XmaJI	C!CTAGG	2	5263; 6278
XmiI	GT!MKAC	2	3331; 3956
XmnI	GAANN!NNTTC	1	2884
XspI	C!TAG	10	592; 1364; 4055; 4096; 4290; 4708; 5264; 6279; 6613; 6866
ZraI	GAC!GTC	4	123; 176; 259; 445
ZrmI	AGT!ACT	1	3211
Zsp2I	ATGCA!T	5	1556; 2618; 5013; 5085; 7416